

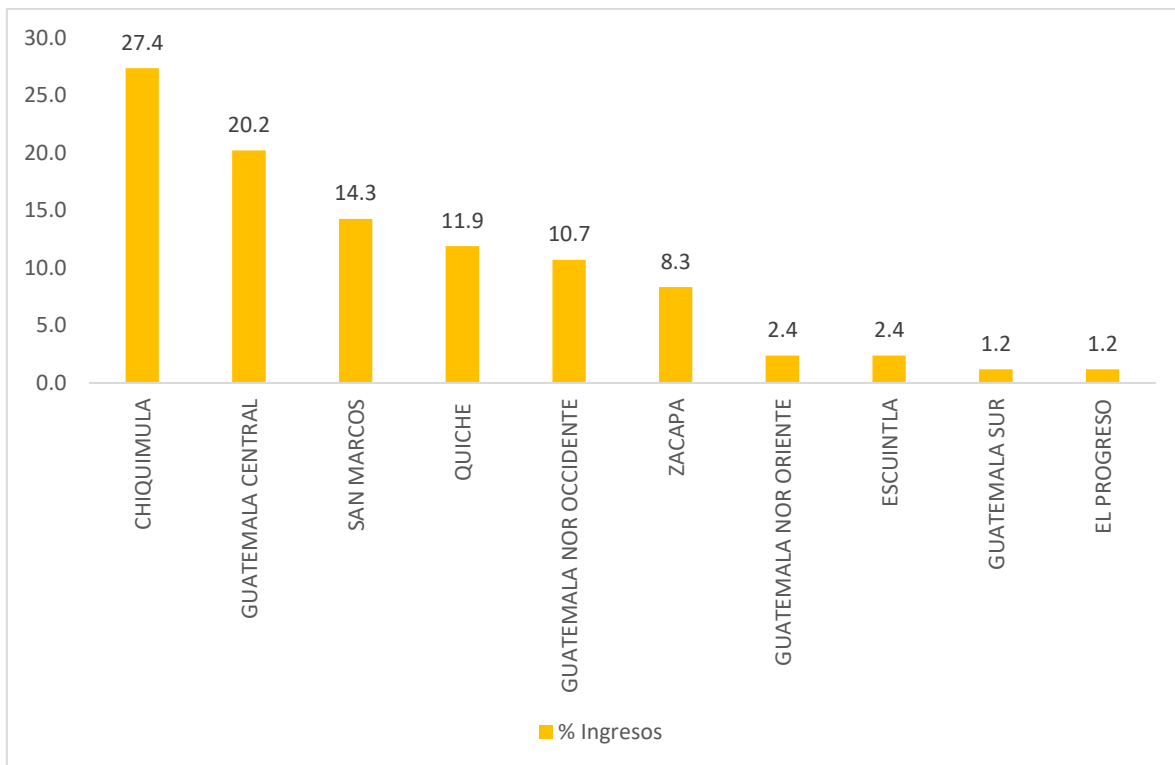


INFORME SEQ-48-01-2024

Este informe corresponde a la detección de variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) en muestras que ingresan a la Dirección del Laboratorio Nacional de Salud (DLNS) para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La Gráfica 1 corresponde al ingreso a la DLNS de 84 muestras del 05 de diciembre de 2023 al 08 de enero del 2024 para el proceso de secuenciación provenientes de las diferentes Direcciones Departamentales de Redes Integradas de Servicios de Salud (DDRIS).

