



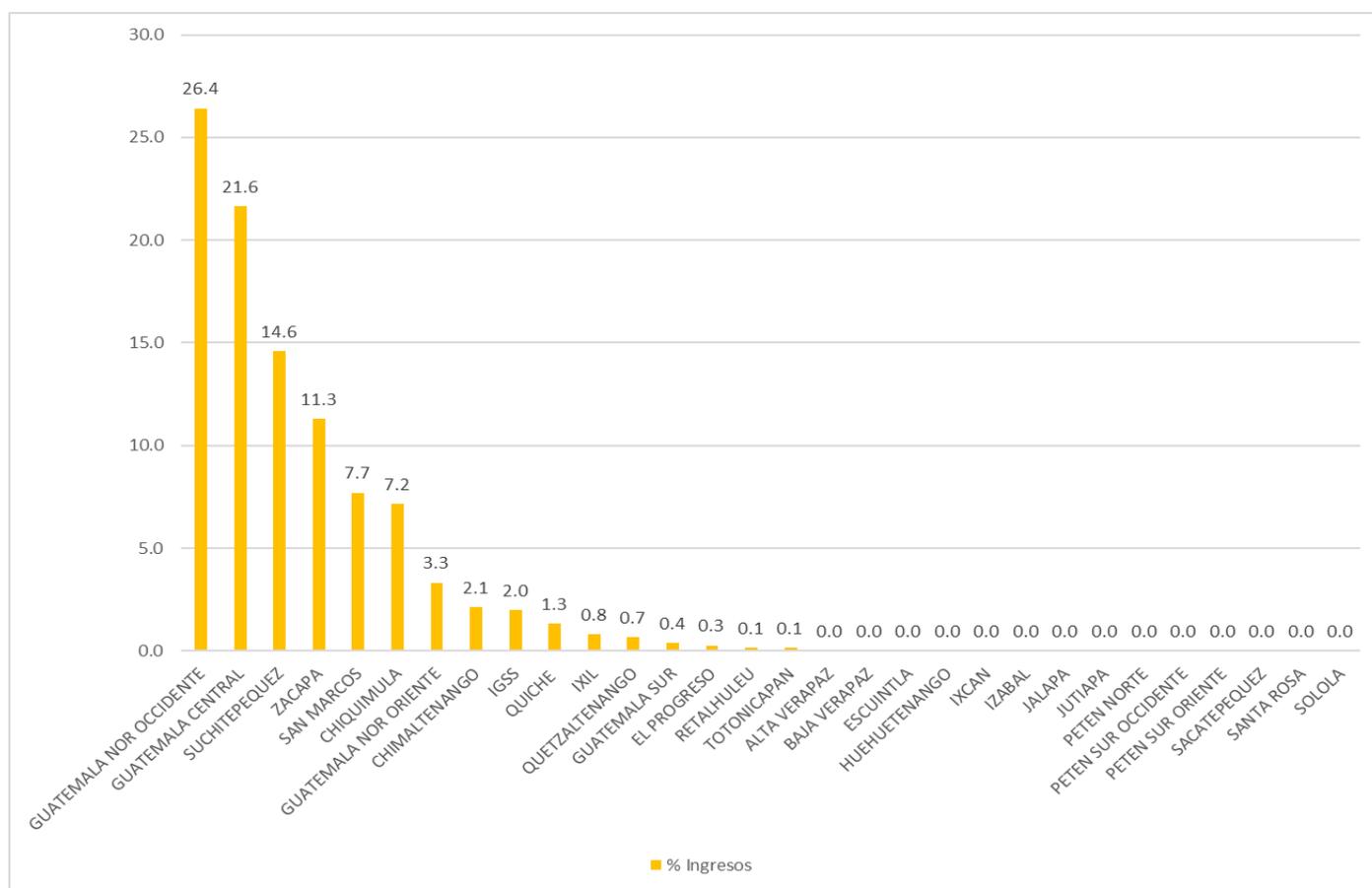
Bárcena Villa Nueva, 16 de enero de 2023

INFORME SEQ-34-01-2023

Este informe corresponde a la detección de variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud (LNS) para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La Gráfica 1 corresponde al ingreso al LNS de 753 muestras del 20 de diciembre de 2022 al 09 de enero del año en curso para el proceso de secuenciación provenientes de las diferentes áreas de salud del país.

