

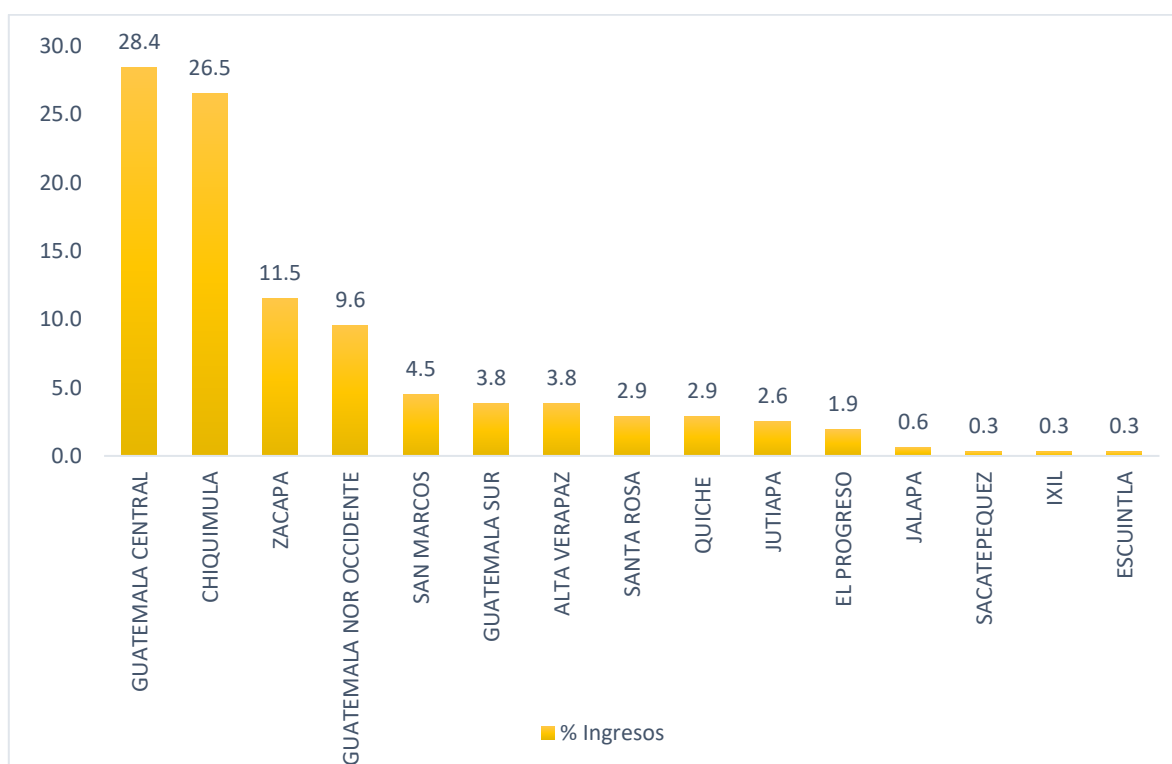


INFORME SEQ-49-02-2024

Este informe corresponde a la detección de variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) en muestras que ingresan a la Dirección del Laboratorio Nacional de Salud (DLNS) para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La Gráfica 1 corresponde al ingreso a la DLNS de 313 muestras del 09 de enero al 20 de febrero del 2024 para el proceso de secuenciación provenientes de las diferentes Direcciones Departamentales de Redes Integradas de Servicios de Salud (DDRIS).

