

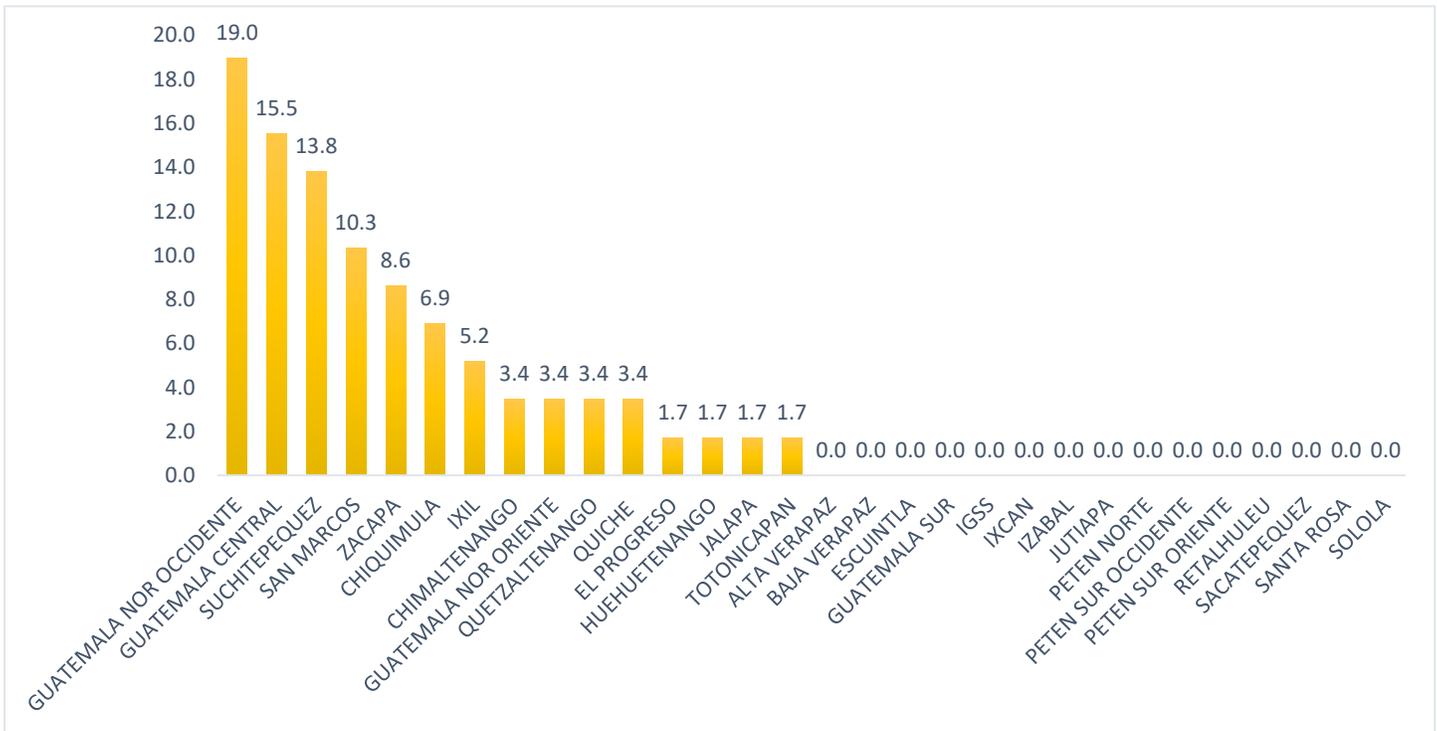
Bárcena Villa Nueva, 20 de marzo de 2023

INFORME SEQ-38-03-2023

Este informe corresponde a la detección de variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud (LNS) para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La Gráfica 1 corresponde al ingreso al LNS 58 muestras del 21 de febrero al 15 de marzo del año en curso para el proceso de secuenciación provenientes de las diferentes áreas de salud del país.

