



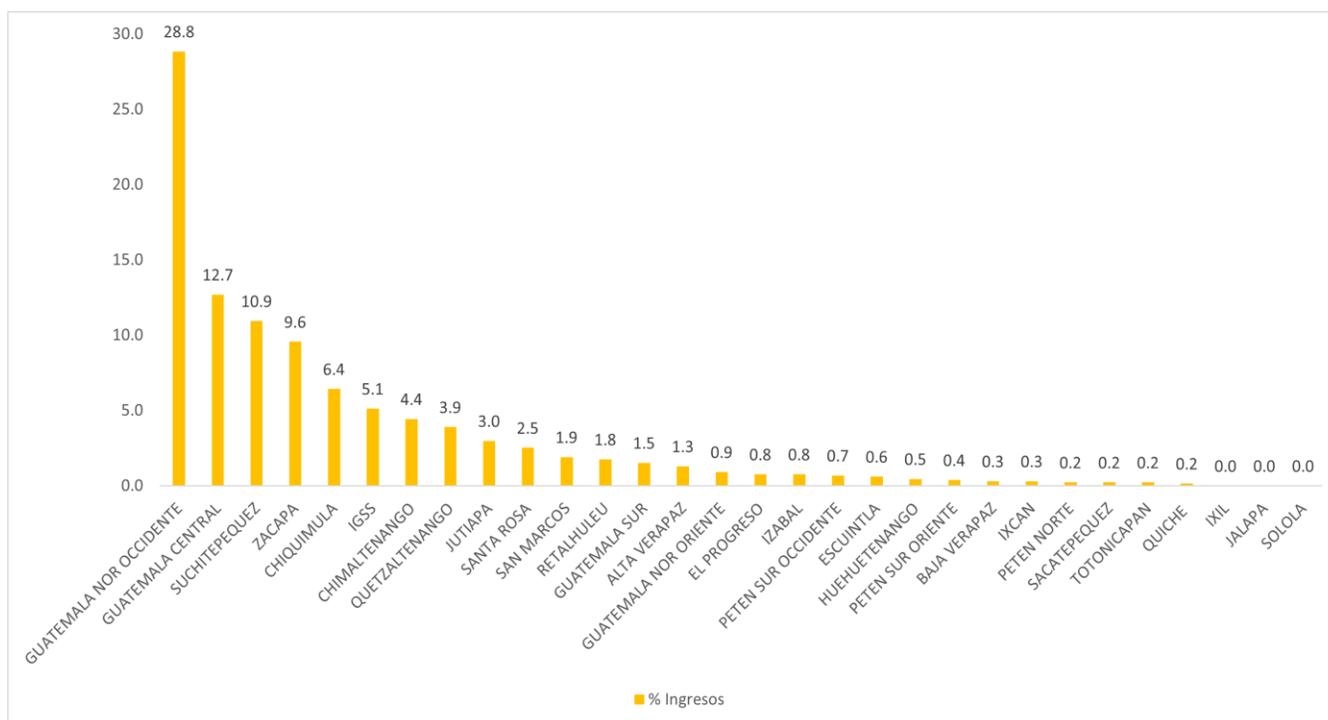
Bárcena Villa Nueva, 27 de diciembre de 2022

## INFORME SEQ-33-12-2022

Este informe corresponde a la detección de variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud (LNS) para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La Gráfica 1 corresponde al ingreso al LNS de 1307 muestras del 28 de noviembre al 19 de diciembre del año en curso para el proceso de secuenciación provenientes de las diferentes áreas de salud del país.

