

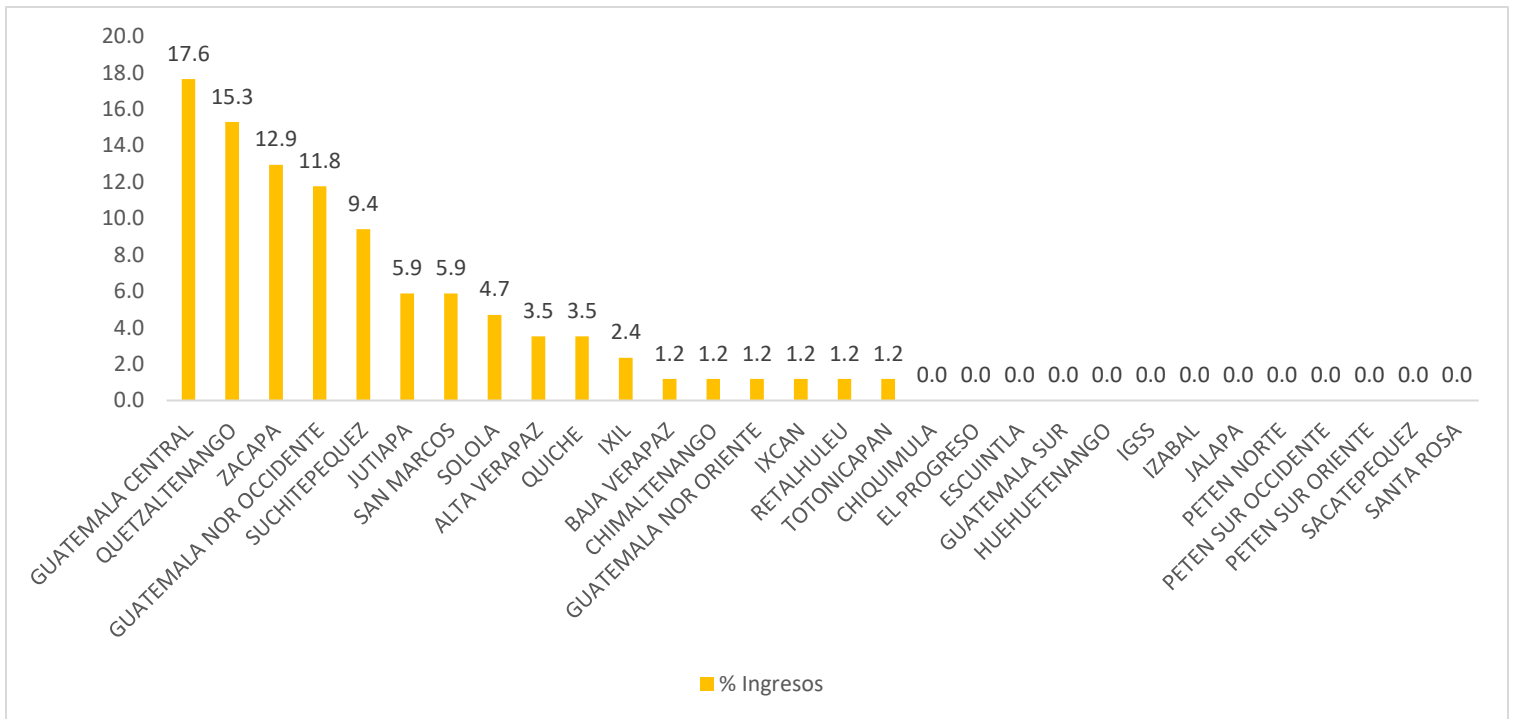
Bárcena Villa Nueva, 14 de febrero de 2023

INFORME SEQ-36-02-2023

Este informe corresponde a la detección de variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud (LNS) para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La Gráfica 1 corresponde al ingreso al LNS 85 muestras del 24 de enero al 07 de febrero del año en curso para el proceso de secuenciación provenientes de las diferentes áreas de salud del país.

