

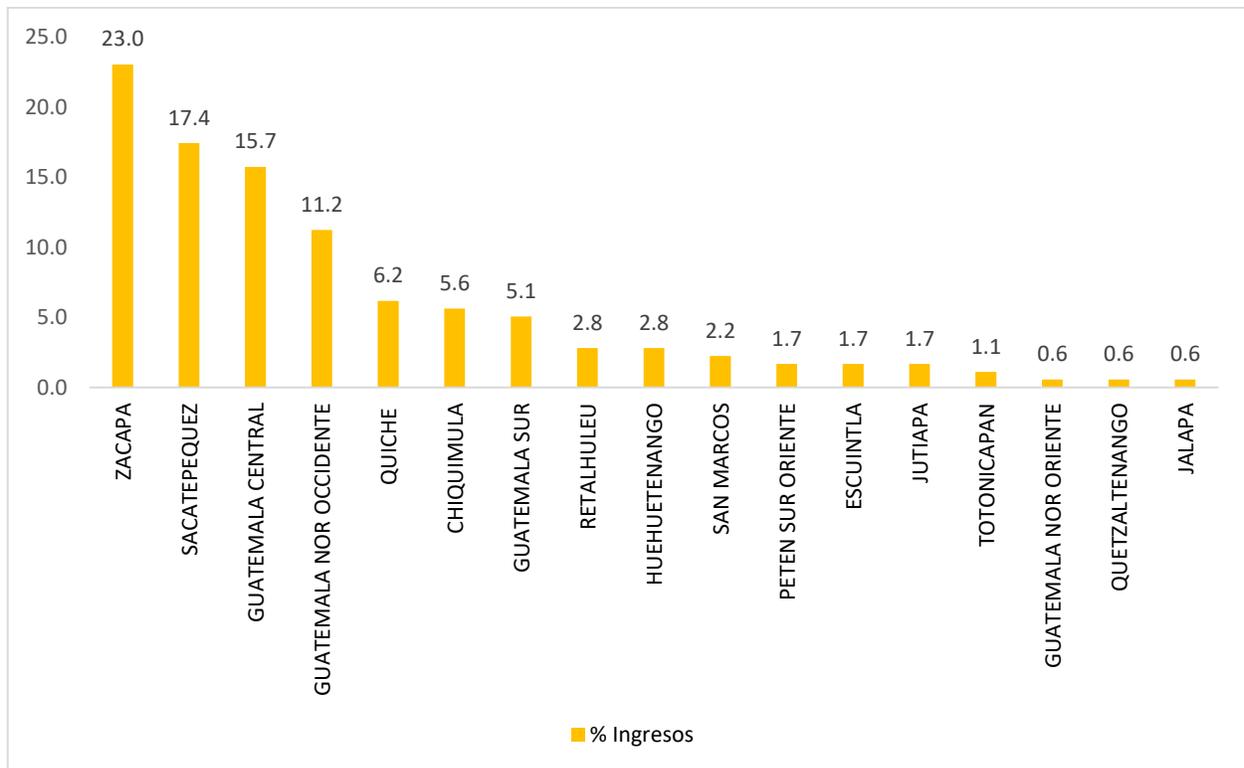


## INFORME SEQ-46-10-2023

Este informe corresponde a la detección de variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) en muestras que ingresan a la Dirección del Laboratorio Nacional de Salud (DLNS) para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La Gráfica 1 corresponde al ingreso al DLNS de 177 muestras del 15 de agosto al 05 de octubre del año en curso para el proceso de secuenciación provenientes de las diferentes Direcciones Departamentales de Redes Integradas de Servicios de Salud (DDRIS).