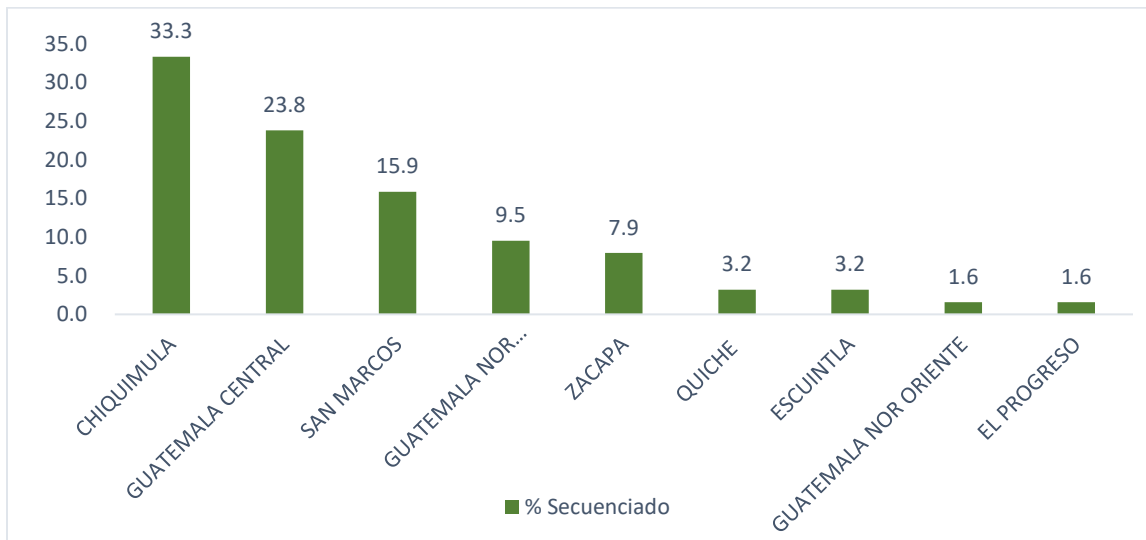
Gráfica 1. Porcentaje de muestras ingresadas a la DLNS para el proceso de secuenciación, por DDRIS, del 05 de diciembre del 2023 al 08 de enero del 2024



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

Se realizó una selección de 67 muestras que cumplieran los criterios de inclusión para el proceso de secuenciación, de las cuales se obtuvo la secuencia genómica efectiva de 63 muestras. En la gráfica 2 se observa el porcentaje de muestras secuenciadas por DDRIS.

Gráfica 2. Porcentaje de muestras secuenciadas localmente, por DDRISS, del 05 de diciembre del 2023 al 08 de enero del 2024



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

En este proceso de secuenciación se detectaron por primera vez los siguientes sublinajes: JN.2 (BA.2.86.1.2); ha presentado mutación en la región ORF1a:Y621C. Este sublinaje muestra mayor predominio de casos en Suecia 40,0%, Reino Unido 16,0%, Canadá 15,0%, Dinamarca 6,0%, Estados Unidos de América 4,0%.

La variante HK.3.1 (XBB.1.9.2.5.1.1.3.1) presenta mutación en la proteína Spike (S:F157L), el predominio de casos se ha encontrado en Corea del Sur 20,0%, China 14,0%, Singapur 10,0%, Estados Unidos de América 10,0%, Canadá 10,0%. Esta variante se ha encontrado como un sublinaje de EG.5.1.1, sin embargo, recientemente por las mutaciones presentadas en su secuencia expertos la han separado de la variante EG.5 que domina en Estados Unidos.

Del total de las muestras que se obtuvo asignación de linaje, el 100% corresponde a la variante Ómicron, siendo la JN.1 una clasificación de variante de interés (VOI) desde el 19 de diciembre de 2023 según la Organización Mundial de la Salud. En la tabla 3 se pueden observar los diversos sublinajes de la variante Ómicron.

