

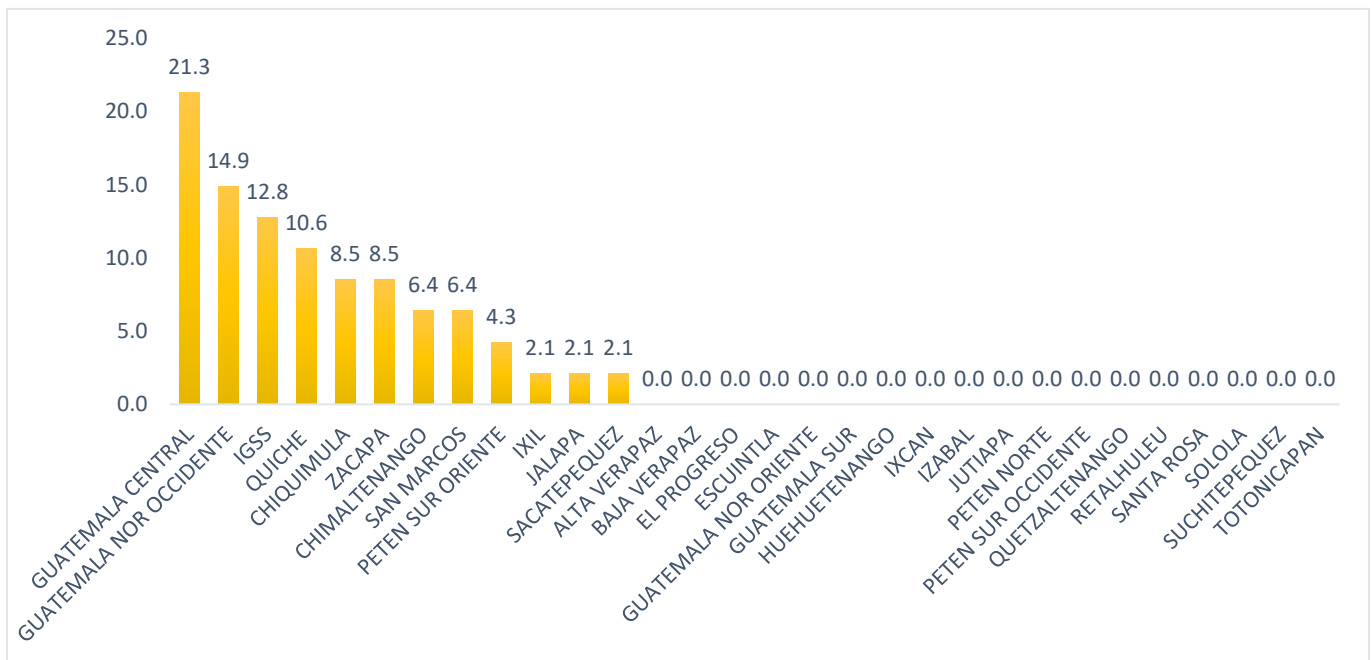
Bárcena Villa Nueva, 10 de abril de 2023

## INFORME SEQ-39-04-2023

Este informe corresponde a la detección de variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud (LNS) para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La Gráfica 1 corresponde al ingreso al LNS 47 muestras del 16 de marzo al 03 de abril del año en curso para el proceso de secuenciación provenientes de las diferentes áreas de salud del país.