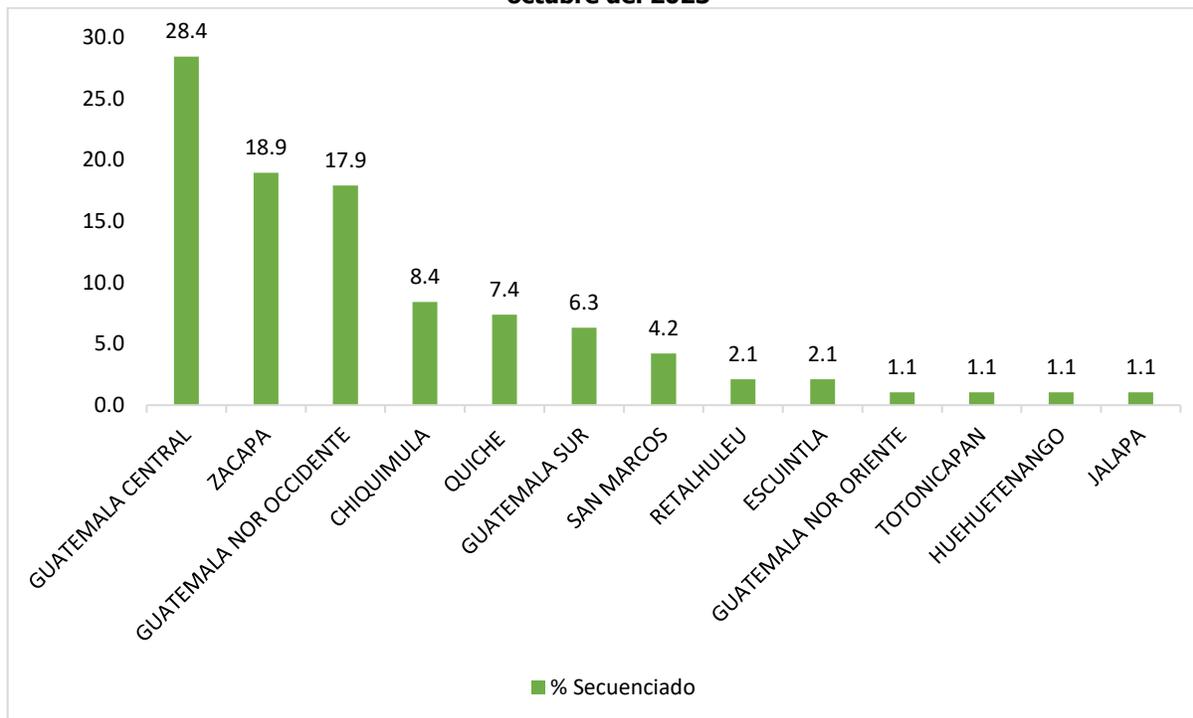
**Gráfica 1. Porcentaje de muestras ingresadas a la DLNS para el proceso de secuenciación, por DDRIS, del 15 de agosto al 05 de octubre del 2023**



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

Se realizó una selección de 95 muestras que cumplieran los criterios de inclusión para el proceso de secuenciación, de las cuales se obtuvo la secuencia genómica efectiva de 83 muestras. En la gráfica 2 se observa el porcentaje de muestras secuenciadas por DDRIS.