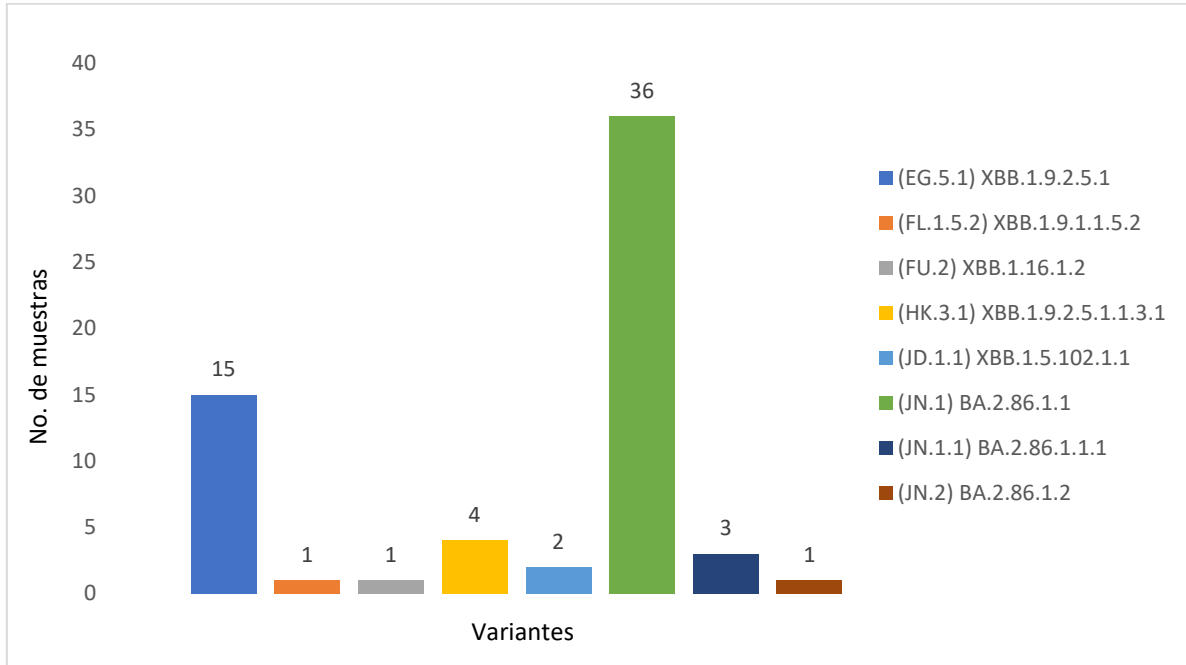
La variante más frecuente corresponde a la JN.1 con los sublinajes JN.1.1 y JN.2, el cual representan el 63.5% de las muestras secuenciadas. La variante recombinante XBB juntos con todos sus sublinajes representan el 36.5% de las secuencias. El sublinaje JN.1 (BA.2.86.1.1) es la variante más predominante 57.1%; la segunda con mayor predominancia es EG.5.1.6 (XBB.1.9.2.5.1.) 23.80%, seguido de las otras recombinantes XBB (12.6%): HK.3.1, FU.2, FL.1.5.2 y JD.1.1. El 6.3% restante corresponden a los sublinajes JN.1.1 y JN.2.



Ministerio de
**Salud Pública
y Asistencia
Social**

Dirección del Laboratorio
Nacional de Salud

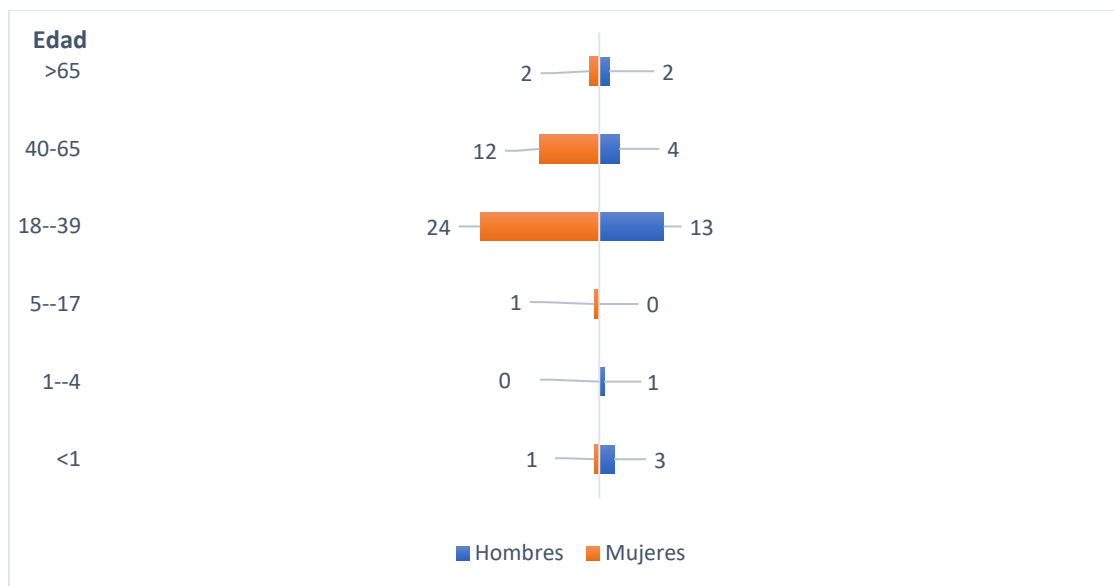
Gráfica 3. Variante de Ómicron Y recombinantes XBB detectadas por el proceso de secuenciación local, del 05 de diciembre del 2023 al 08 de enero del 2024