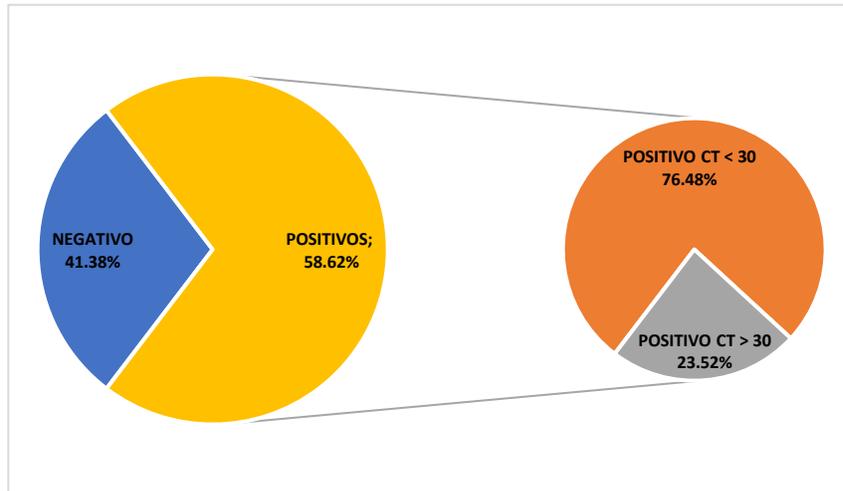
Gráfica 1. Porcentaje de muestras ingresadas al LNS para el proceso de secuenciación, por área de salud, del 21 de febrero al 15 de marzo de 2023



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

En la gráfica 2 se muestra que de las 58 muestras ingresadas casi el 50% obtuvieron un resultado negativo para la prueba de la Reacción en Cadena de la Polimerasas en tiempo real (RT-PCR) para SARS-CoV-2 y de las muestras con resultado positivo, el 76.48% obtuvieron un valor de ciclo umbral (Ct, por sus siglas en inglés) menor de 30 y el 23.52% obtuvieron un valor de Ct mayor a 30.

Gráfica 2. Porcentaje de resultados de RT-PCR para SARS-CoV-2 de muestras ingresadas, del 21 de febrero al 15 de marzo de 2023



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS-.

Se realizó una selección de 28 muestras que cumplieran los criterios de inclusión para el proceso de secuenciación, de las cuales se obtuvo la secuencia genómica efectiva de 27 muestras. En la gráfica 3 se observa el porcentaje de muestras secuenciadas por área de salud.

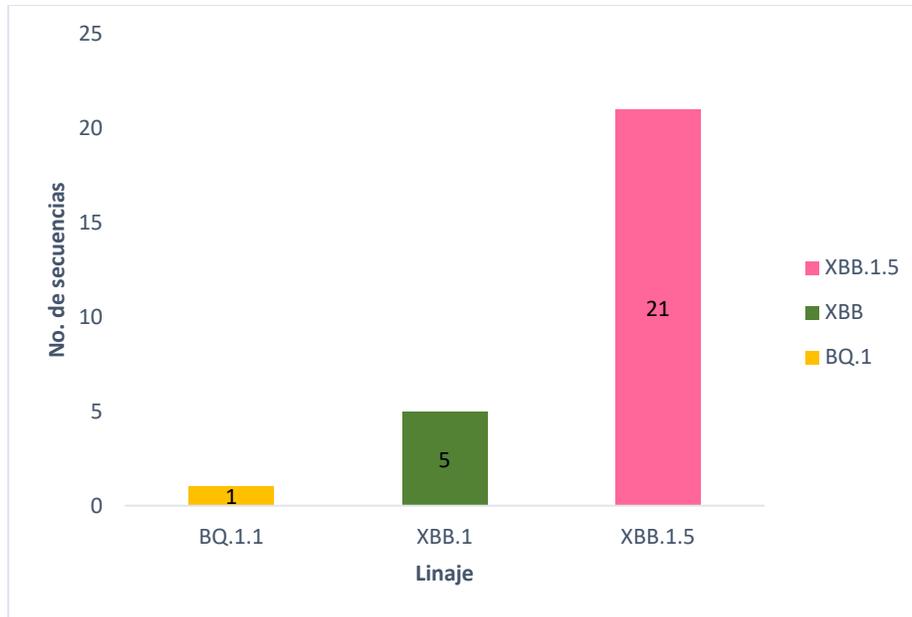
Gráfica 3. Porcentaje de muestras secuenciadas localmente, por área de salud, del 21 de febrero al 15 de marzo de 2023



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS-.