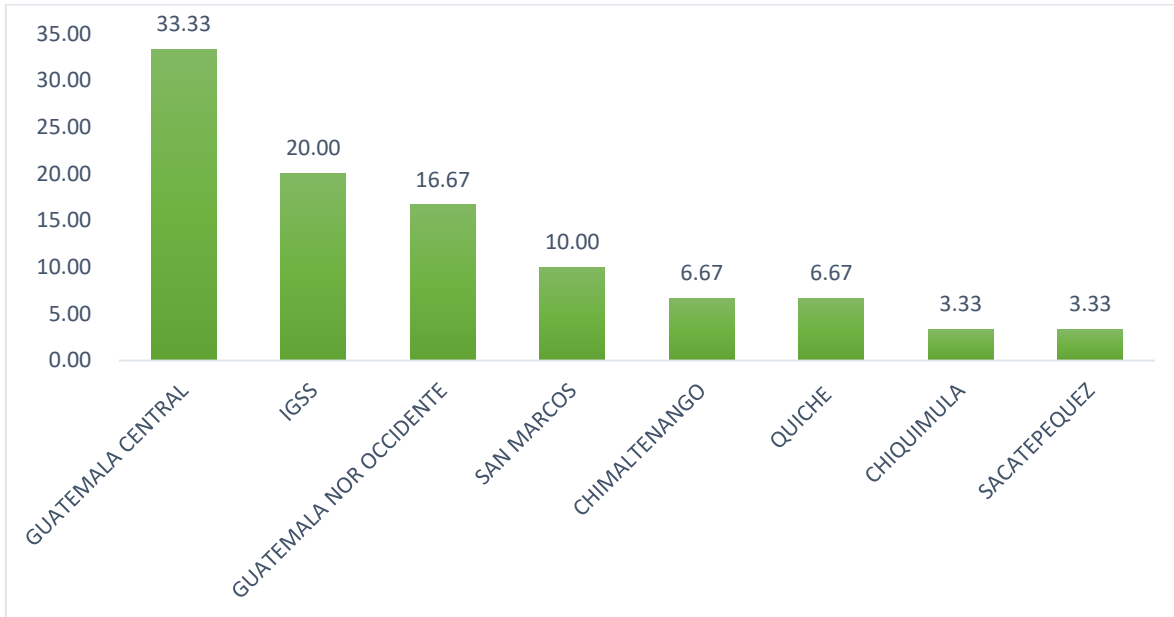
**Gráfica 1. Porcentaje de muestras ingresadas al LNS para el proceso de secuenciación, por área de salud, del 16 de marzo al 03 de abril de 2023**



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

Se realizó una selección de 30 muestras que cumplieran los criterios de inclusión para el proceso de secuenciación, de las cuales se obtuvo la secuencia genómica efectiva de todas las muestras. En la gráfica 2 se observa el porcentaje de muestras secuenciadas por área de salud.

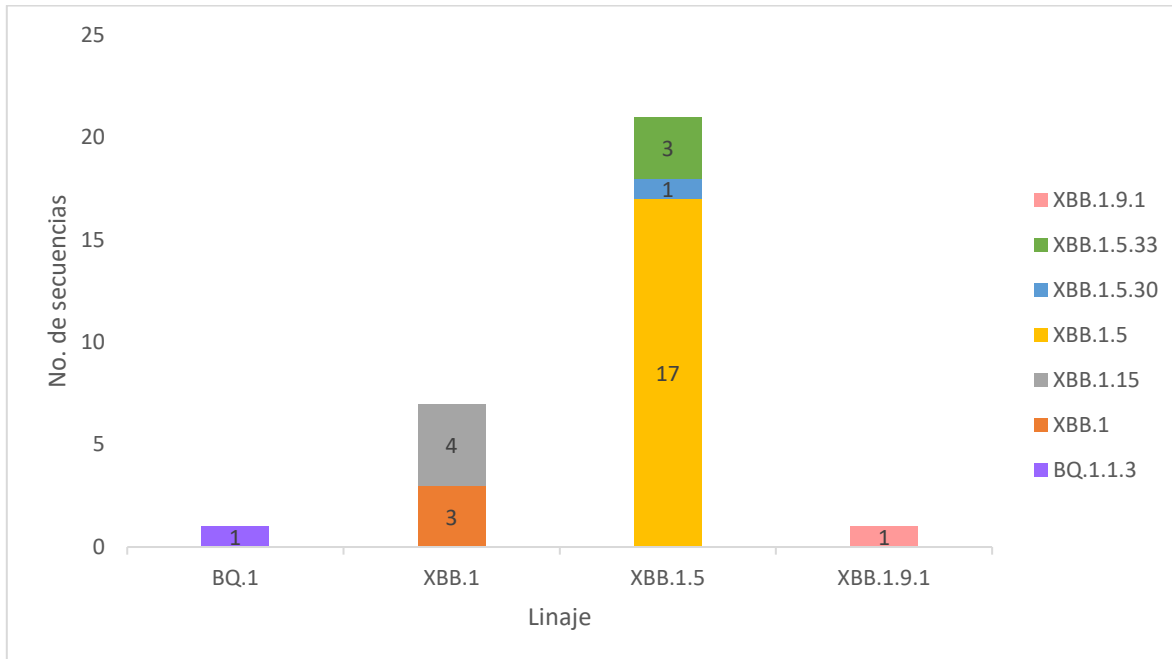
**Gráfica 2. Porcentaje de muestras secuenciadas localmente, por área de salud, 16 de marzo al 03 de abril de 2023**