**Gráfica 2. Porcentaje de muestras secuenciadas localmente, por DDRISS, del 15 de agosto al 05 de octubre del 2023**



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

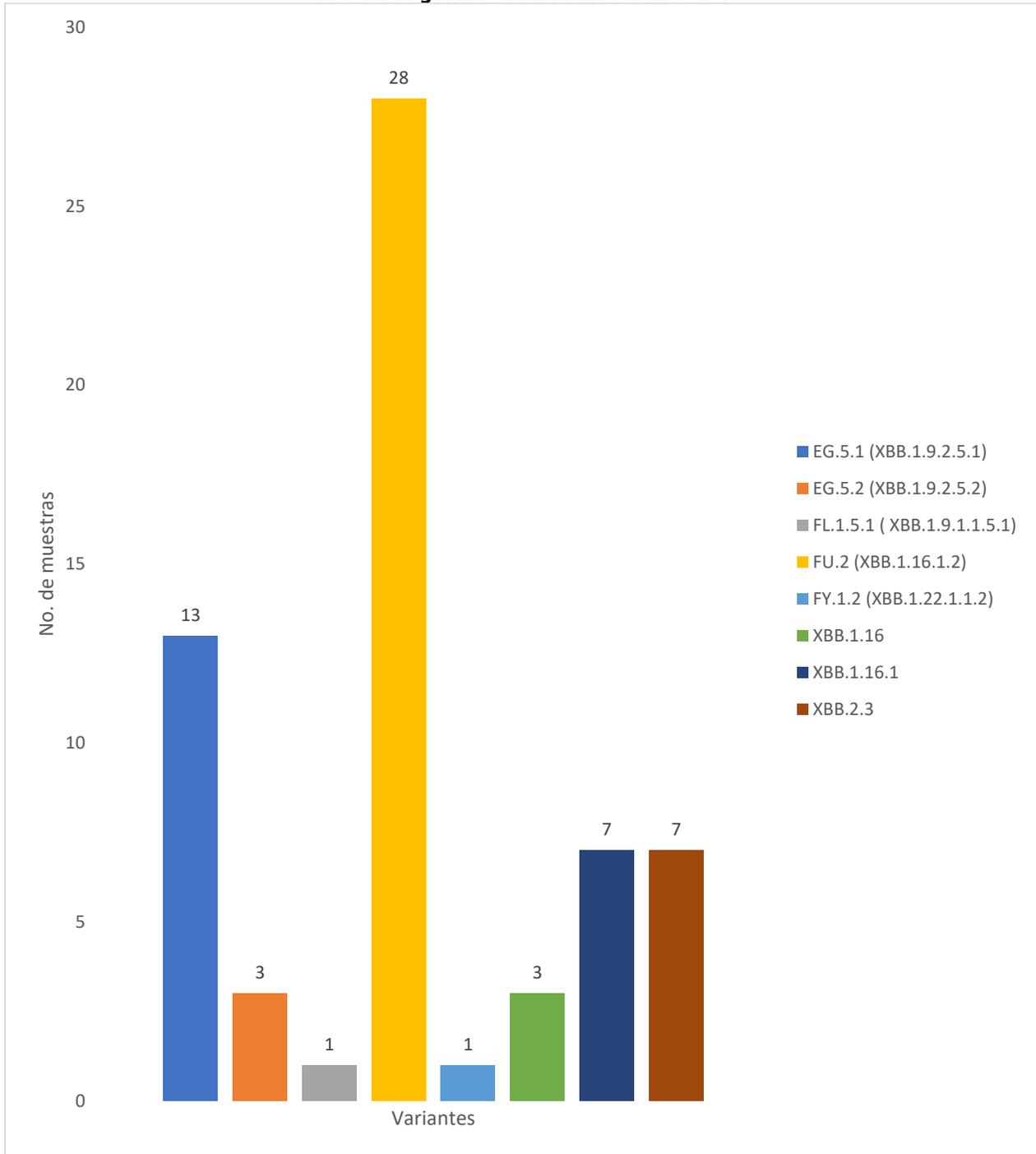
En este proceso de secuenciación se detectaron por primera vez los siguientes linajes: EG.5.2 (XBB.1.9.2.5.2) es un sublinaje que presenta mutaciones en la proteína N, que se ha encontrado hasta la fecha en países como Colombia, Aruba y Ecuador, GK.1 (XBB.1.5.70.1) presenta mutaciones en la proteína S, presenta mayor predominio en países como Brasil y Argentina, HP.1.1 (XBB.1.5.55.1.1) es un sublinaje que presenta mutaciones en la proteína S, presenta mayor predominio en México, Canadá, Estados Unidos y Guatemala, y FL.1.5.1 (XBB.1.9.1.1.5.1) es un sublinaje de la variante XBB que comparte una mutación conocida como F456L, se presenta en países como Estados Unidos, donde representa el 13.5% de los casos en la última semana; Canadá y Reino Unido. Hasta la fecha no hay reportes de aumento de casos en estas nuevas variantes o cambios en las presentaciones clínicas de la enfermedad.