Del total de las muestras que se obtuvo asignación de linaje, el 100% corresponde a la VOC Ómicron, cuyos diversos sublinajes se pueden observar en la gráfica 4. La variante más frecuente corresponde a la recombinante XBB la cual representa el 96.30%, esta incluye la subvariante XBB.1.5 (77.78%) y la subvariante XBB.1 (18.52%). La variante BQ.1 se encontró en el 3.70% de las muestras secuenciadas.

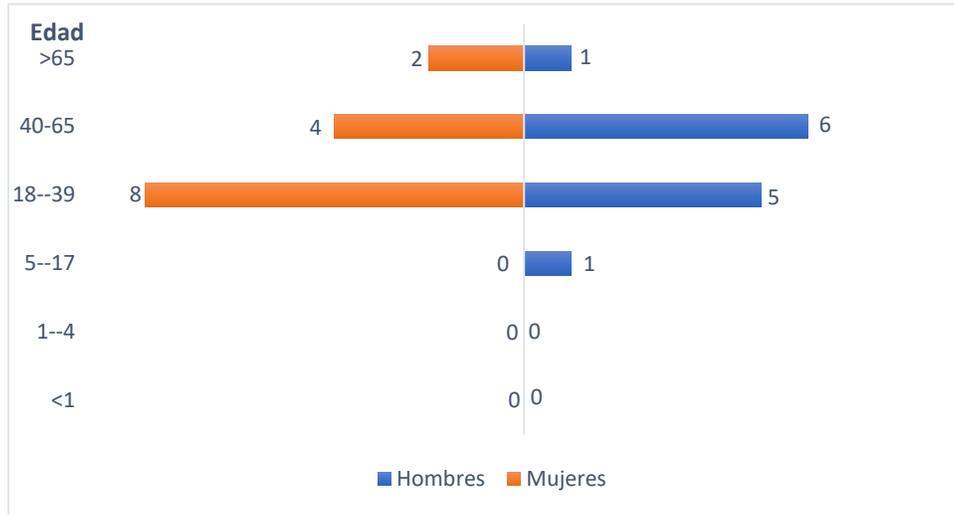
Gráfica 4. Variantes de Preocupación BQ.1 y recombinantes XBB detectadas por el proceso de secuenciación local, del 21 de febrero al 15 de marzo de 2023



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

De las muestras secuenciadas, la mayoría pertenecen al rango de edad de 18 a 39 años para el sexo femenino (gráfica 5).

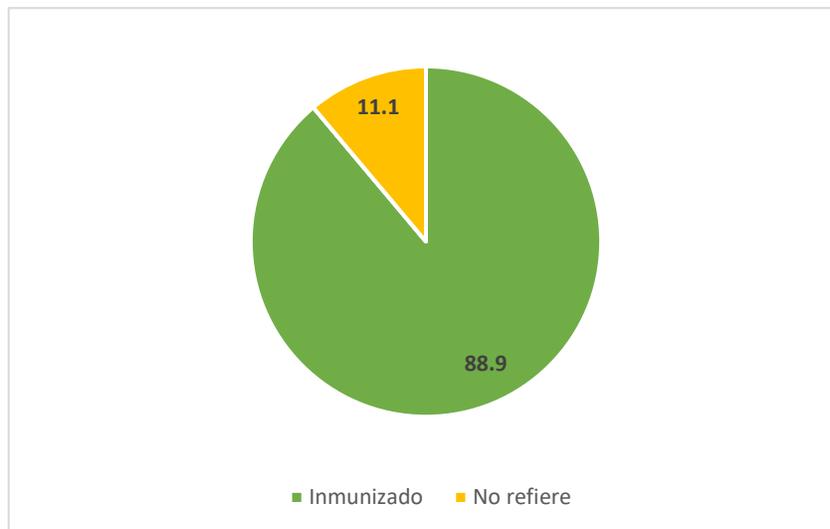
Gráfica 5. Casos por edad y sexo de muestras secuenciadas localmente, del 21 de febrero al 15 de marzo de 2023



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

De los casos secuenciados la mayoría refirió antecedentes de vacunación, según ficha epidemiológica (Gráfica 6).

