

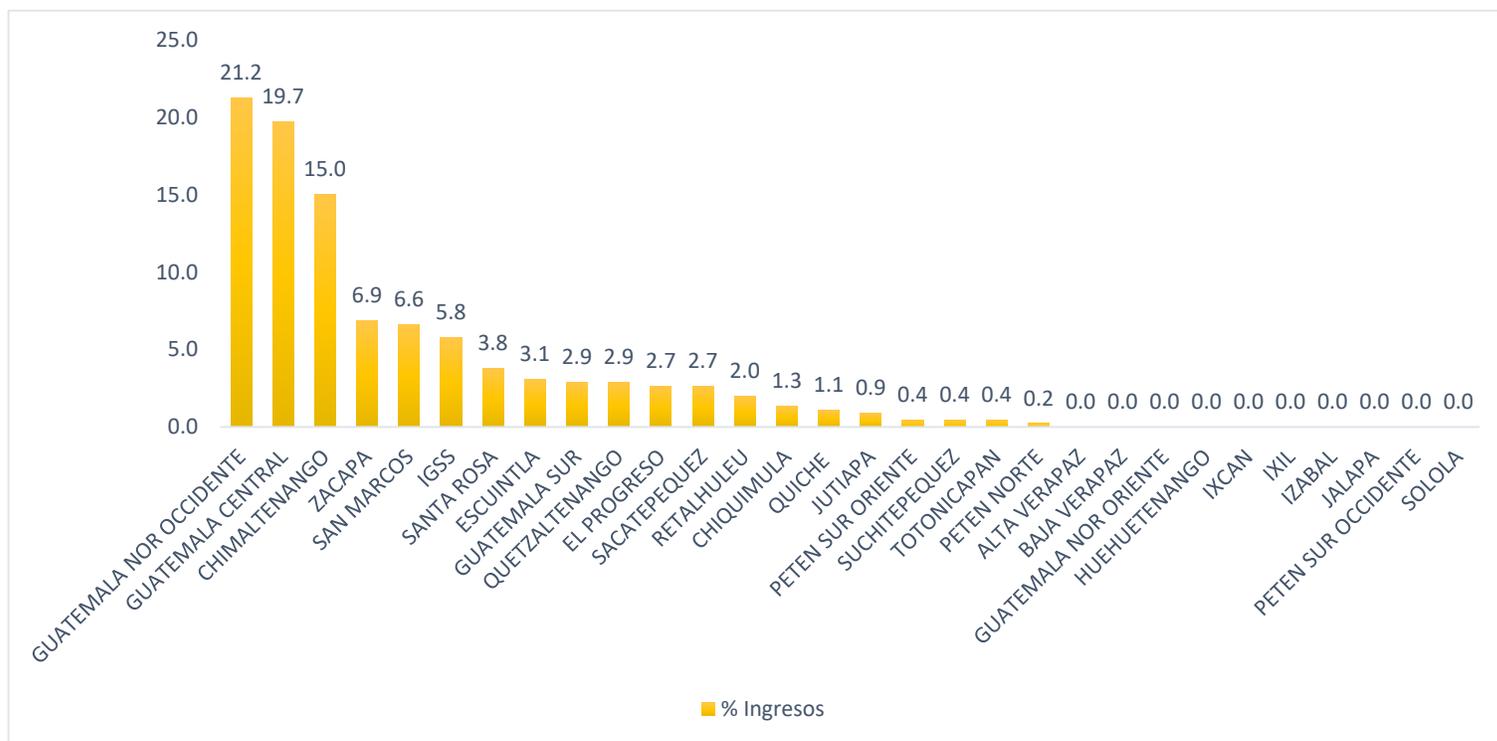


## INFORME SEQ-43-06-2023

Este informe corresponde a la detección de variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) en muestras que ingresan a la Dirección del Laboratorio Nacional de Salud (DLNS) para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La Gráfica 1 corresponde al ingreso al DLNS de 455 muestras del 23 de mayo al 18 de junio del año en curso para el proceso de secuenciación provenientes de las diferentes Direcciones Departamentales de Redes Integradas de Servicios de Salud (DDRIS).