Del total de las muestras que se obtuvo asignación de linaje, el 100% corresponde a la VOC Ómicron, cuyos diversos sublinajes se pueden observar en la gráfica 3 y 4. En la gráfica 3 se encuentran recombinantes XBB con sus sublinajes y en la gráfica 4 se encuentra la subvariante XBB.1.5 y sus respectivos sublinajes.

La variante más frecuente corresponde a la recombinante XBB juntos con todos sus sublinajes, la cual representa el 100% de las muestras secuenciadas. La subvariante XBB.1.16.1.2 (FU.2) 33.73%, es la variante más predominante; la segunda con mayor predominancia es XBB.1.5 y todos sus sublinajes 24.10%; EG.5.1 15.66%, XBB.2.3 8.43%; XBB.16.1 8.43%, XBB.1.16 3.6%; EG.5.2 3.6%; FL.1.5.1 1.20% y FY.1.2 1.20%.



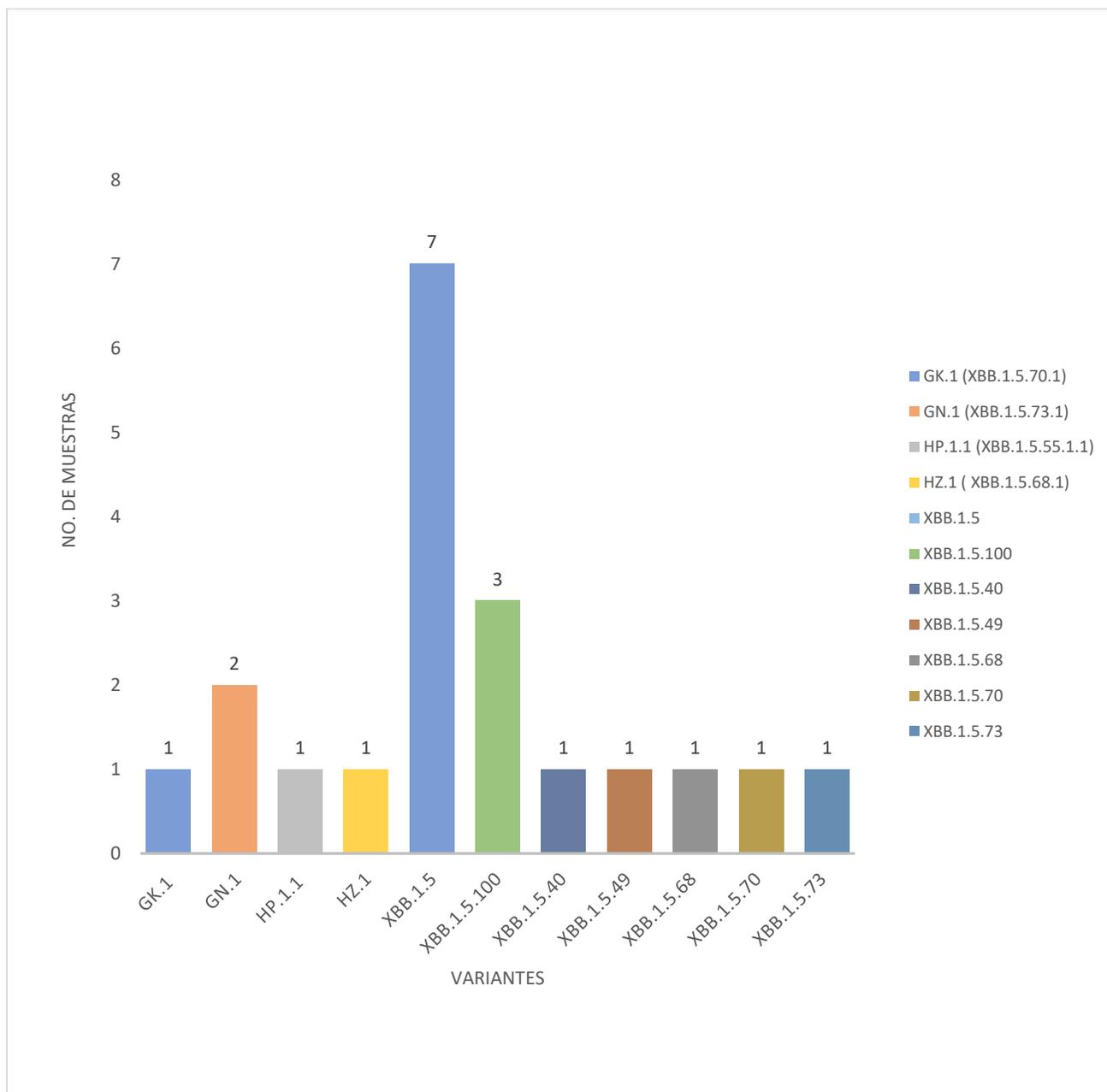
**Gráfica 3. Variante de Ómicron Y recombinantes XBB detectadas por el proceso de secuenciación local, del 15 de agosto al 05 de octubre del 2023**