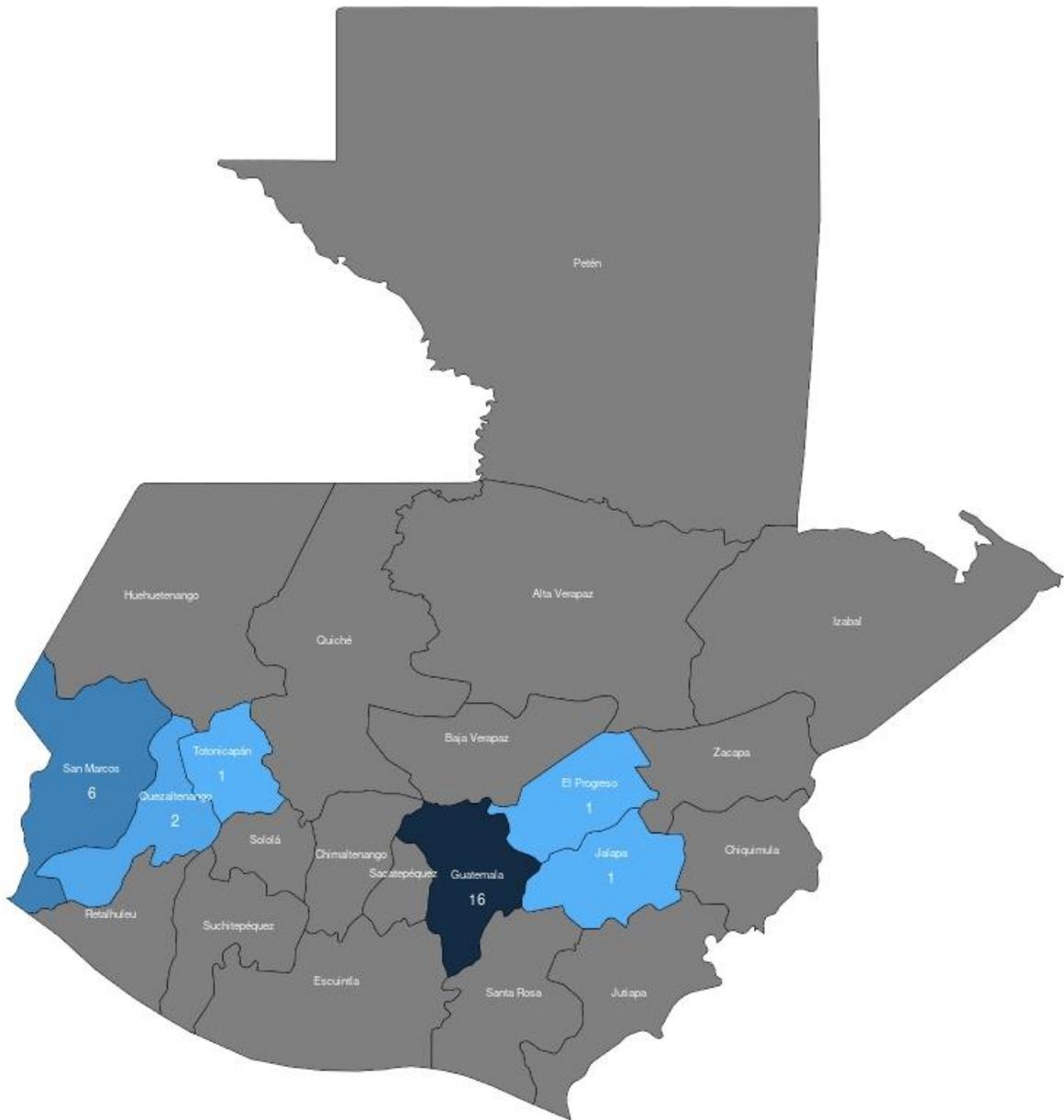
Gráfica 6. Porcentaje de casos inmunizados de muestras secuenciadas localmente, 21 de febrero al 15 de marzo de 2023



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

A continuación, se presentan los casos de VOC detectados en Guatemala distribuidos por departamento.