Gráfica 1. Porcentaje de muestras ingresadas al LNS para el proceso de secuenciación, por área de salud, del 20 de diciembre de 2022 al 09 de enero de 2023



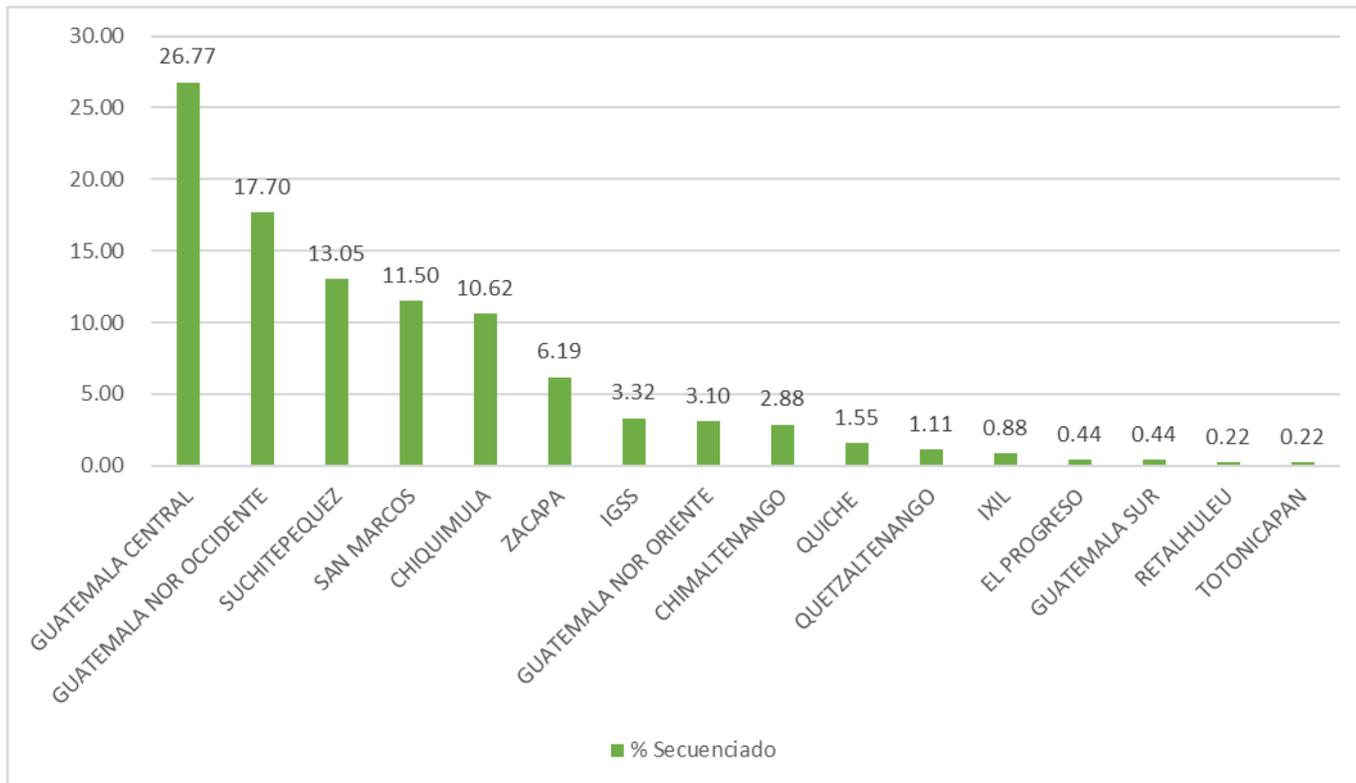
Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

Se realizó una selección de 452 muestras que cumplieran los criterios de inclusión para el proceso de secuenciación, de las cuales se obtuvo la secuencia genómica efectiva de 441 muestras. En la gráfica 2 se observa el porcentaje de muestras secuenciadas por área de salud.





Gráfica 2. Porcentaje de muestras secuenciadas localmente, por área de salud, del 20 de diciembre de 2022 al 09 de enero de 2023