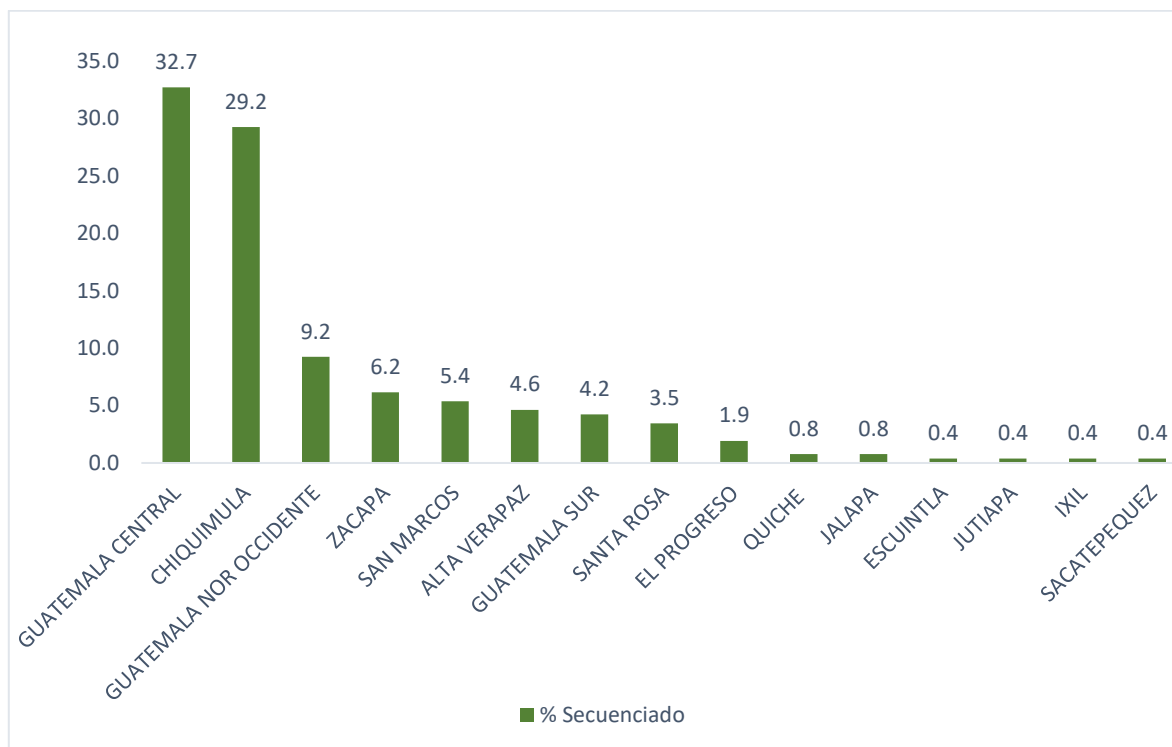
Gráfica 1. Porcentaje de muestras ingresadas a la DLNS para el proceso de secuenciación, por DDRIS, del 09 de enero al 20 de febrero del 2024



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

Se realizó una selección de 269 muestras que cumplieran los criterios de inclusión para el proceso de secuenciación, de las cuales se obtuvo la secuencia genómica efectiva de 260 muestras. En la gráfica 2 se observa el porcentaje de muestras secuenciadas por DDRIS.

Gráfica 2. Porcentaje de muestras secuenciadas localmente, por DDRISS, del 09 de enero al 20 de febrero del 2024