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS-.

Del total de las muestras que se obtuvo asignación de linaje, el 100% corresponde a la VOC Ómicron, cuyos diversos sublinajes se pueden observar en la gráfica 3. La variante más frecuente corresponde a la recombinante XBB la cual representa el 96.66%, esta incluye la subvariante XBB.1.9.1 (3.33%); XBB.1 (23.33%); XBB.1.5 (70.00%). La variante BQ.1 se encontró en el 3.33% de las muestras secuenciadas.

**Gráfica 3. Variantes de Preocupación BQ.1 y recombinantes XBB detectadas por el proceso de secuenciación local, del 16 de marzo al 03 de abril de 2023**



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

Se observa por primera vez la detección de XBB.1.9.1 en Guatemala, este sublinaje se encuentra bajo monitoreo según la Organización Mundial de la Salud (OMS), desde el 30 de marzo de 2023. Esta variante se ha reportado en 68 países, de los cuales, Estados Unidos, Alemania, Inglaterra y Austria son los países que más han reportado secuencias. Presenta mutaciones adquiridas en la región que codifica para la proteína de la espícula R408S y F486P, ORF1ab mutaciones G1819S y T4175I, y ORF8:G8. Mutaciones en esta región se han asociado con una disminución de la neutralización de anticuerpos, una mayor transmisibilidad y patogenicidad. Hasta la fecha, no ha habido informes de mayor gravedad para las variantes que circulan actualmente, aunque algunos países han informado un aumento en las hospitalizaciones luego de un aumento en la incidencia de casos