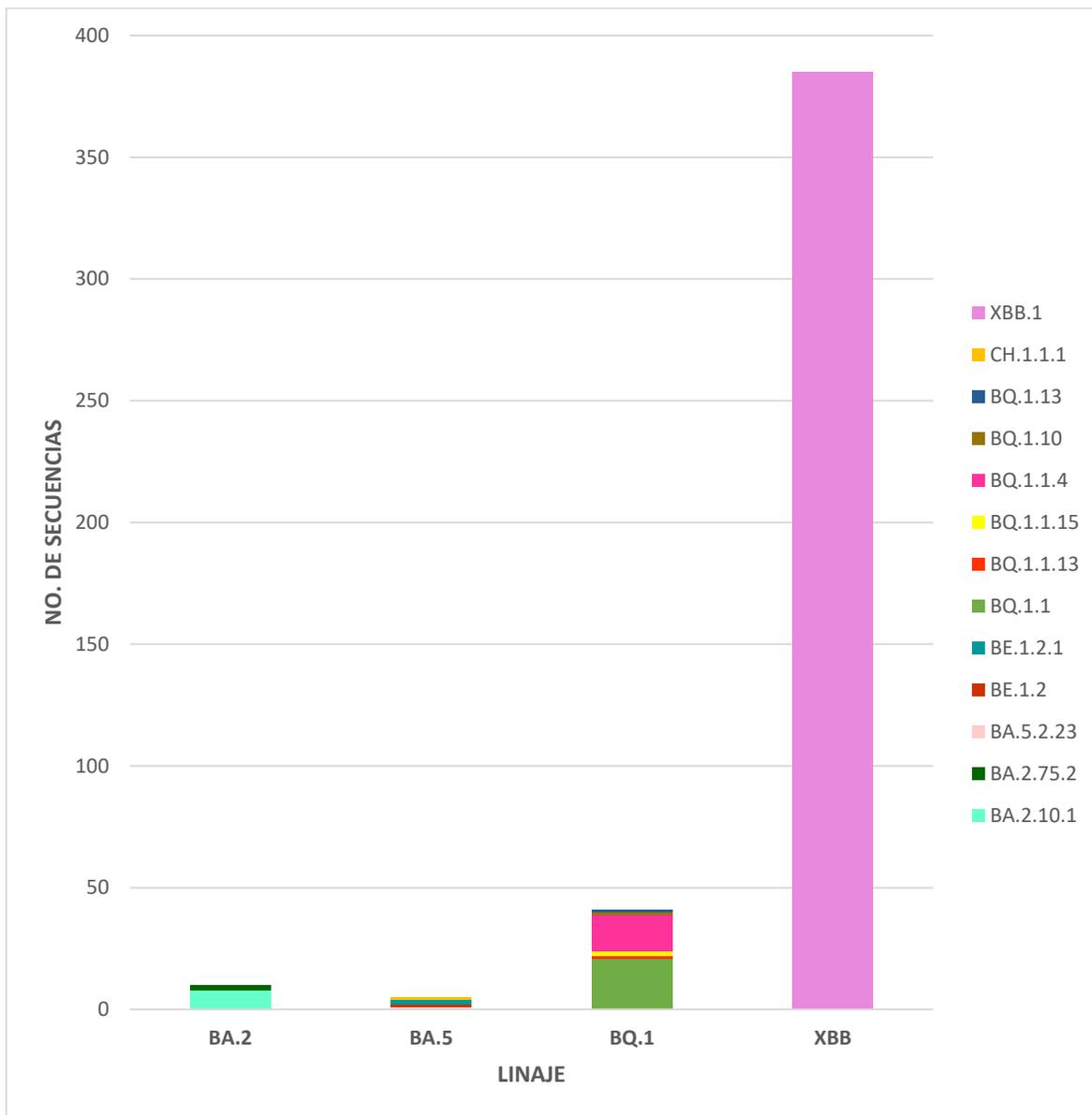
Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

Del total de las muestras que se obtuvo asignación de linaje, el 100% corresponde a la VOC Ómicron, cuyos diversos sublinajes se pueden observar en la gráfica 3. La variante más frecuente corresponde a la recombinante XBB la cual representa el 87.30% del total de los linajes encontrados; 9.30% para la variante BQ.1 y sus sublinajes; 2.27 para la variante BA.2 y sus sublinajes; 1.13% para la variante BA.5 y sus sublinajes.

A la fecha, la variante recombinante XBB, específicamente XBB.1, continúa predominando sobre otros linajes de Ómicron en Guatemala. Aún no se disponen de datos suficientes que sugieran que dicha variante presente una mayor severidad de los síntomas.



Gráfica 3. Variantes de Preocupación BA.2, BA.2.5 y recombinante, detectadas por el proceso de secuenciación local, del 20 de diciembre de 2022 al 09 de enero de 2023