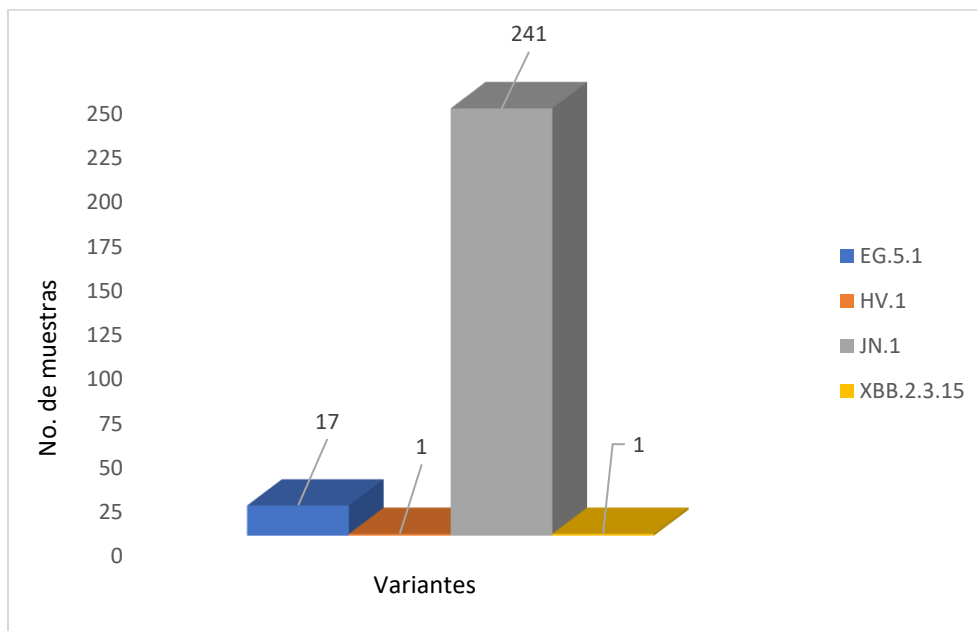
Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

En este proceso de secuenciación se detectaron las variantes JN.1, EG.5.1, HV.1 y XBB.2.3. La variante JN.1 representa un 89% de las infecciones notificadas por SARS-CoV-2 siendo la variante más prevalente a nivel global, y para la región de las Américas con una prevalencia del 86%. Basado en las características genéticas, JN.1 posee ventaja antigénica para evadir la inmunidad previa, pero no sugiere riesgo adicional en salud pública relativa a otros linajes de ómicron que circulan actualmente por lo que la OMS informa que a la fecha no hay reportes de cambios en la severidad de la enfermedad.

Del total de las muestras que se obtuvo asignación de linaje, el 100% corresponde a la variante Ómicron, siendo la JN.1 una clasificación de variante de interés (VOI) desde el 19 de diciembre de 2023 según la Organización Mundial de la Salud. En la gráfica 3 se pueden observar los diversos sublinajes de la variante Ómicron y en la gráfica 4 se observa la variante JN.1 y sus distintos sublinajes.