**Gráfica 1. Porcentaje de muestras ingresadas a la DLNS para el proceso de secuenciación, por DDRIS, del 23 de mayo al 18 de junio del 2023**

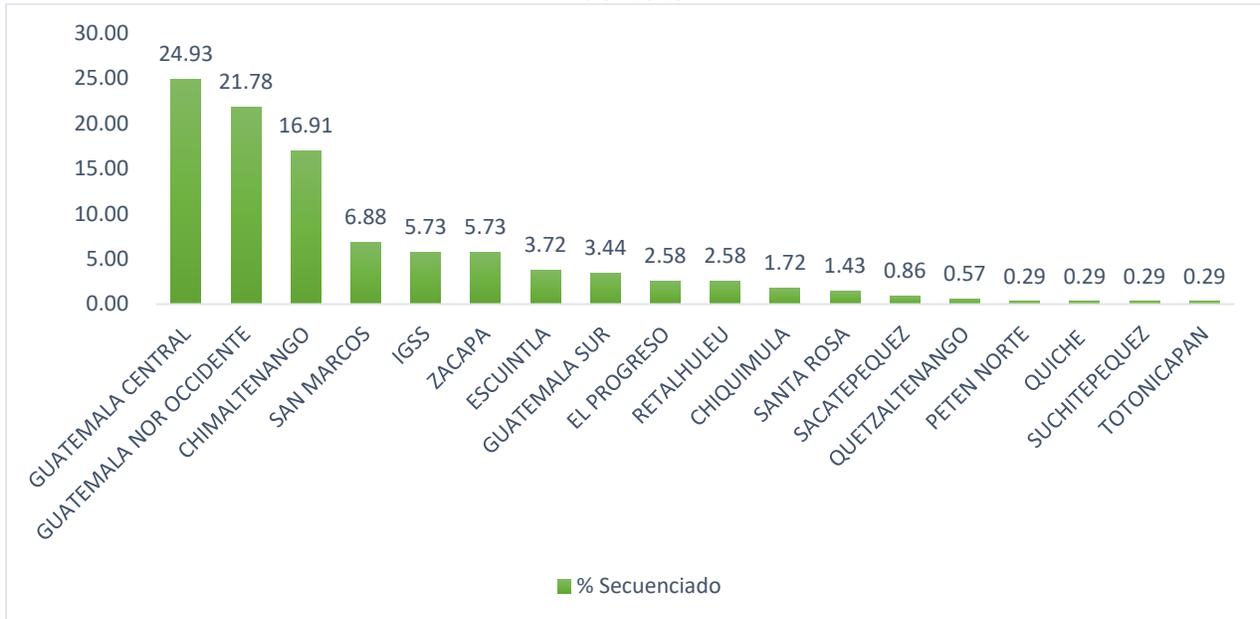


Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

Se realizó una selección de 370 muestras que cumplieran los criterios de inclusión para el proceso de secuenciación, de las cuales se obtuvo la secuencia genómica efectiva de 349 muestras. En la gráfica 2 se observa el porcentaje de muestras secuenciadas por DDRIS.