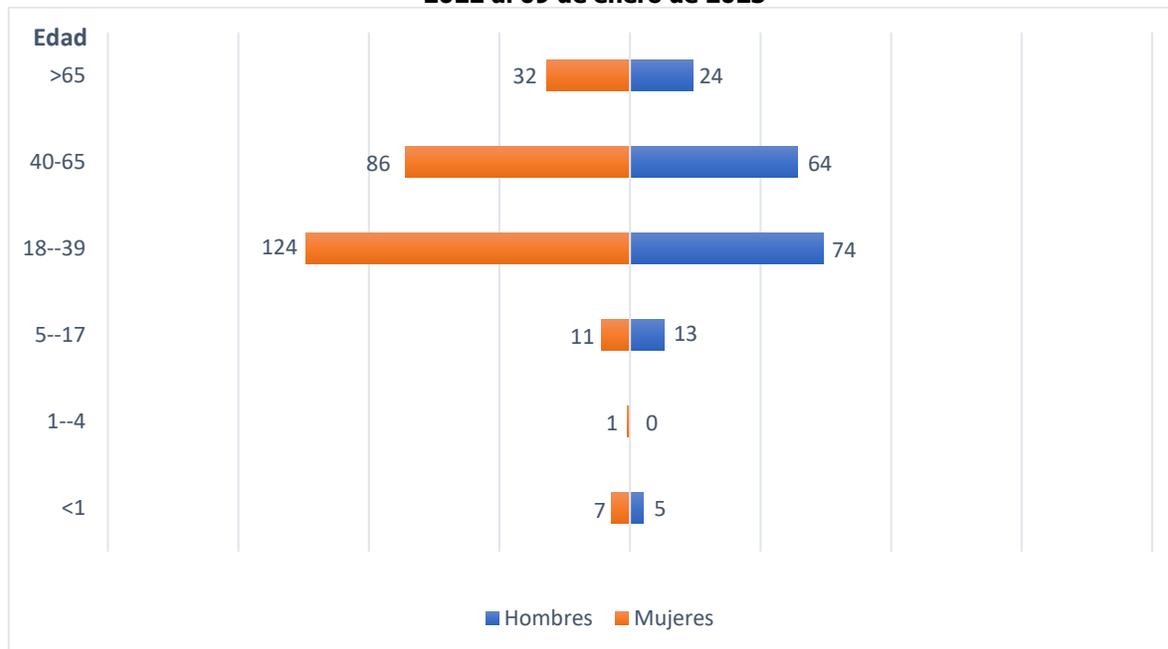


Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS-.



De las muestras secuenciadas, la mayoría pertenecen al rango de edad de 18 a 39 para el sexo femenino (gráfica 4).

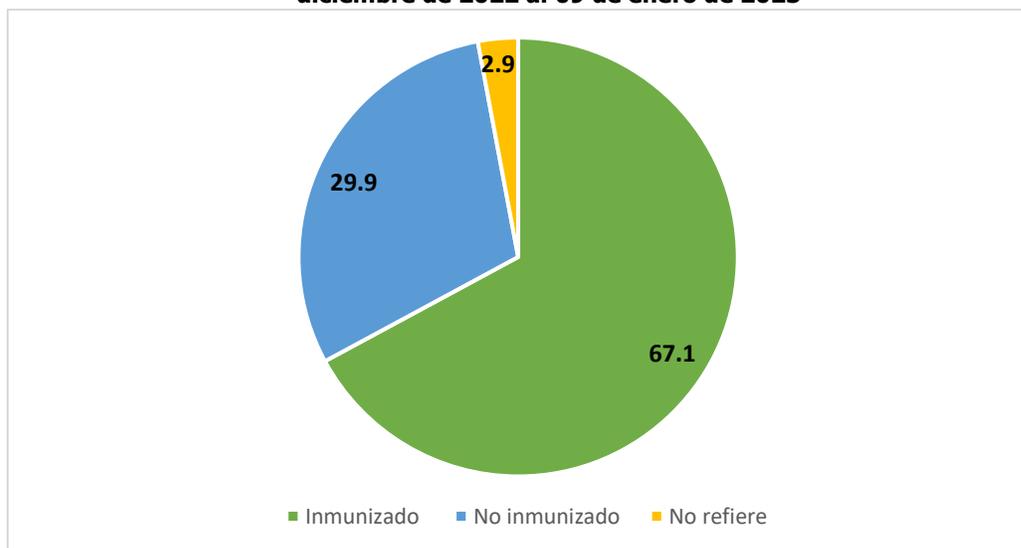
Gráfica 4. Casos por edad y sexo de muestras secuenciadas localmente, del 20 de diciembre de 2022 al 09 de enero de 2023



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

De los casos secuenciados la mayoría refirió antecedentes de vacunación, según ficha epidemiológica (gráfica 5).