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

De las muestras secuenciadas, la mayoría pertenecen al sexo femenino en el rango de edad entre 18 a 39 años (gráfica 4).

Gráfica 4. casos por edad y sexo de muestras secuenciadas localmente, del 05 de diciembre del 2023 al 08 de enero del 2024

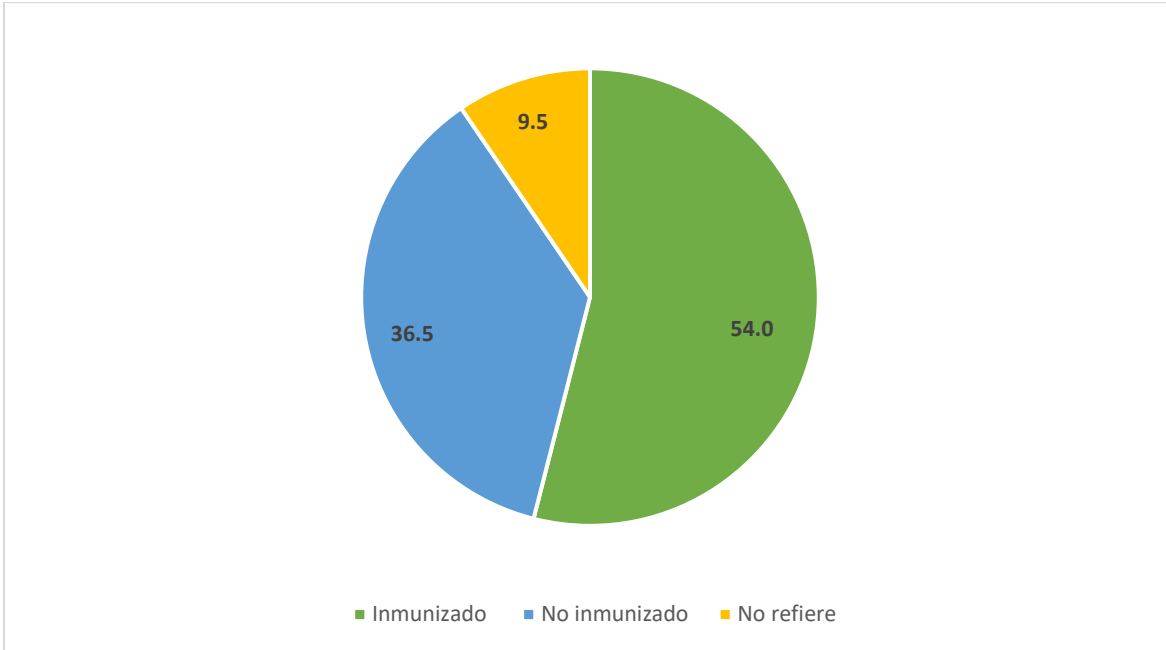


Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.



De los casos secuenciados la mayoría refirió antecedentes de vacunación, según ficha epidemiológica (Gráfica 5).