**Gráfica 2. Porcentaje de muestras secuenciadas localmente, por DDRISS, del 23 de mayo al 18 de junio del 2023**



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

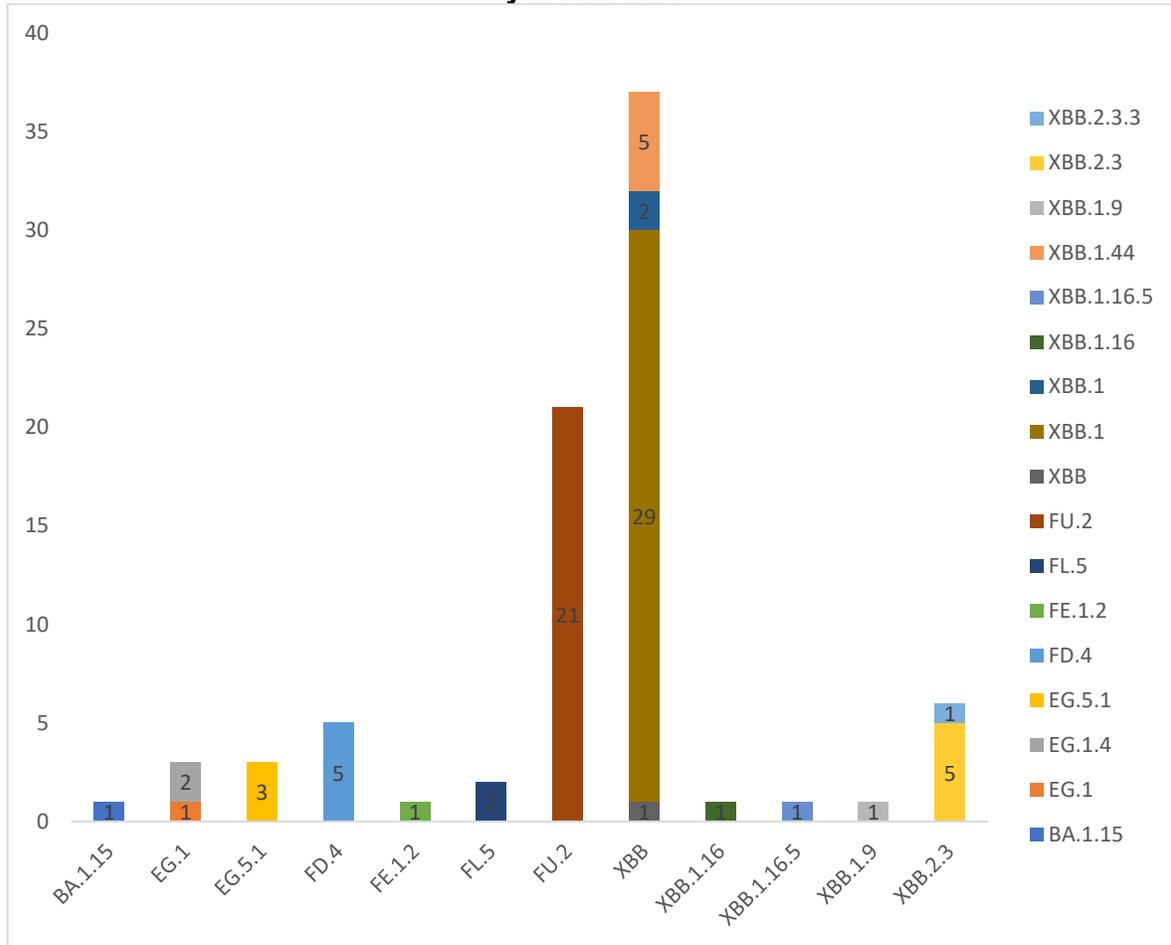
En este proceso se detectaron por primera vez los siguientes linajes: EG.1 es una abreviación del linaje XBB.1.9.2.1; FE.1.2 es una abreviación del linaje XBB.1.18.1.1.2; FL.5 es una abreviación del linaje XBB.1.9.1.5. De las nuevas variantes detectadas, EG.1 (XBB.1.9.2.1) es un sublinaje que tiene énfasis en las mutaciones en la proteína N; en países como España fue detectada en la semana epidemiológica 7. Por otra parte, XBB.1.5 y sus sublinajes continúan predominando en el curso de las semanas epidemiológicas.

Del total de las muestras que se obtuvo asignación de linaje, el 100% corresponde a la VOC Ómicron, cuyos diversos sublinajes se pueden observar en la gráfica 3 y 4. En la gráfica 3 se encuentran la variante BA.1.15 y la recombinante XBB. En la gráfica 4 se encuentra la subvariante XBB.1.5, que es la más predominante junto a sus distintos sublinajes.

La variante más frecuente corresponde a la recombinante XBB juntos con todos sus sublinajes, la cual representa el 99.71%, esta incluye la subvariante XBB.1.5 (76.50%), XBB (10.60%), FU.2 (6.02%), XBB 2.3 (1.72%), FD.4 (1.43%), EG.1 y EG.5.1 cada una representan el 0.86%, FL.6 y XBB.1.16 (0.57%), FE.1.2 y XBB.1.9 cada un representa 0.29%. La variante BA.1.15 representa el 0.29%.