**Gráfica 1. Porcentaje de muestras ingresadas al LNS para el proceso de secuenciación, por área de salud, del 28 de noviembre al 19 de diciembre de 2022**

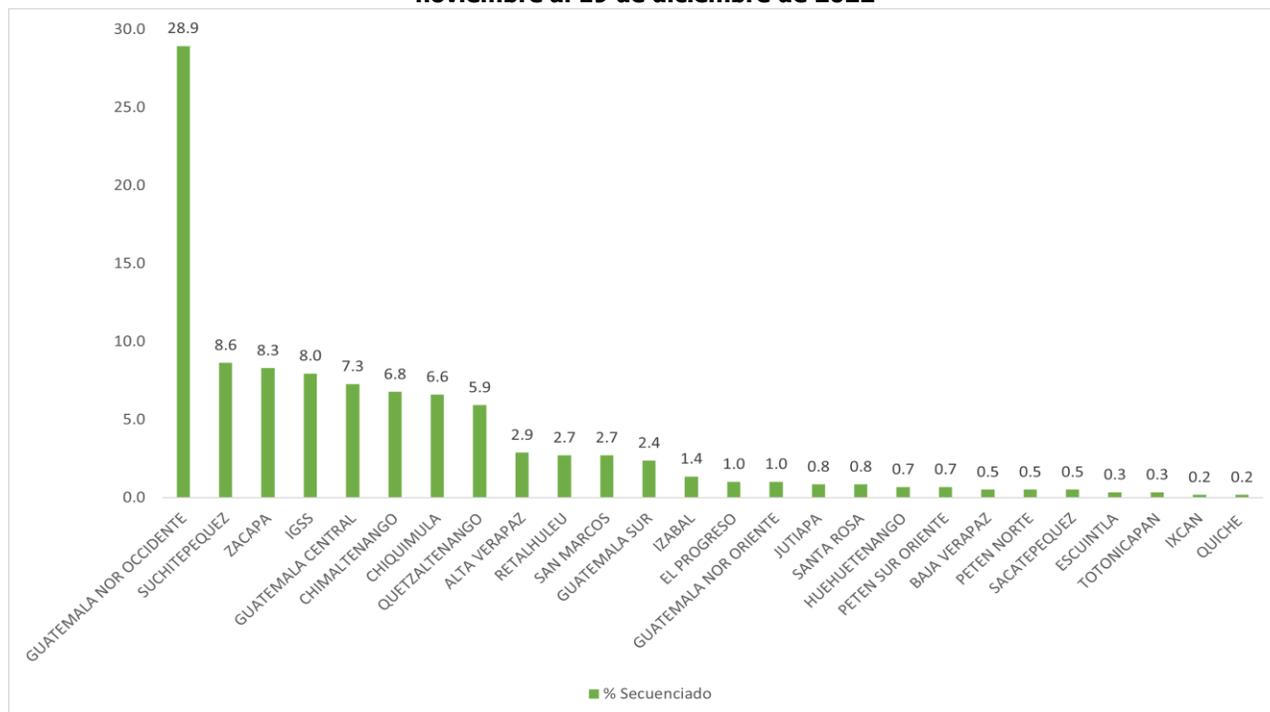


Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

Se realizó una selección de 653 muestras que cumplieran los criterios de inclusión para el proceso de secuenciación, de las cuales se obtuvo la secuencia genómica efectiva de 591 muestras. En la gráfica 2 se observa el porcentaje de muestras secuenciadas por área de salud.



**Gráfica 2. Porcentaje de muestras secuenciadas localmente, por área de salud, del 28 de noviembre al 19 de diciembre de 2022**