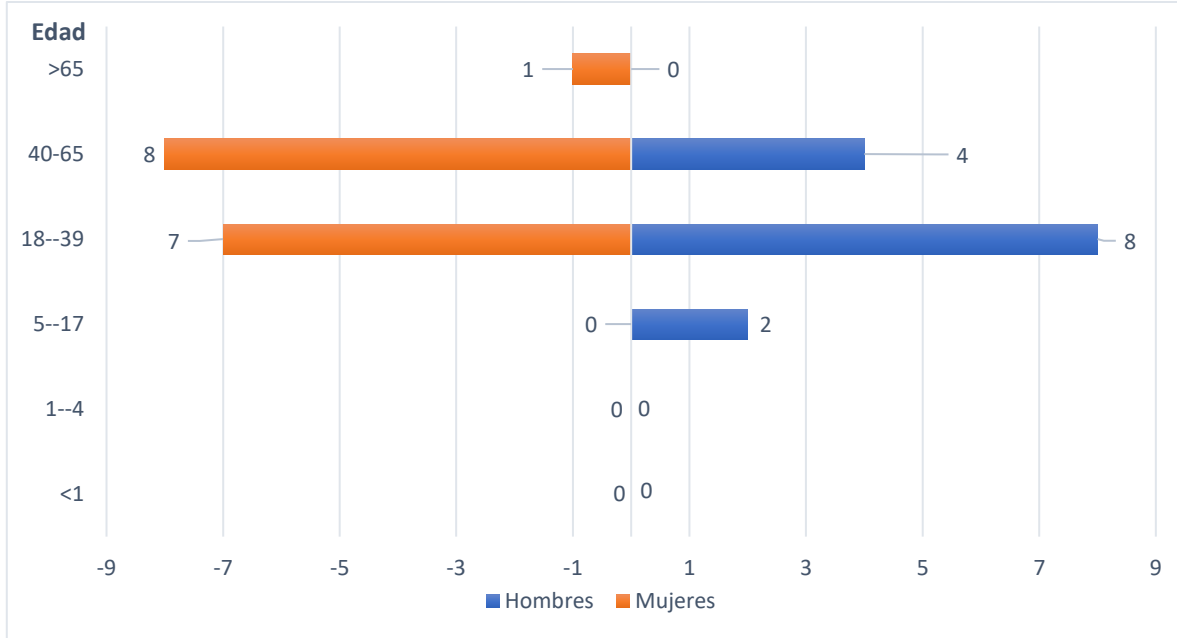
Según la Agencia de Seguridad Sanitaria de Inglaterra (UKSHA *por sus siglas en inglés*), en Inglaterra hasta el 7 de marzo de 2023 se identificaron 1.168 casos secuenciados de XBB.1.9.1, entre estos hubo 39 muertes. Según los Centros Para el Control y Prevención de Enfermedades (CDC *por sus siglas en inglés*), hasta el 8 de abril, esta variante tiene una prevalencia de 5.1% de todos los casos secuenciados en los Estados Unidos.

El caso encontrado en Guatemala, se detectó en la semana epidemiológica 11, corresponde a un paciente masculino de 36 años de edad, proveniente de área de salud de Guatemala Nor Occidente, refiere antecedentes de vacunación y no refiere antecedentes de viaje.

Es importante el seguir monitoreando la evolución de este sublinaje, por lo cual se recomienda continuar con la vigilancia epidemiológica de SARS-CoV 2 en nuestro país.

De las muestras secuenciadas, la mayoría pertenecen al rango de edad de 18 a 39 años (gráfica 4).

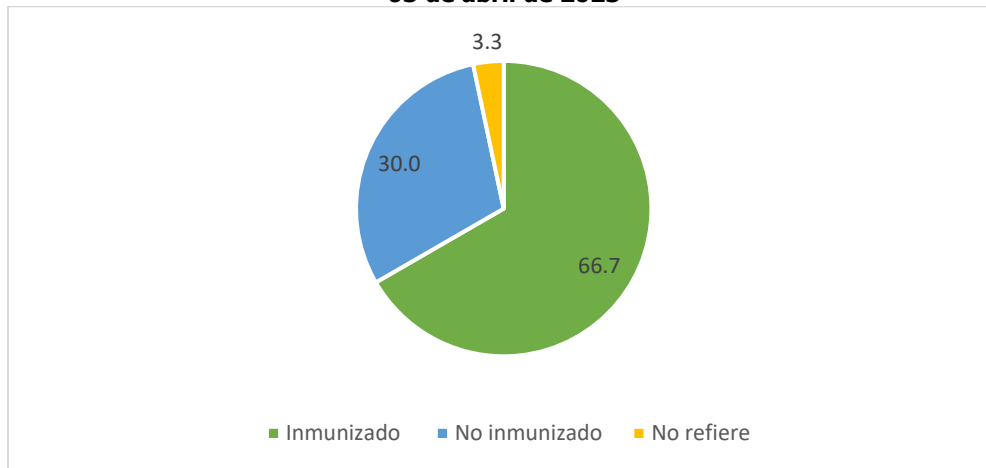
**Gráfica 4. Casos por edad y sexo de muestras secuenciadas localmente, del 16 de marzo al 03 de abril de 2023**



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

De los casos secuenciados la mayoría refirió antecedentes de vacunación, según ficha epidemiológica (Gráfica 5).