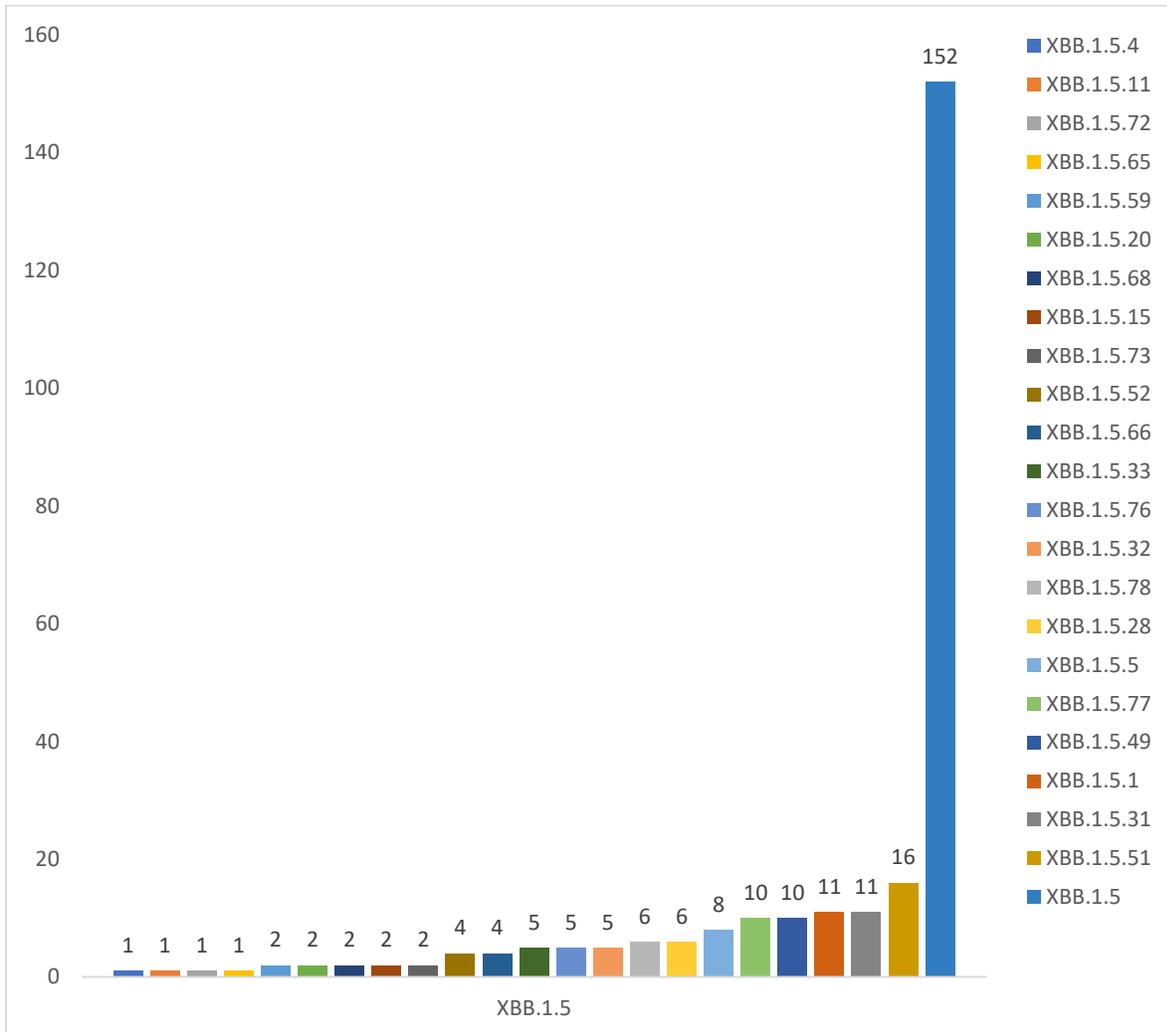
**Gráfica 3. Recombinantes XBB detectadas por el proceso de secuenciación local, del 23 de mayo al 18 de junio del 2023**