Gráfica 5. Porcentaje de casos inmunizados de muestras secuenciadas localmente, del 20 de diciembre de 2022 al 09 de enero de 2023

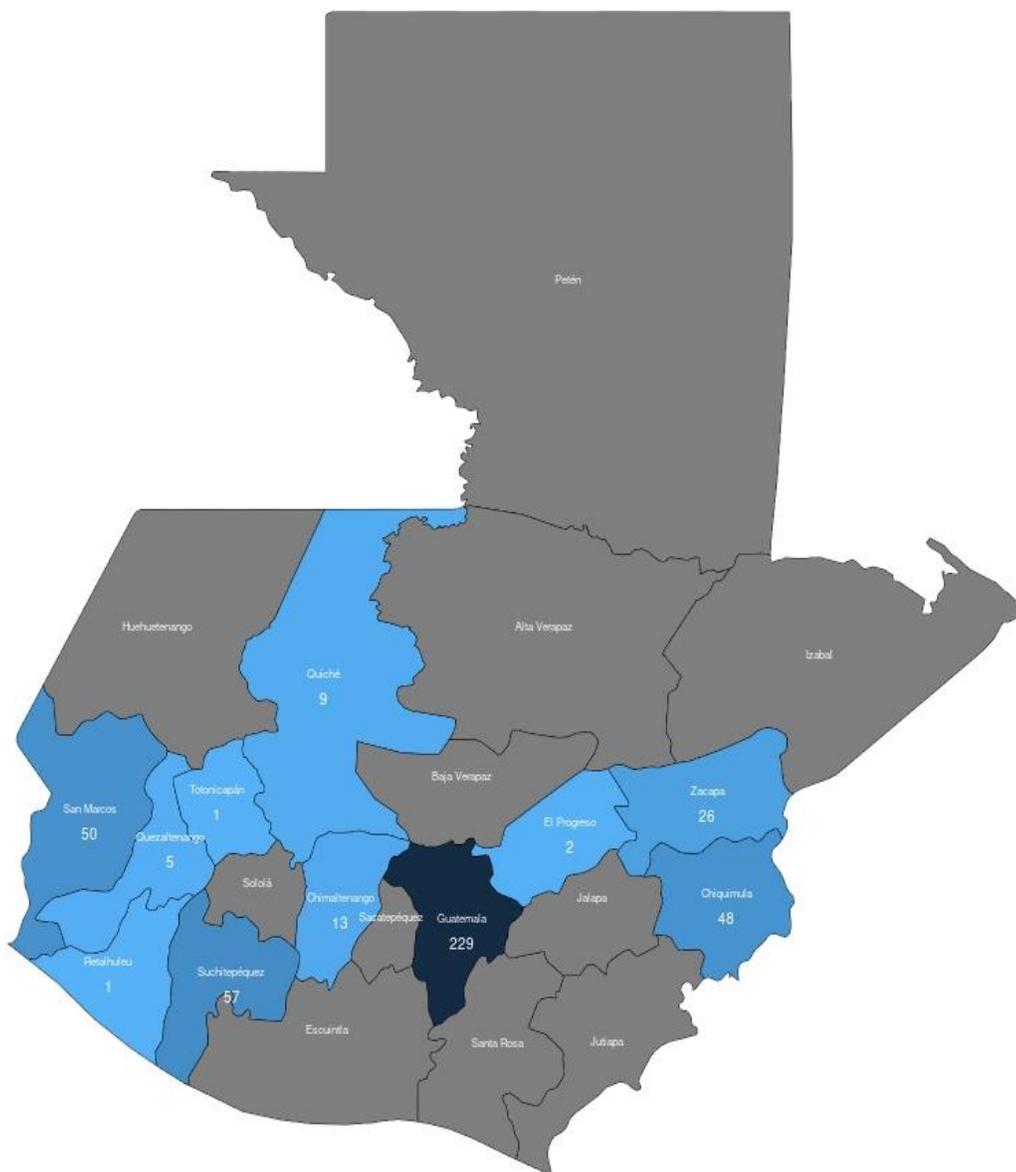


Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.



A continuación, se presentan los casos de VOC detectados en Guatemala distribuidos por departamento.

Imagen 1. Distribución de casos VOC detectados por departamento del 20 de diciembre de 2022 al 09 de enero de 2023



Fuente: Información obtenida del Laboratorio Nacional de Salud.



En la siguiente gráfica se puede observar el comportamiento de los diferentes sublinajes, de las semanas epidemiológicas 46 a la 52 del año 2022 y la primera semana epidemiológica del año 2023. En la semana epidemiológica 44 del año 2022 apareció la variante recombinante XBB y fue predominante sobre otros linajes a partir de la semana epidemiológica 47 del mismo año. En la semana epidemiológica 1 del año 2023, XBB continúa siendo la más frecuente.

Gráfica 6. Proporción de casos de VOC de muestras secuenciadas localmente, de las semanas epidemiológicas de la 46 a la 52 del año 2022 y semana epidemiológica 1 del año 2023.