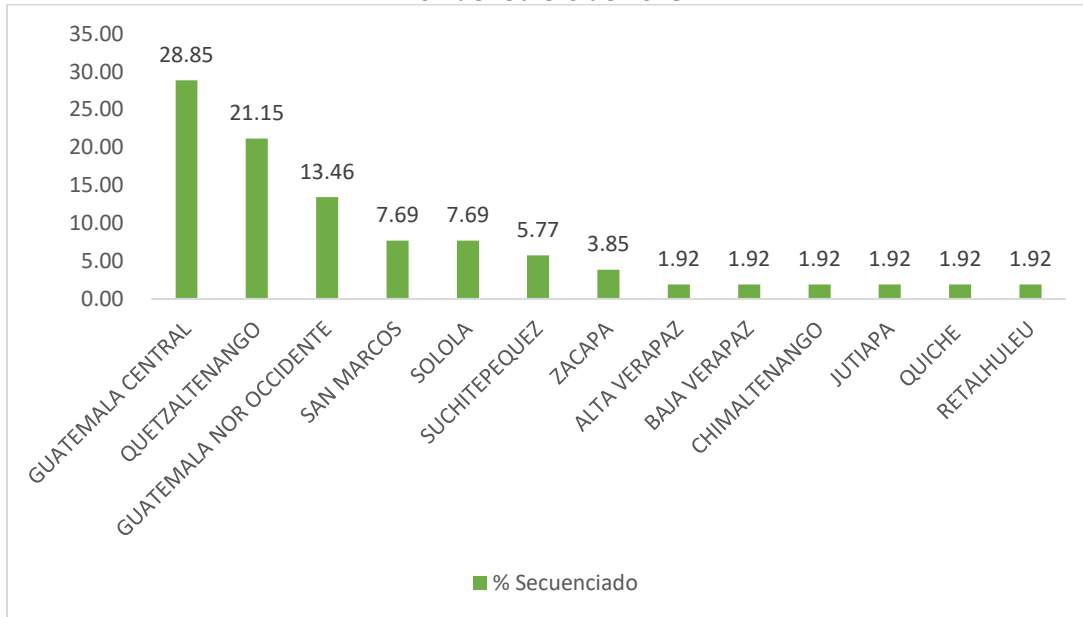
Gráfica 1. Porcentaje de muestras ingresadas al LNS para el proceso de secuenciación, por área de salud, del 24 de enero al 07 de febrero de 2023



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

Se realizó una selección de 61 muestras que cumplieran los criterios de inclusión para el proceso de secuenciación, de las cuales se obtuvo la secuencia genómica efectiva de 52 muestras. En la gráfica 2 se observa el porcentaje de muestras secuenciadas por área de salud.