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

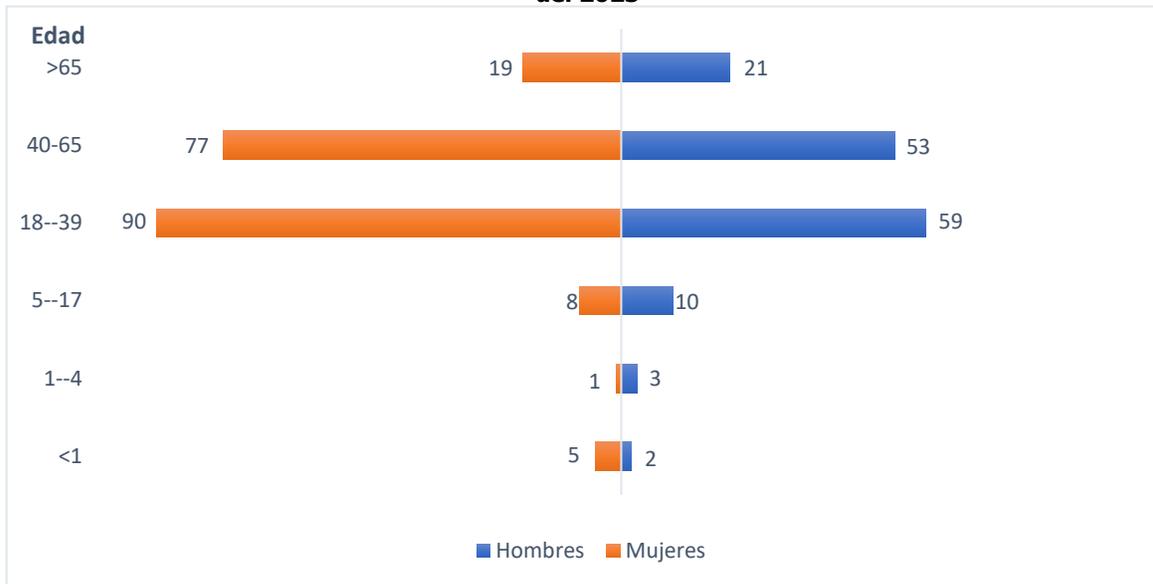


**Gráfica 4. Subvariante XBB.1.5 y sus distintos sublinajes detectados en el proceso de secuenciación local, del 23 de mayo al 18 de junio del 2023**



De las muestras secuenciadas, la mayoría pertenecen al sexo femenino rango de edad de 18 a 65 años (gráfica 4). De los 349 casos secuenciados, uno de ellos no refiere edad.

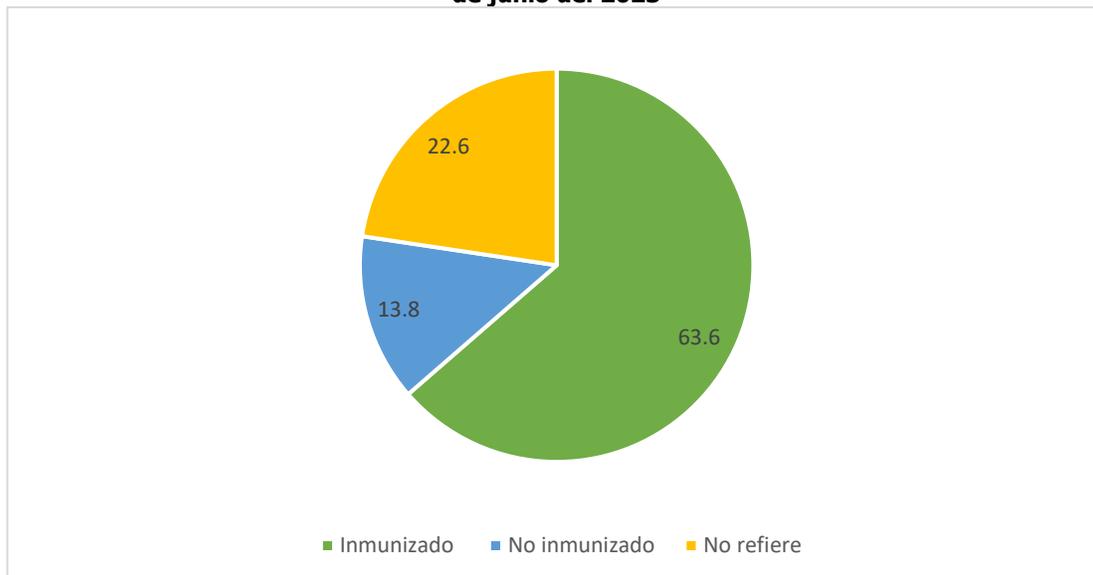
**Gráfica 5. Casos por edad y sexo de muestras secuenciadas localmente, del 23 de mayo al 18 de junio del 2023**



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

De los casos secuenciados la mayoría refirió antecedentes de vacunación, según ficha epidemiológica (Gráfica 5).