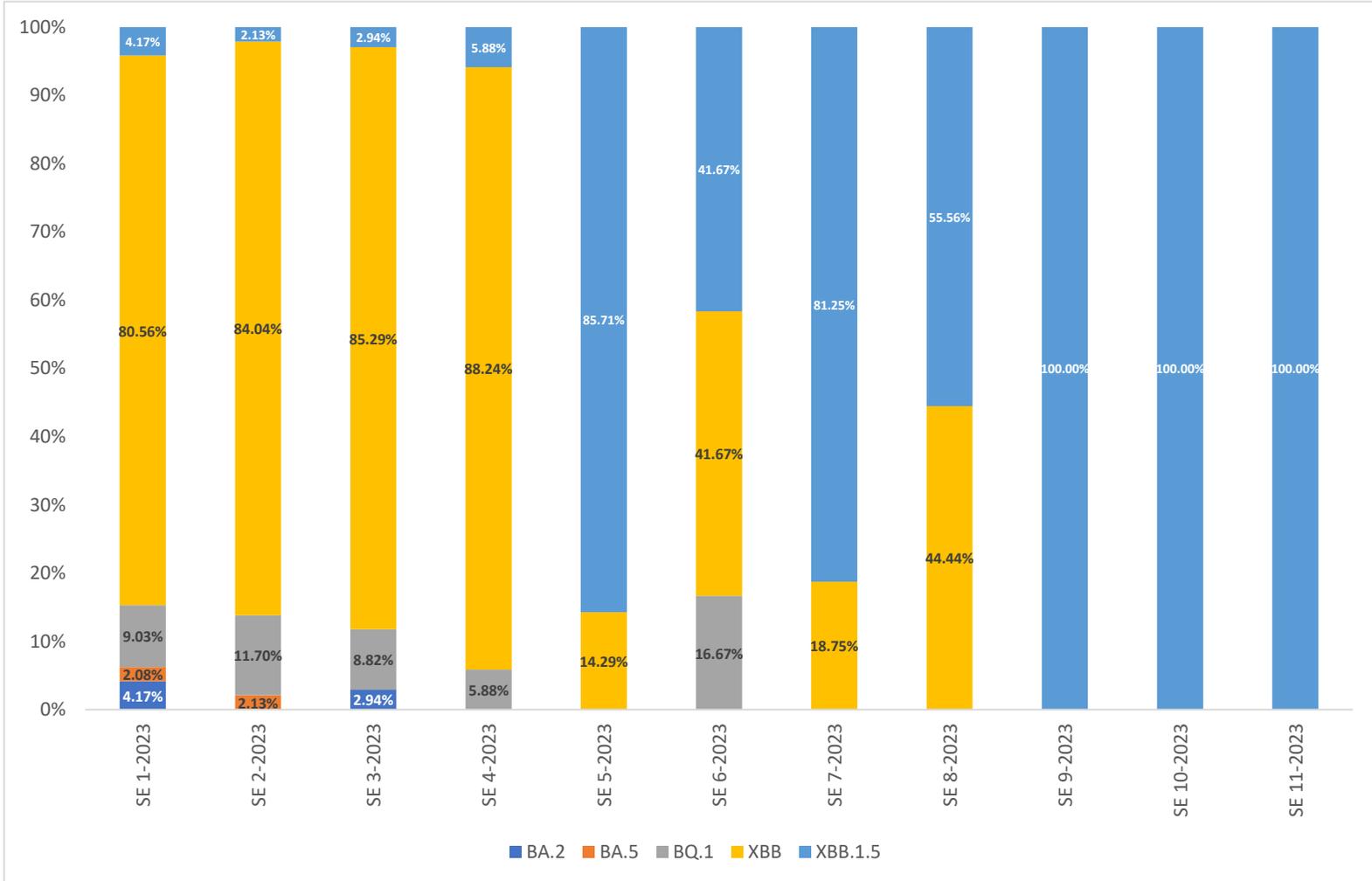
Imagen 1. Distribución de casos VOC detectados por departamento del 21 de febrero al 15 de marzo de 2023