Gráfica 5. Porcentaje de casos inmunizados de muestras secuenciadas localmente, del 05 de diciembre del 2023 al 08 de enero del 2024

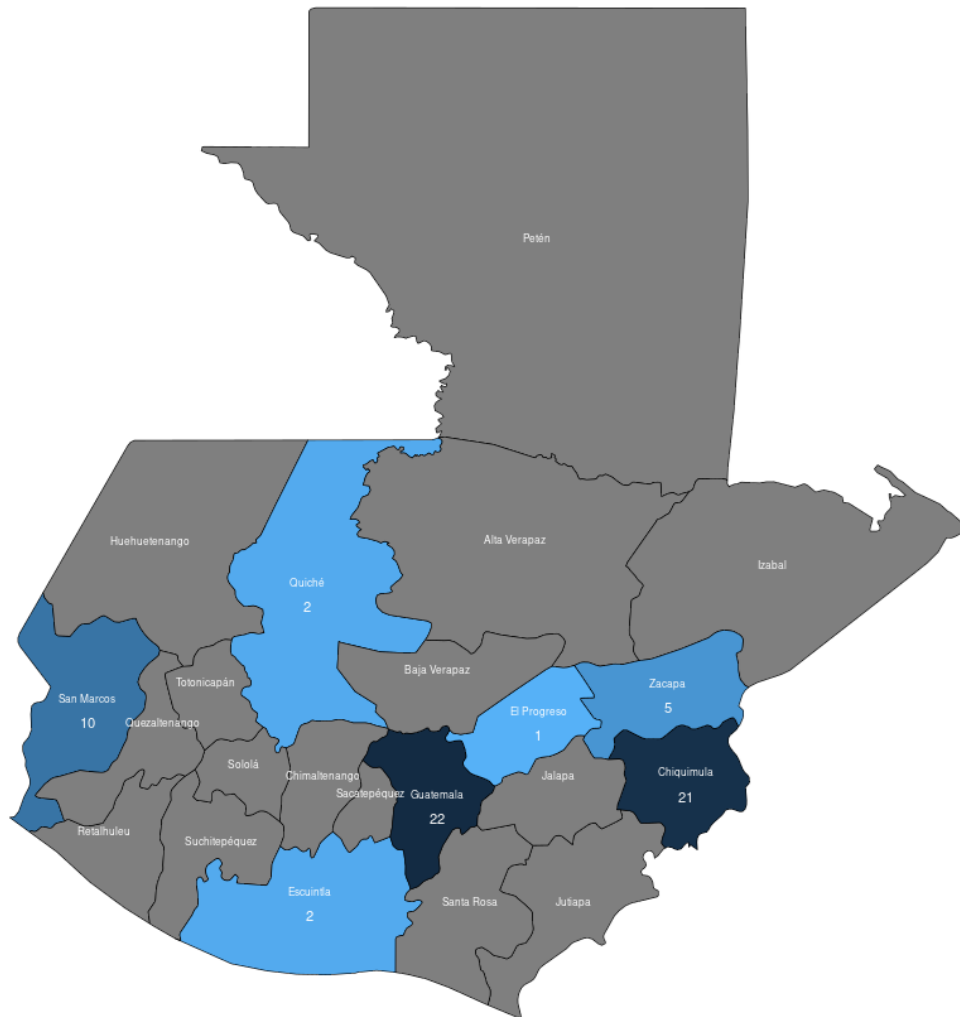


Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

A continuación, se presentan los casos de VOC detectados en Guatemala distribuidos por departamento.



Imagen 1. Distribución de casos VOC detectados por departamento del 05 de diciembre del 2023 al 08 de enero del 2024



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud -DLNS-.