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.



**Gráfica 4. Subvariante XBB.1.5 y sus distintos sublinajes detectados en el proceso de secuenciación local, 15 de agosto al 05 de octubre del 2023**

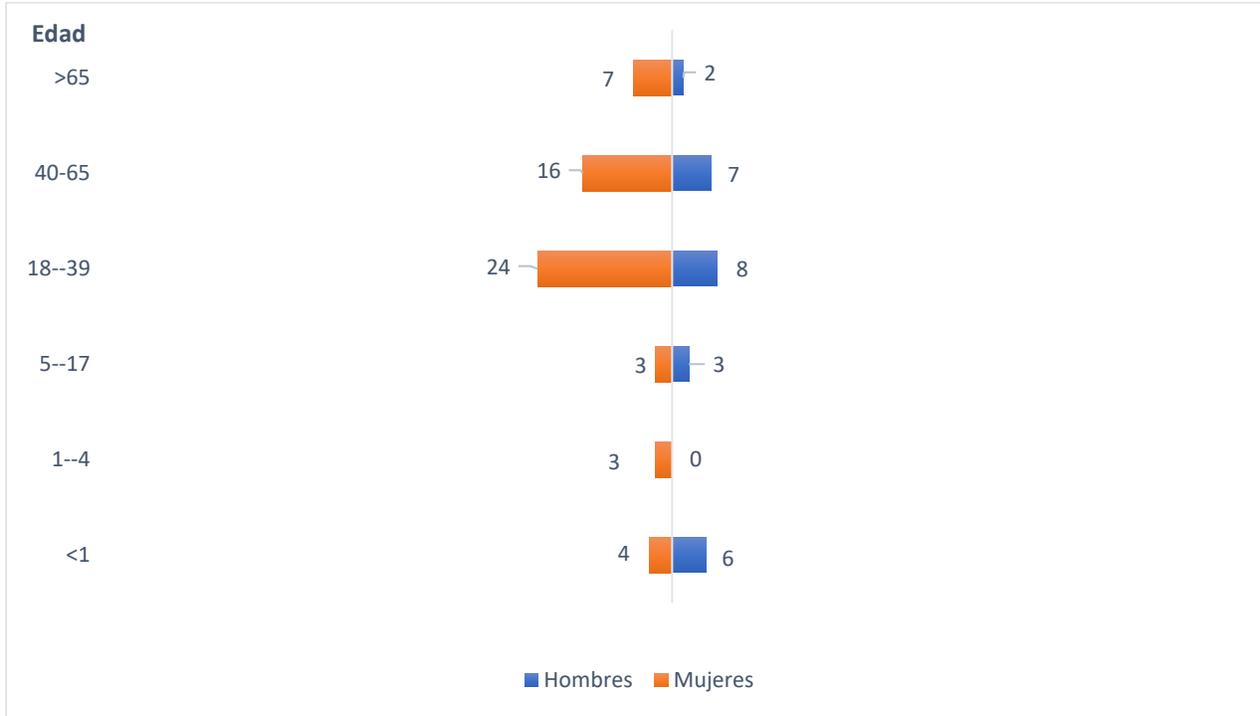


Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.