**Gráfica 6. Porcentaje de casos inmunizados de muestras secuenciadas localmente, del 23 de mayo al 18 de junio del 2023**

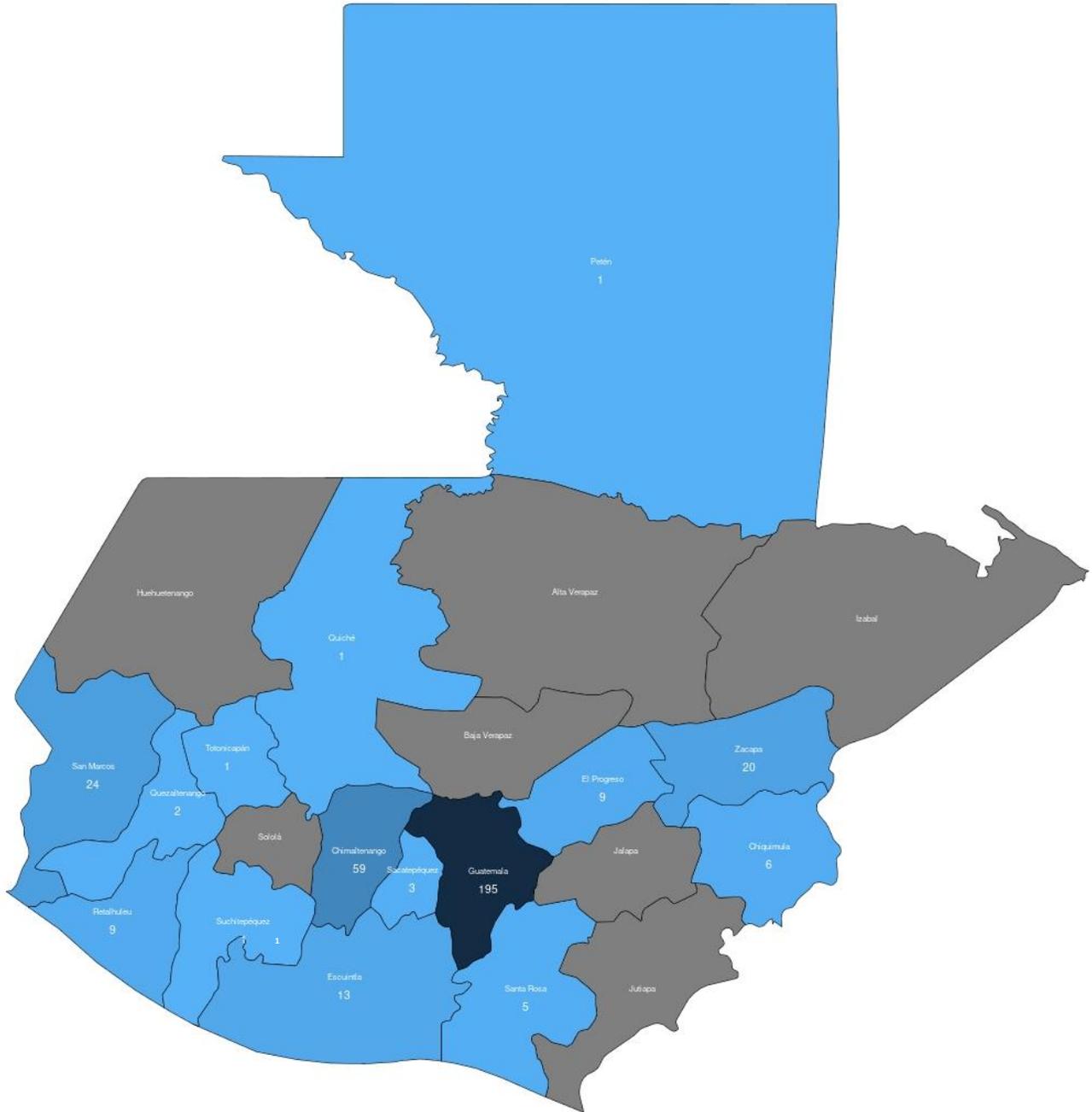


Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

A continuación, se presentan los casos de VOC detectados en Guatemala distribuidos por departamento.