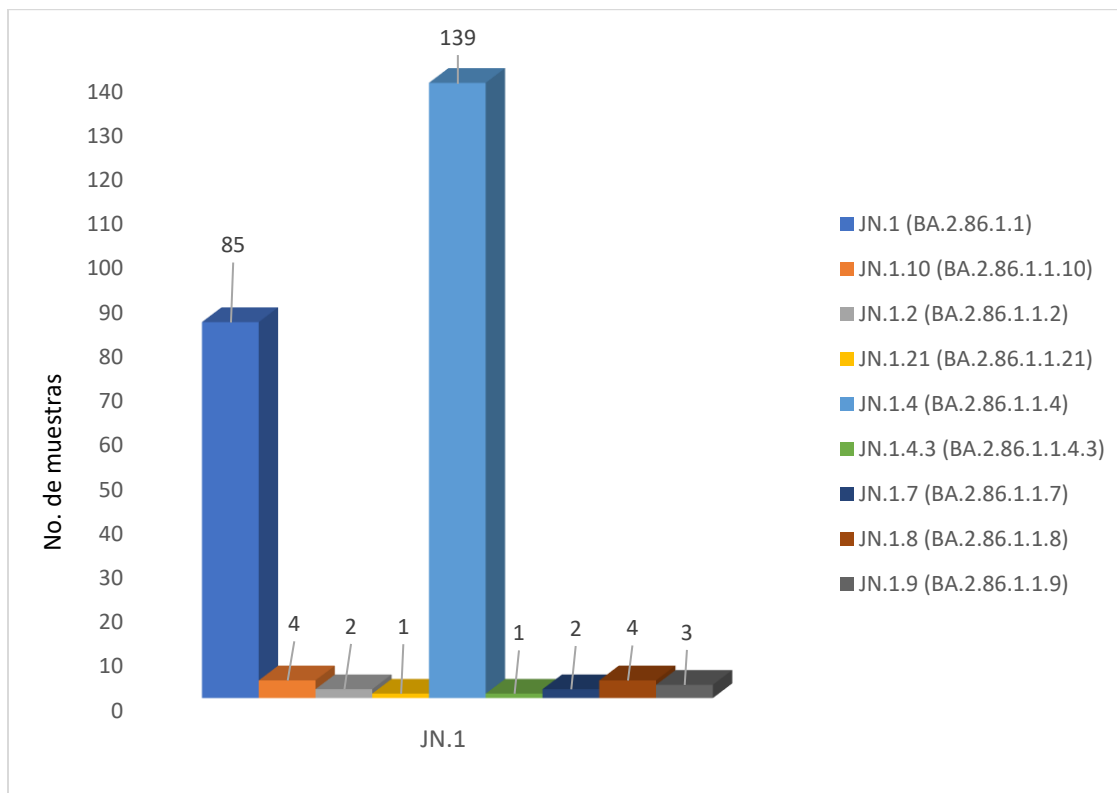
La variante más frecuente corresponde a la JN.1 (BA.2.86.1.1) junto con todos sus sublinajes representando el 92,7% de las secuencias. Las variantes EG.5.1, HV.1 y XBB.2.3 representan el 7,30% del restante de muestras secuenciadas. El sublinaje JN.1.4 (BA.2.86.1.1.4) corresponde el 57,67% siendo el sublinaje recombinante de JN.1 de mayor predominancia, seguido de otras recombinantes como la JN.1.2, JN.1.7, JN.1.9, JN.1.10.

Gráfica 3. Variante de Ómicron detectadas por el proceso de secuenciación local, del 09 de enero al 20 de febrero del 2024



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

Gráfica 4. Variante JN.1 y sus distintos sublinajes detectados en el proceso de secuenciación local, del 09 de enero al 20 de febrero del 2024