De las muestras secuenciadas, la mayoría pertenecen al sexo femenino rango de edad de 18 a 39 años (gráfica 5).

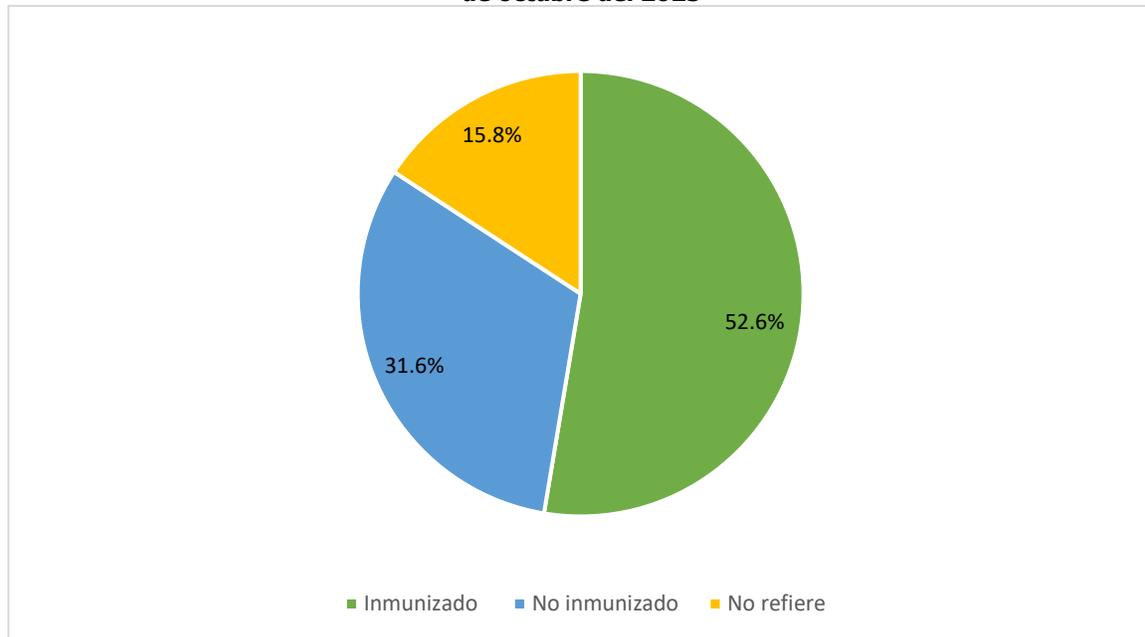
**Gráfica 5. Casos por edad y sexo de muestras secuenciadas localmente, del 15 de agosto al 5 de octubre del 2023**



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

De los casos secuenciados la mayoría refirió antecedentes de vacunación, según ficha epidemiológica (Gráfica 6).

**Gráfica 6. Porcentaje de casos inmunizados de muestras secuenciadas localmente, del 15 de agosto al 5 de octubre del 2023**