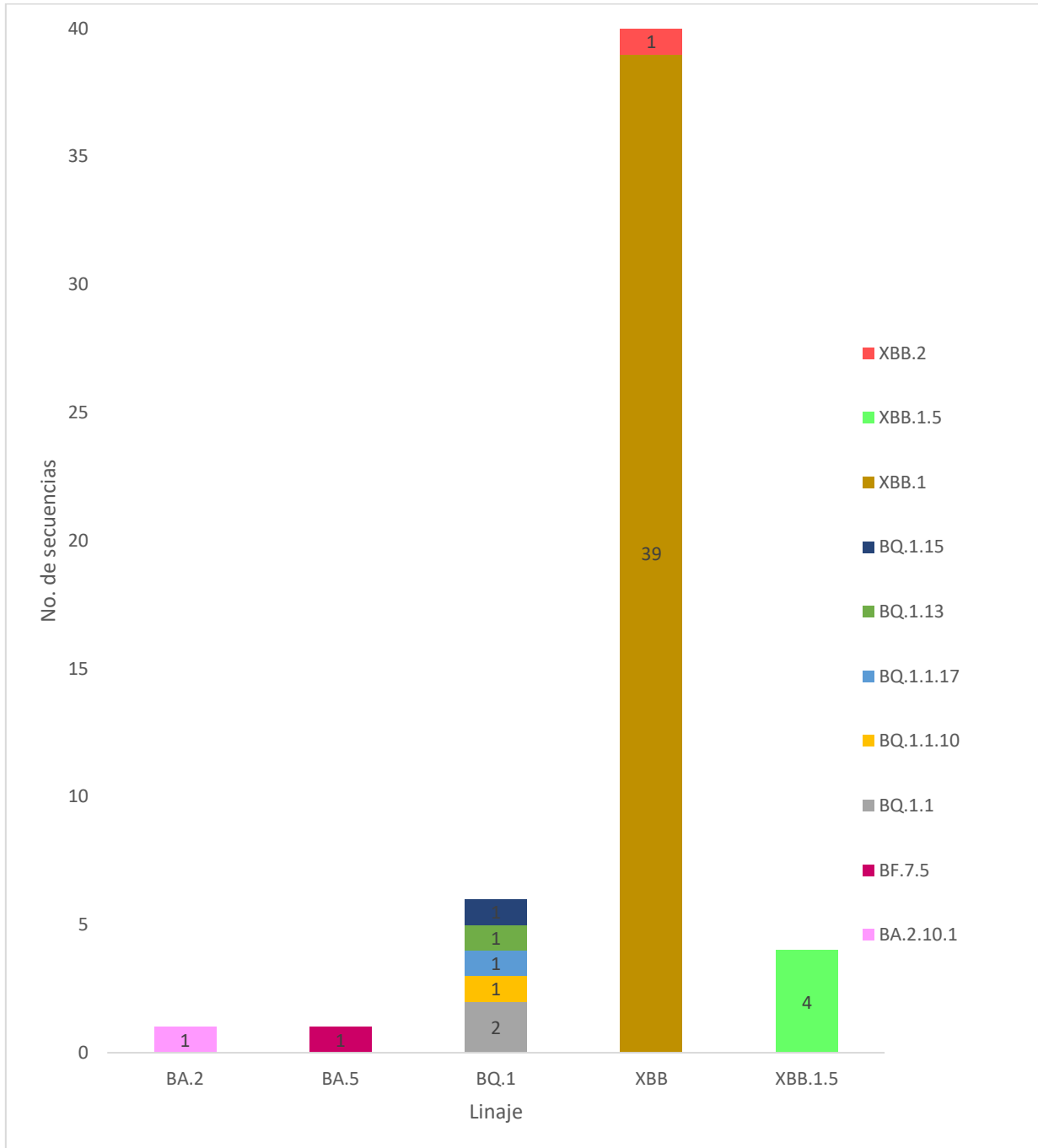
Gráfica 2. Porcentaje de muestras secuenciadas localmente, por área de salud, del 24 de enero al 07 de febrero de 2023



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

Del total de las muestras que se obtuvo asignación de linaje, el 100% corresponde a la VOC Ómicron, cuyos diversos sublinajes se pueden observar en la gráfica 3. La variante más frecuente corresponde a la recombinante XBB la cual representa el 84.61%, esta incluye la subvariante XBB.1.5 la cual corresponde 7.69 %. De los otros linajes encontrados; 11.54% corresponden para la variante BQ.1 y sus sublinajes; 1.92% para la variante BA.2; 1.92% para la variante BA.5 y sus sublinajes.