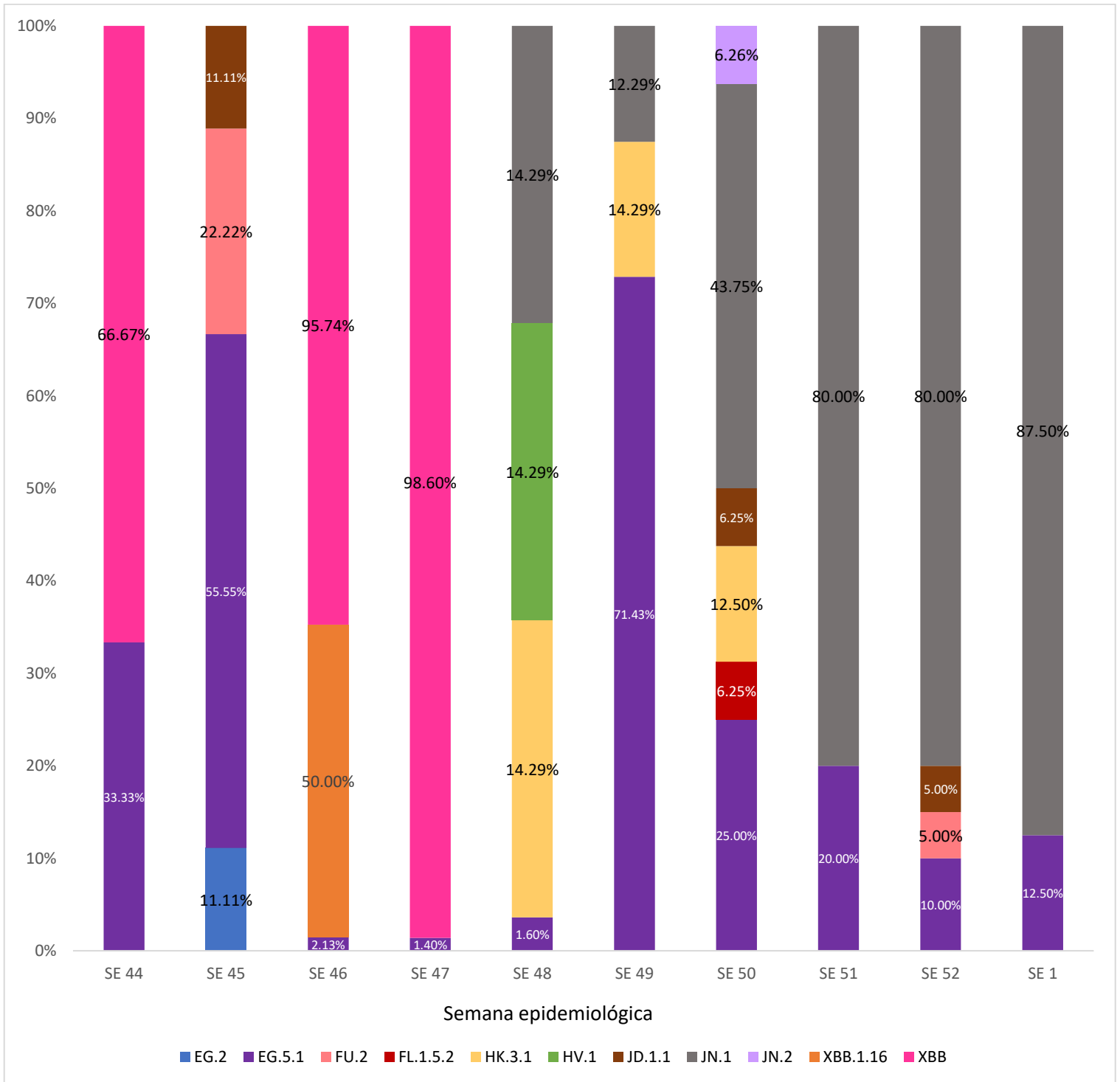
En gráfica 6 se puede observar el comportamiento de los diferentes sublinajes, de las semanas epidemiológicas de la 44 a la 52 del año 2023 y semana epidemiológica 1 del año 2024.



Ministerio de
**Salud Pública
y Asistencia
Social**

Dirección del Laboratorio
Nacional de Salud

Gráfica 6. Proporción de casos de VOC de muestras secuenciadas localmente, de las semanas epidemiológicas 44 a la 52 del año 2023 y semana epidemiológica 1 del año 2024



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.