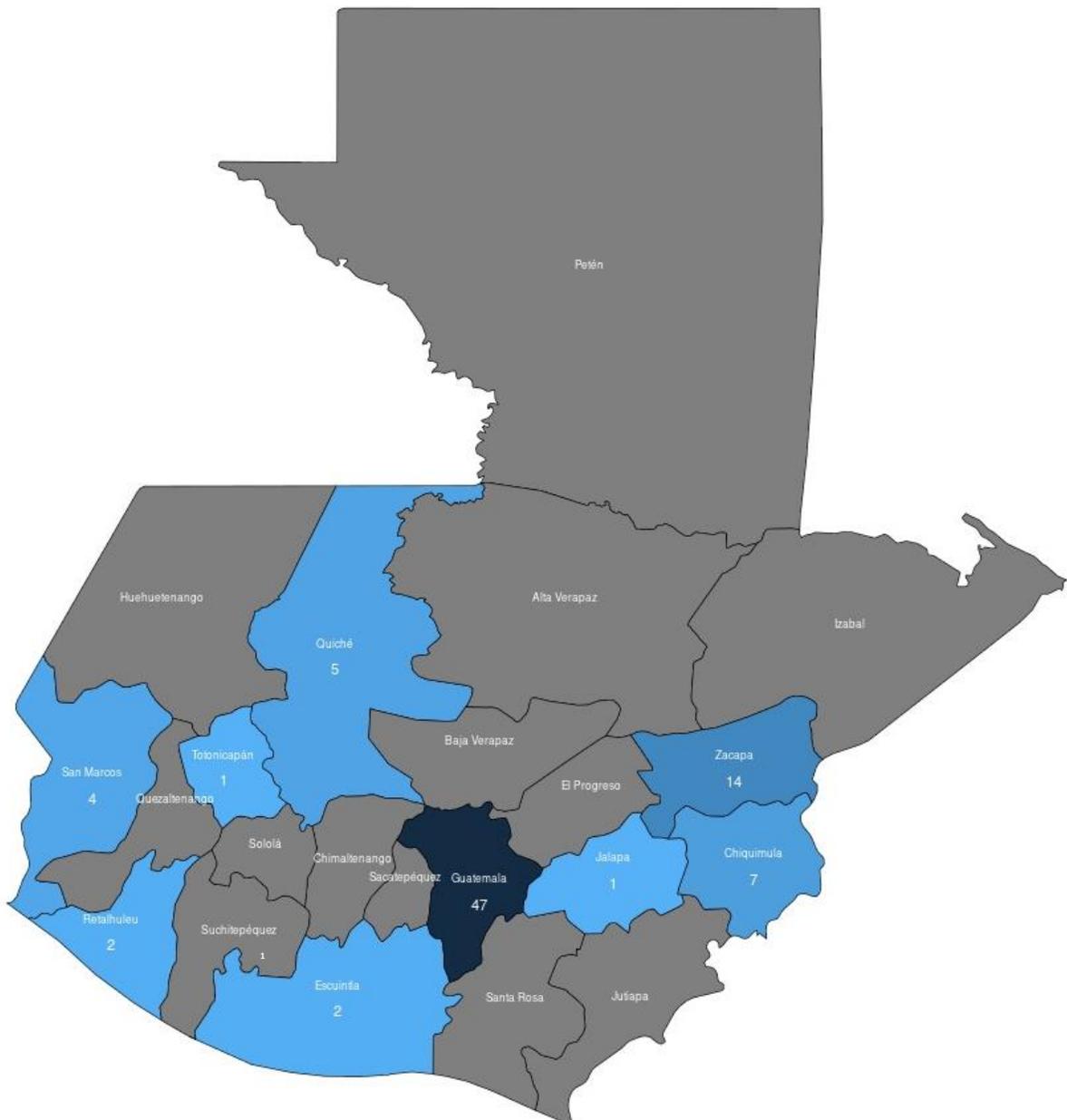


Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.



A continuación, se presentan los casos de VOC detectados en Guatemala distribuidos por departamento.