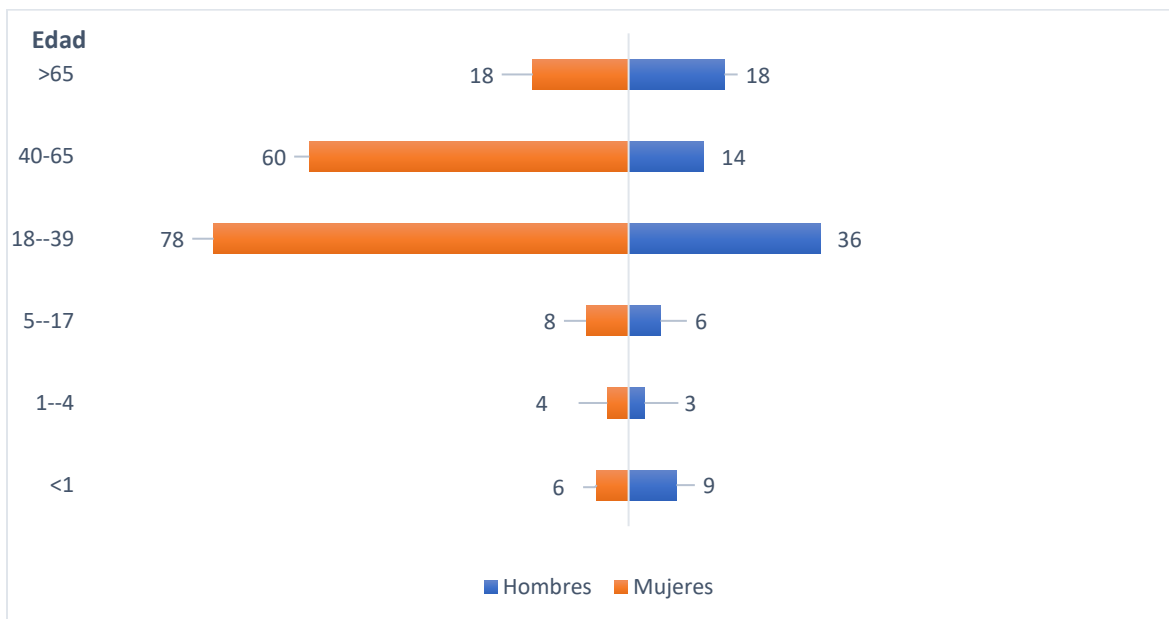


Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.



De las muestras secuenciadas, la mayoría pertenecen al sexo femenino en el rango de edad entre 18 a 39 años (gráfica 5).

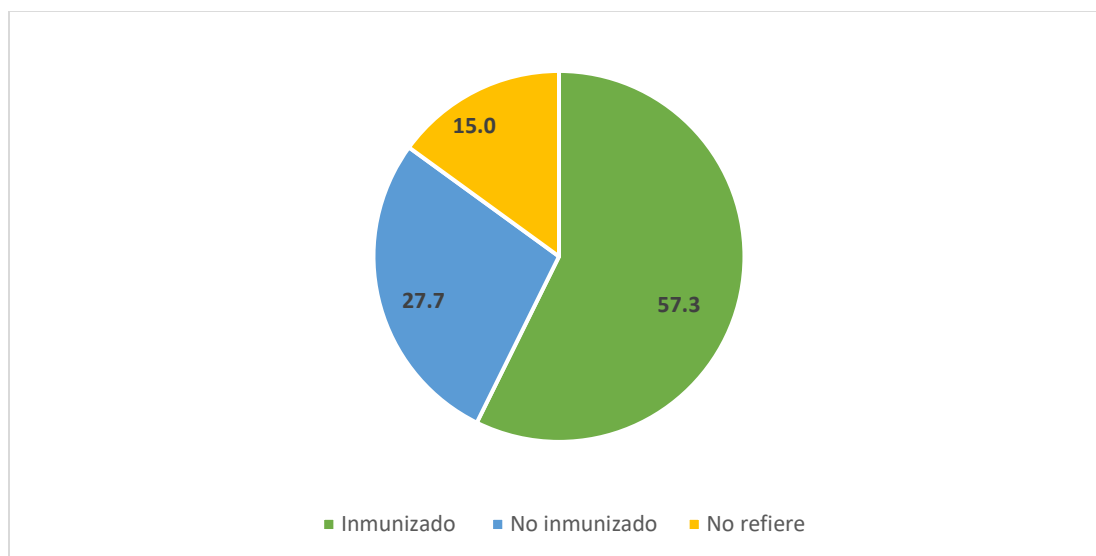
Gráfica 5. casos por edad y sexo de muestras secuenciadas localmente, del 09 de enero al 20 de febrero del 2024



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

De los casos secuenciados la mayoría refirió antecedentes de vacunación, según ficha epidemiológica (Gráfica 6).