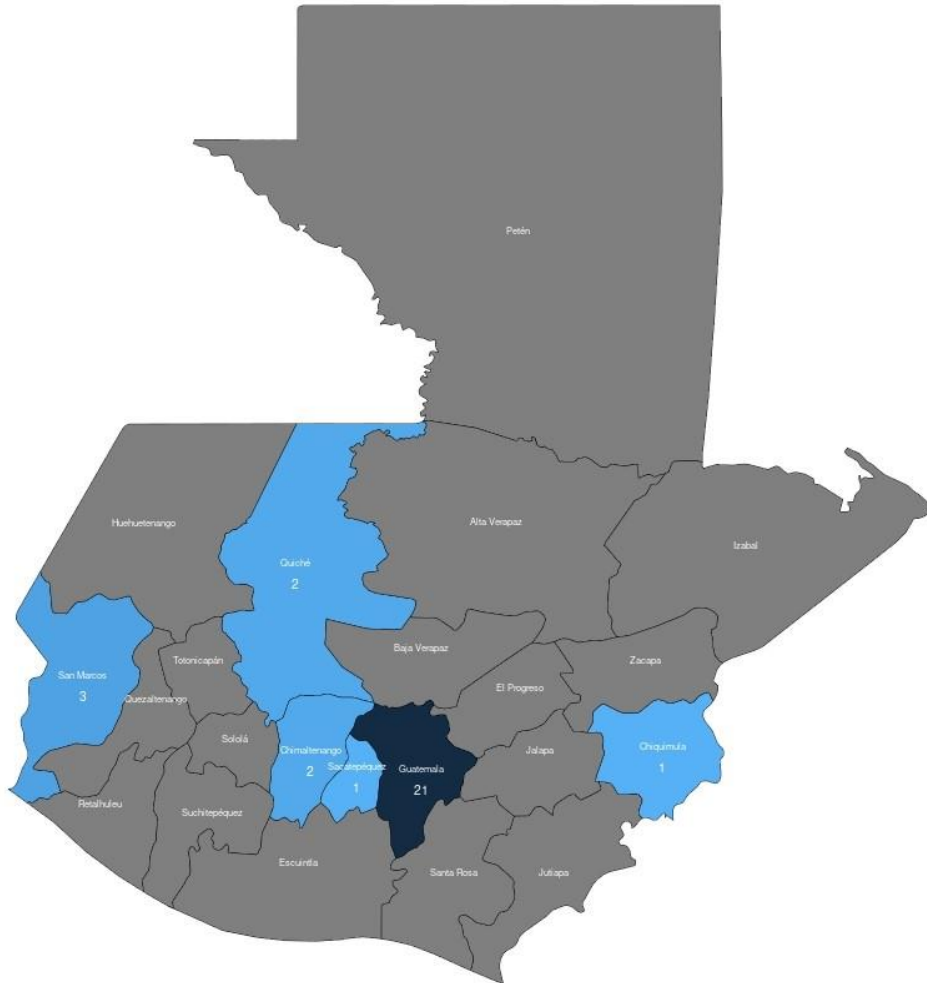
**Gráfica 5. Porcentaje de casos inmunizados de muestras secuenciadas localmente, 16 de marzo al 03 de abril de 2023**



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

A continuación, se presentan los casos de VOC detectados en Guatemala distribuidos por departamento.