Fuente: Información obtenida del Laboratorio Nacional de Salud.

En la siguiente gráfica se puede observar el comportamiento de los diferentes sublinajes, de las semanas epidemiológicas de la 1 a la 11 del año 2023. Hasta la fecha el sublinaje XBB continúa siendo la variante más frecuente.

Gráfica 7. Proporción de casos de VOC de muestras secuenciadas localmente, de las semanas epidemiológicas 1 a la 11 del año 2023.

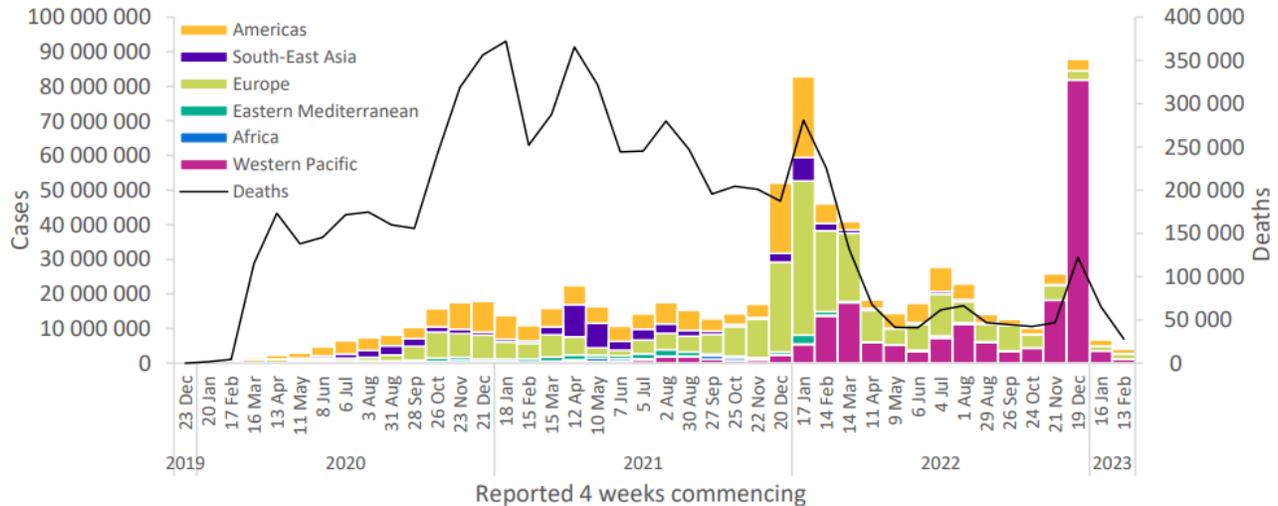


Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

Según la Organización Mundial de la Salud (OMS) a nivel global, alrededor de 4 millones de nuevos casos y 28,000 muertes han sido reportados entre el 13 de febrero al 12 de marzo del año en curso. Se ha observado una disminución del 40% y el 57%, respectivamente comparado con los 28 días anteriores.

IMAGEN 2. CASOS DE COVID-19 POR REGIÓN REPORTADOS POR LA ORGANIZACIÓN MUNDIAL DE LA SALUD, Y MUERTES GLOBALES POR INTERVALO POR 28 DÍAS, HASTA EL 12 DE MARZO DEL 2023.