**Imagen 1. Distribución de casos VOC detectados por departamento del 15 de agosto al 05 de octubre**

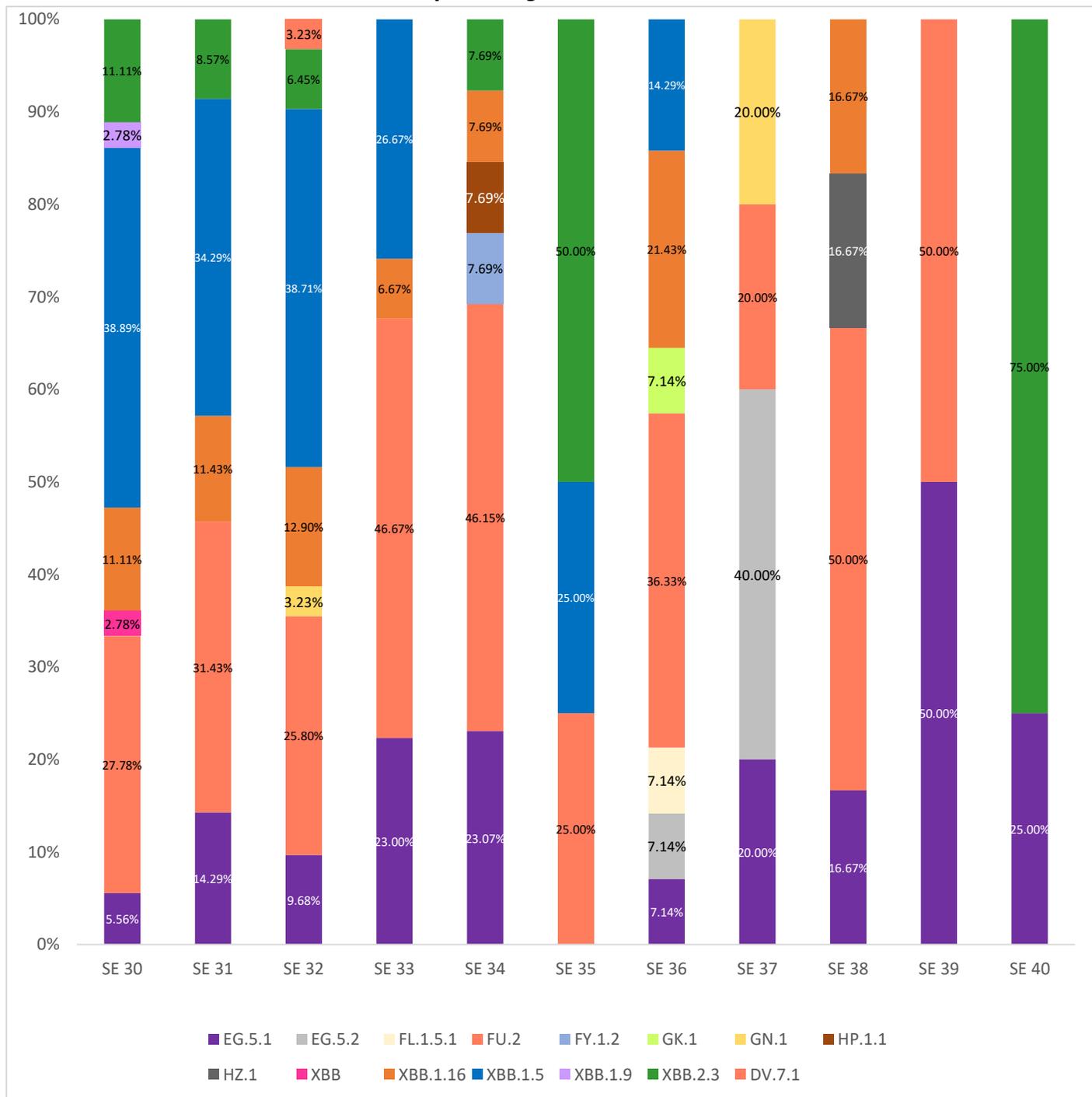


Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud -DLNS-.



En gráfica 8 se puede observar el comportamiento de los diferentes sublinajes, de las semanas epidemiológicas de la 30 a la 40 del año 2023.

**Gráfica 8. Proporción de casos de VOC de muestras secuenciadas localmente, de las semanas epidemiológicas 30 a la 40 del año 2023.-.**



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS-.