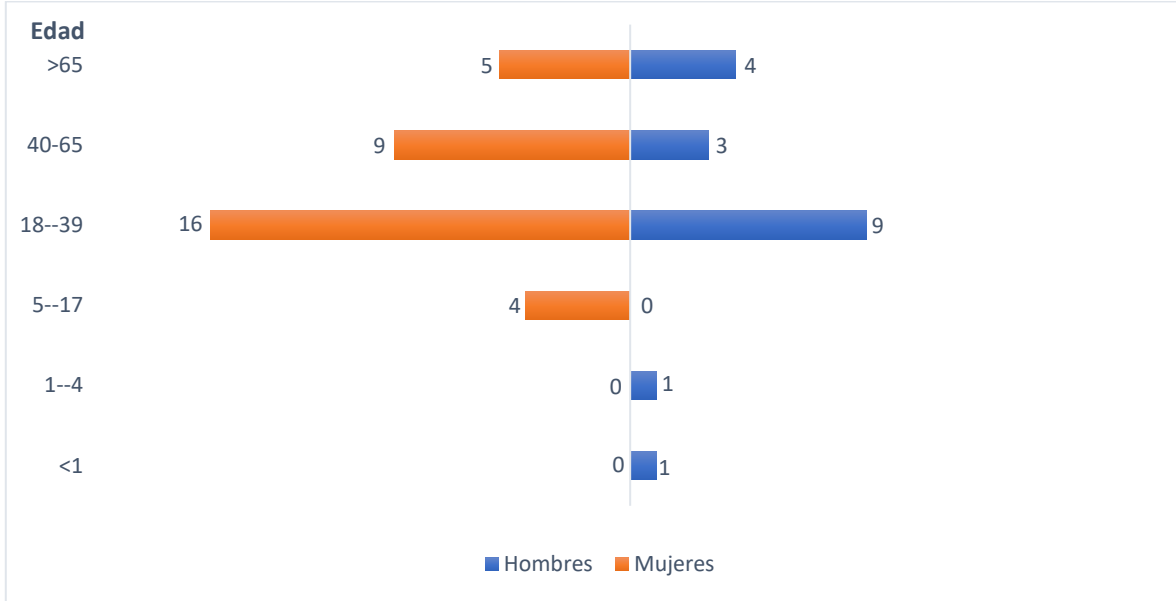
Gráfica 3. Variantes de Preocupación BA.2, BA.5, BQ.1 y recombinantes XBB detectadas por el proceso de secuenciación local, del 24 de enero al 07 de febrero de 2023



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

De las muestras secuenciadas, la mayoría pertenecen al sexo femenino en rango de edad de 18 a 39 años (gráfica 4).

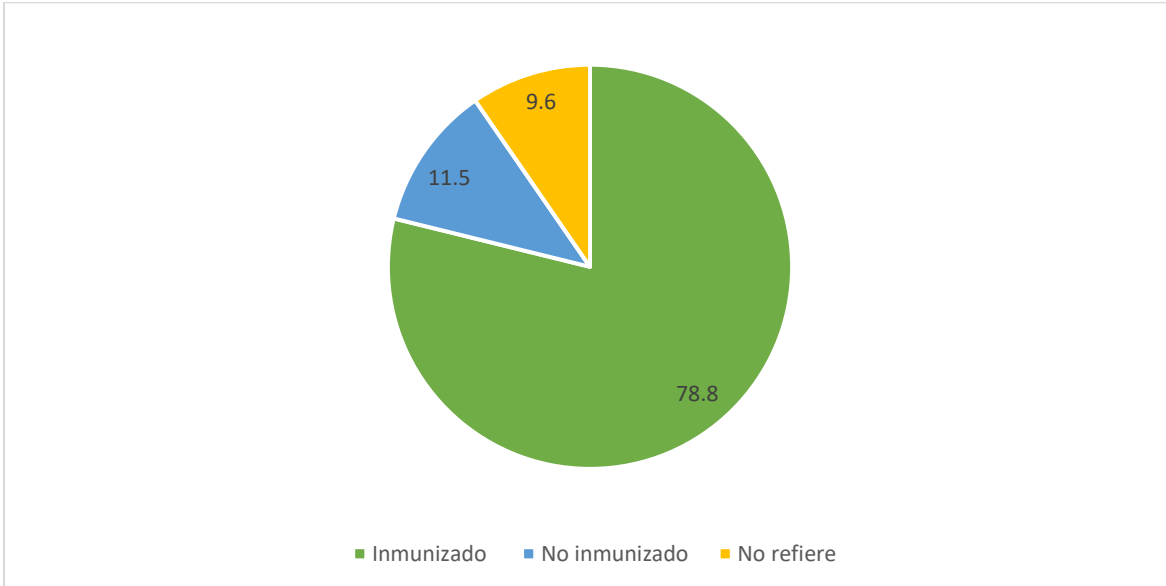
Gráfica 4. Casos por edad y sexo de muestras secuenciadas localmente, del 24 de enero al 07 de febrero de 2023



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

De los casos secuenciados la mayoría refirió antecedentes de vacunación, según ficha epidemiológica (Gráfica 5).