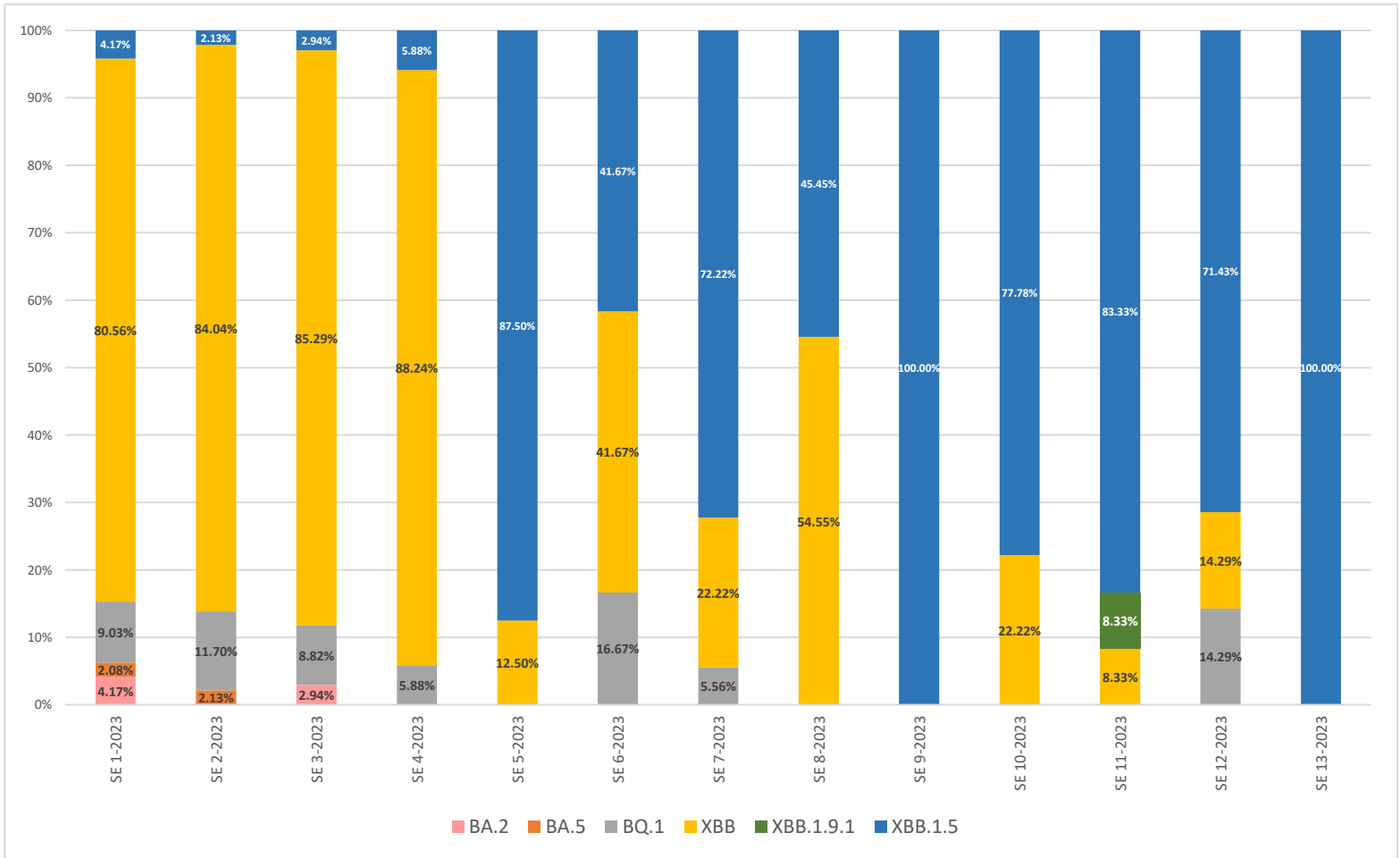
**Imagen 1. Distribución de casos VOC detectados por departamento del 16 de marzo al 03 de abril de 2023**



Fuente: Información obtenida del Laboratorio Nacional de Salud.

En la siguiente gráfica se puede observar el comportamiento de los diferentes sublinajes, de las semanas epidemiológicas de la 1 a la 13 del año 2023. Hasta la fecha el sublinaje XBB continúa siendo la variante más frecuente. La aparición del sublinaje XBB.1.9.1 se observa en la semana epidemiológica 11.

**Gráfica 7. Proporción de casos de VOC de muestras secuenciadas localmente, de las semanas epidemiológicas 1 a la 11 del año 2023.**



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.