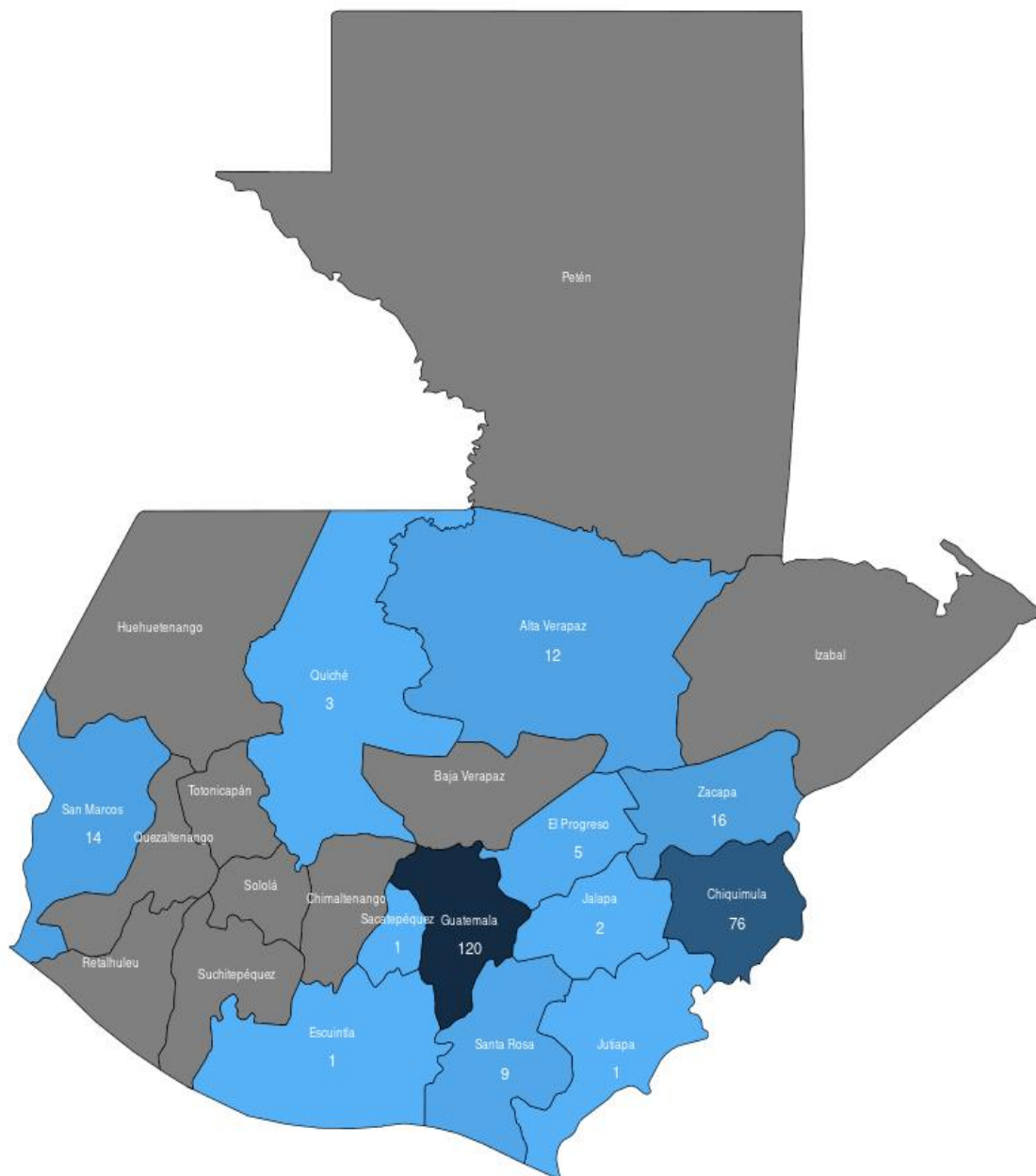
Gráfica 6. Porcentaje de casos inmunizados de muestras secuenciadas localmente, del 09 de enero al 20 de febrero del 2024



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

A continuación, se presentan los casos de VOC detectados en Guatemala distribuidos por departamento.