Figure 1. COVID-19 cases reported by WHO Region, and global deaths by 28-day intervals, as of 12 March 2023**



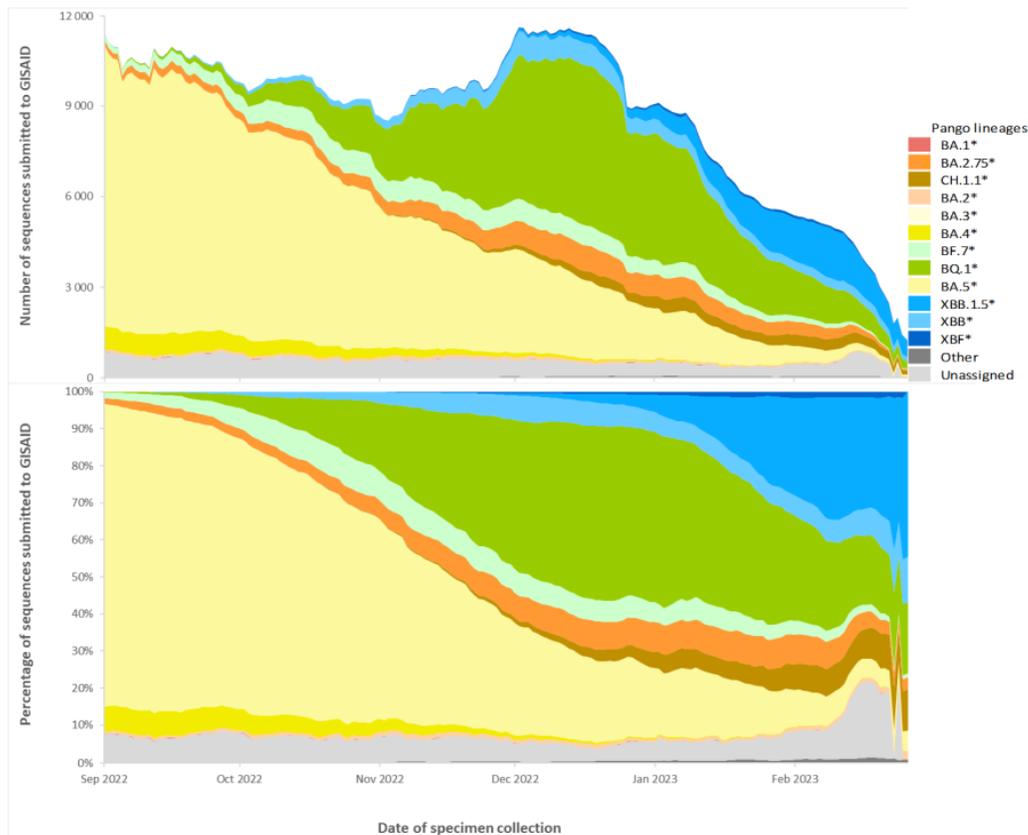
Fuente: Organización Mundial de la Salud. (2023).

<https://www.who.int/publications/m/item/weekly-epidemiological-update-on-covid-19---16-march-2023>

Según la imagen 3, se observa una disminución en el número de secuencias subidas a la Iniciativa internacional para compartir datos genómicos del virus de la gripe (GISAID, por sus siglas en inglés). En el panel A se observa el número y en el panel B el porcentaje de todas las variantes circulantes desde el 01 de septiembre del 2022 hasta el 26 de febrero del 2023, la cual corresponde a la variante Ómicron que incluye a los siguientes sublinajes: BA.1, BA.2, BA.3, BA.4 y BA.5 y los sublinajes bajo monitoreo según la OMS.

IMAGEN 3. PANEL A Y B: NÚMERO Y PORCENTAJE DE SECUENCIAS DE SARS-COV-2, DEL 1 DE SEPTIEMBRE AL 26 DE FEBRERO DE 2023. .

Figure 4. Panel A and B: The number and percentage of SARS-CoV-2 sequences, from 1 September to 26 February 2023



Fuente: Organización Mundial de la Salud. (2023).

<https://www.who.int/publications/m/item/weekly-epidemiological-update-on-covid-19---16-march-2023>