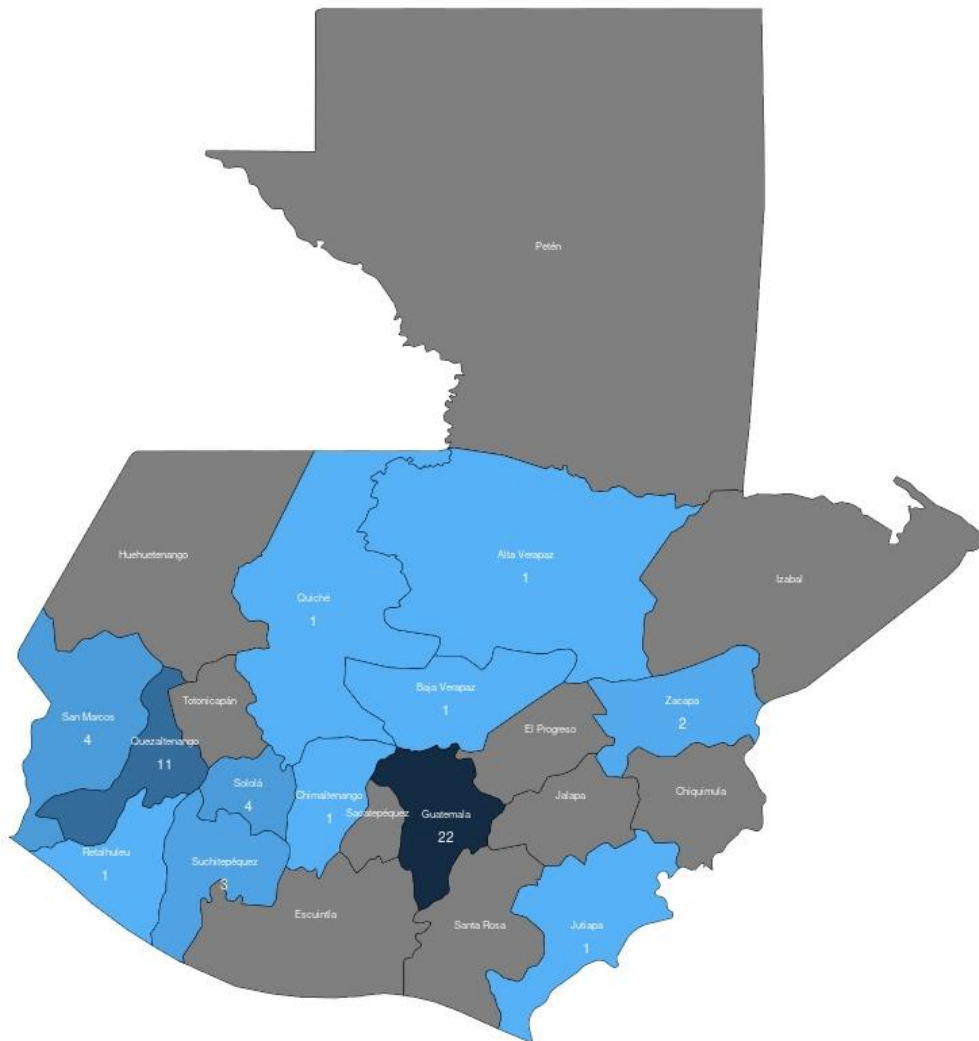
Gráfica 5. Porcentaje de casos inmunizados de muestras secuenciadas localmente, del 24 de enero al 07 de febrero de 2023



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

A continuación, se presentan los casos de VOC detectados en Guatemala distribuidos por departamento.