**Imagen 1. Distribución de casos VOC detectados por departamento del 23 de mayo al 18 de junio del 2023**

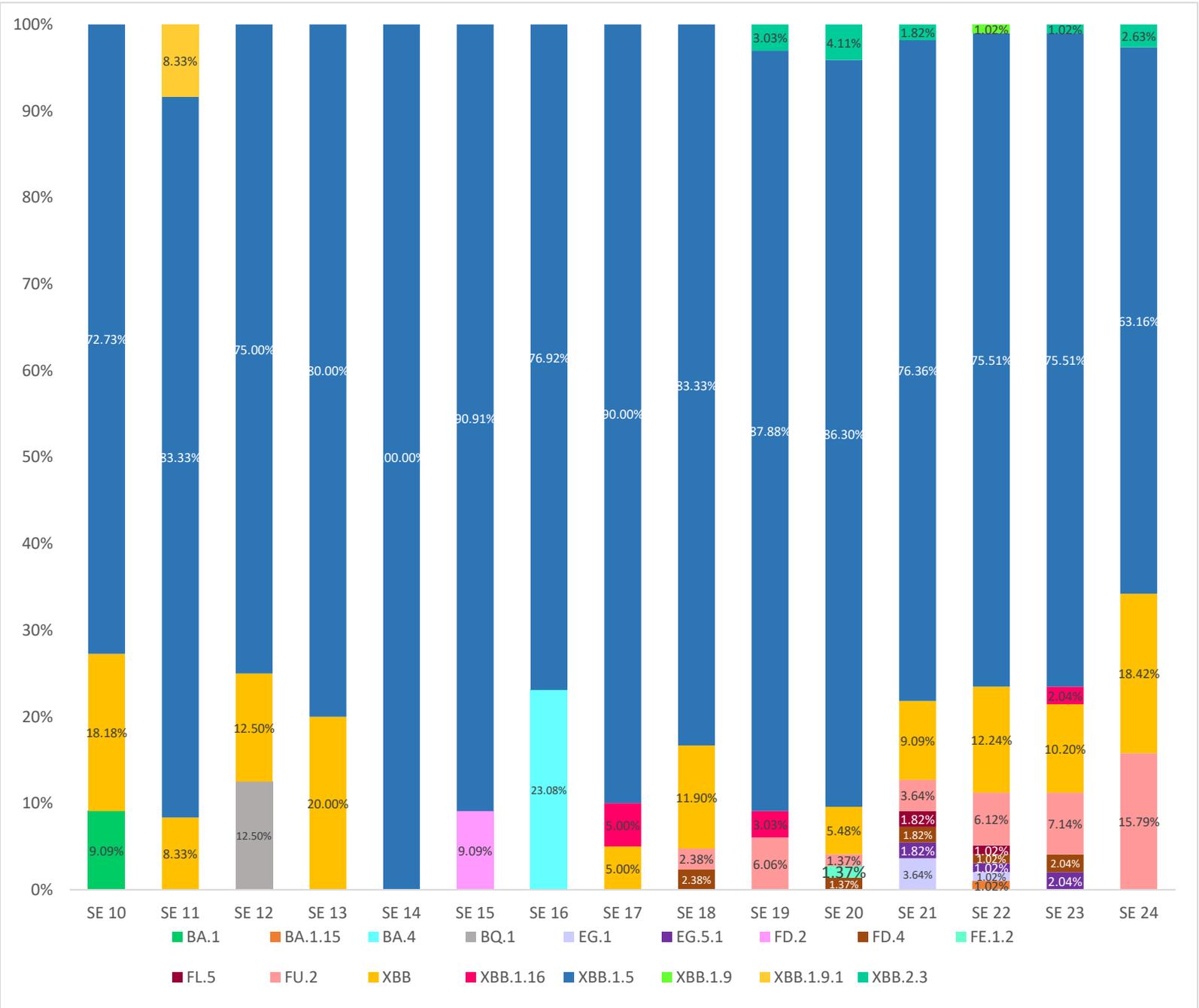


Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud -DLNS-.



En la siguiente gráfica se puede observar el comportamiento de los diferentes sublinajes, de las semanas epidemiológicas de la 10 a la 24 del año 2023. Hasta la fecha el sublinaje XBB continúa siendo la variante más frecuente.

**Gráfica 8. Proporción de casos de VOC de muestras secuenciadas localmente, de las semanas epidemiológicas 10 a la 24 del año 2023.**



Fuente: Dirección del Laboratorio Nacional de Salud –DLNS–.