Imagen 1. Distribución de casos VOC detectados por departamento del 09 de enero al 20 de febrero del 2024

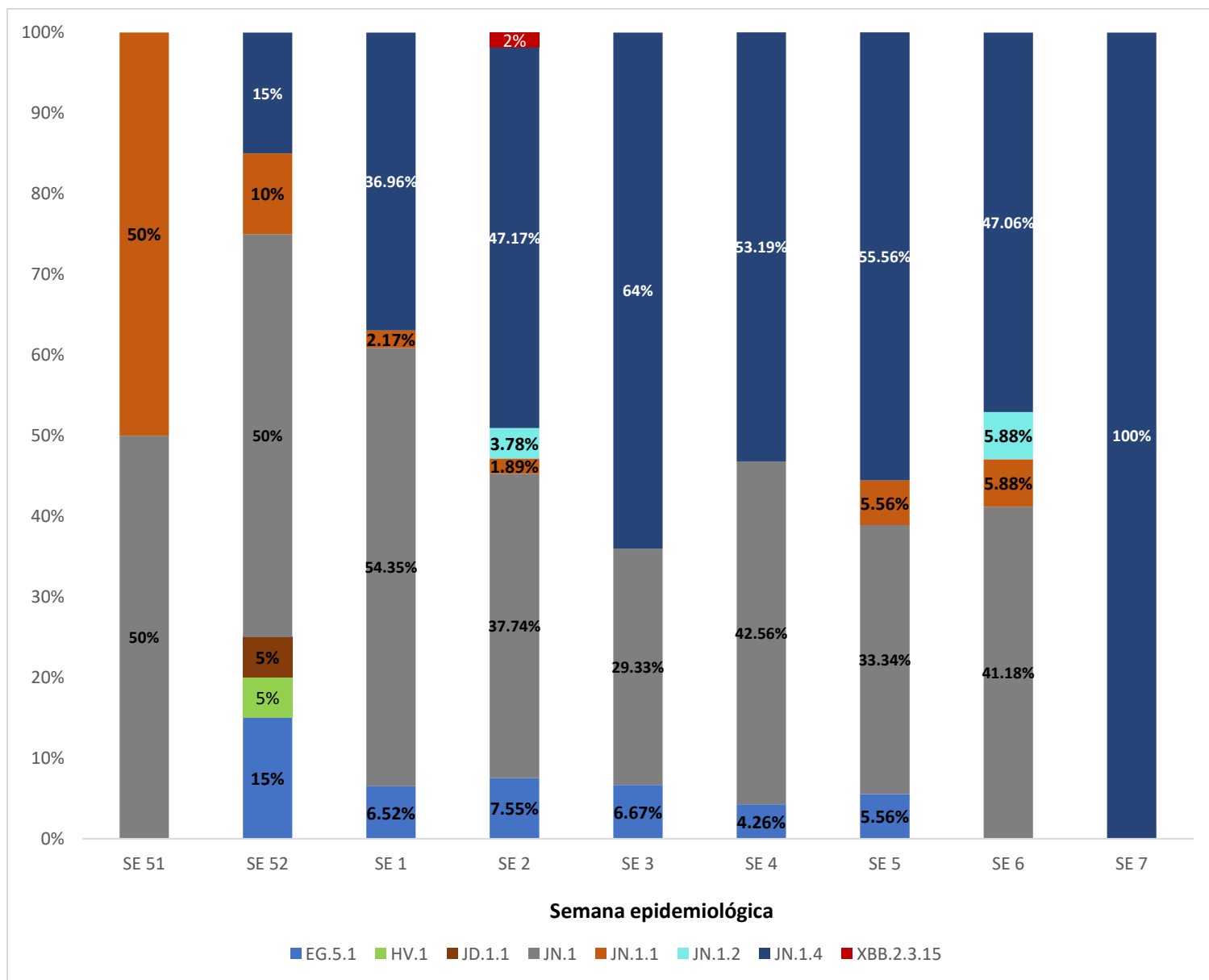


Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud -DLNS-.



En gráfica 7 se observa el comportamiento de los diferentes sublinajes, de las semanas epidemiológicas 51 y 52 del año 2023 y semanas epidemiológicas 1 al 7 del año 2024.

Gráfica 7. Proporción de casos de VOC de muestras secuenciadas localmente, de las semanas epidemiológicas 51 y 52 del año 2023 y semanas epidemiológicas 1 al 7 del año 2024.



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.