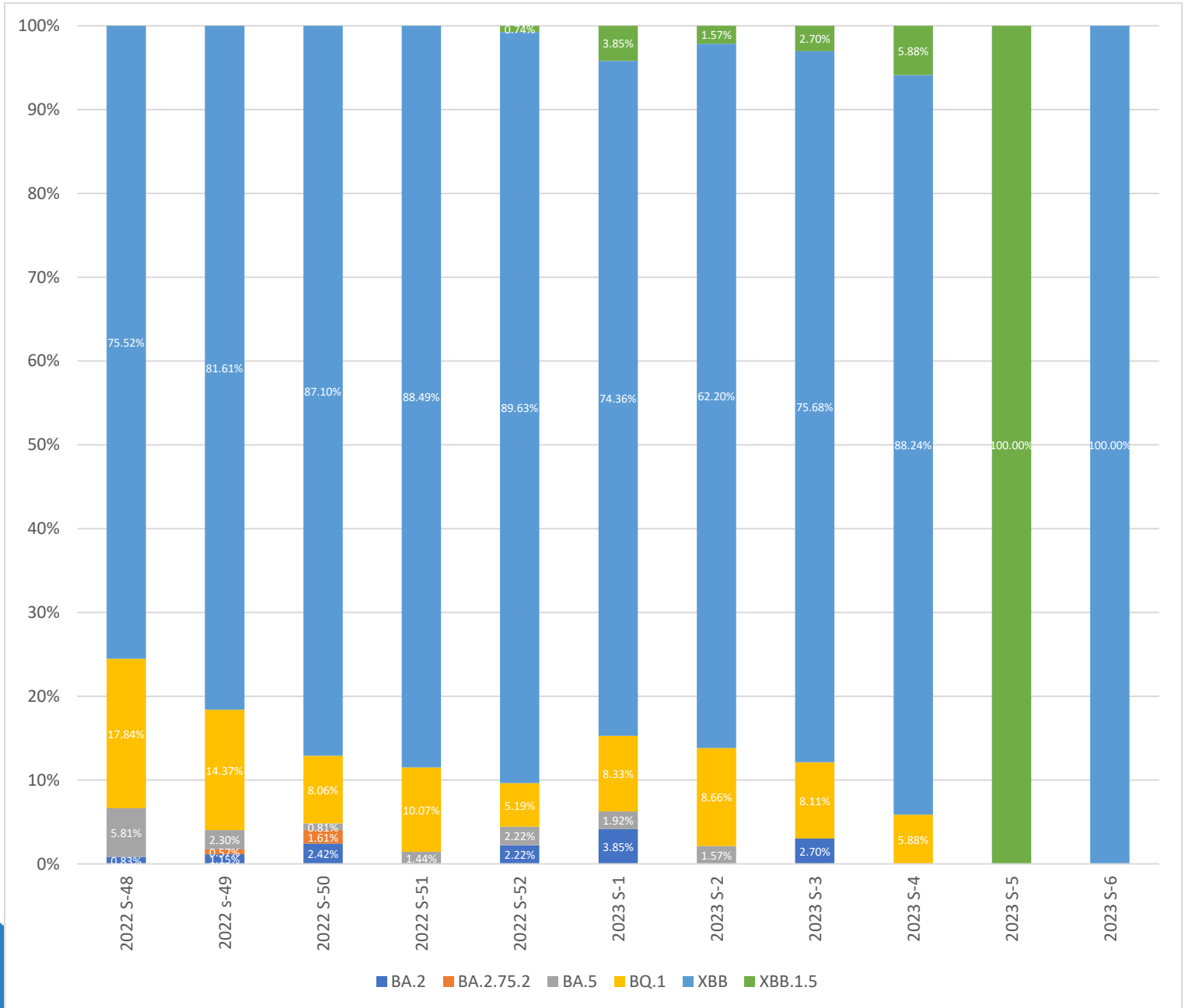
Imagen 1. Distribución de casos VOC detectados por departamento del 24 de enero al 07 de febrero de 2023



Fuente: Información obtenida del Laboratorio Nacional de Salud.

En la siguiente gráfica se puede observar el comportamiento de los diferentes sublinajes, de las semanas epidemiológicas 48 a la 52 del año 2022 y las primeras 6 semanas epidemiológicas del año 2023. La aparición de la variante XBB.1.5 se dio en la semana epidemiológica 52 del año 2022, hasta la fecha XBB continúa siendo la variante más frecuente.

Gráfica 6. Proporción de casos de VOC de muestras secuenciadas localmente, de las semanas epidemiológicas de la 48 a la 52 del año 2022 y semana epidemiológica de la 1 a la 6 del año 2023.



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.