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

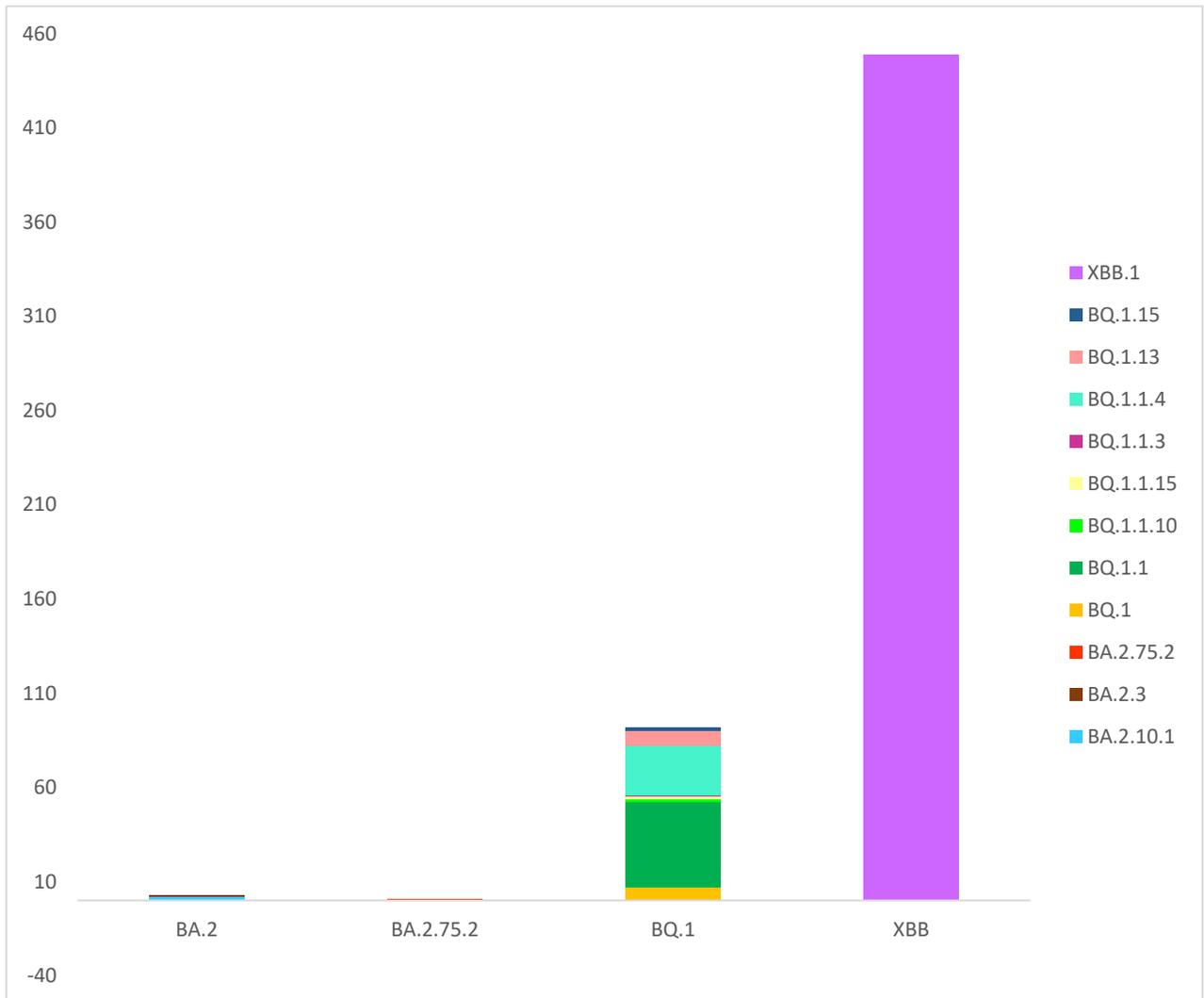
Del total de las muestras que se obtuvo asignación de linaje, el 100% corresponde a la VOC Ómicron, cuyos diversos sublinajes se pueden observar en la gráfica 3 y 4. La variante más frecuente corresponde a la recombinante XBB la cual representa el 75.97% del total de los linajes encontrados; 15.57% para la variante BQ.1 y sus sublinajes; 7.78% para la variante BA.5 y sus sublinajes.

XBB es una variante recombinante de los sublinajes BA.2.10.1 Y BA.2.75, el primer caso de esta variante, se observó en la semana epidemiológica 44 y predominó a partir de la semana epidemiológica 47. Según la Organización Mundial de la Salud (OMS) indica que, si bien se requieren de más estudios, los datos actuales no sugieren diferencias sustanciales en la gravedad de la enfermedad para las infecciones por XBB, así también no difiere en la presentación de síntomas con respecto a los sublinajes de Ómicron detectados anteriormente, entre los cuales resaltan el dolor de garganta, la congestión nasal, dolores musculares y la dificultad para respirar.

En la gráfica 3 se encuentran agrupados por los linajes BA.2, BA.2.75, BQ y la recombinante XBB; y los diferentes sublinajes obtenidos. En la gráfica 4 se encuentra la variante BA.5 y sus distintos sublinajes, siendo esta variante la que presenta una mayor diversidad de sublinajes



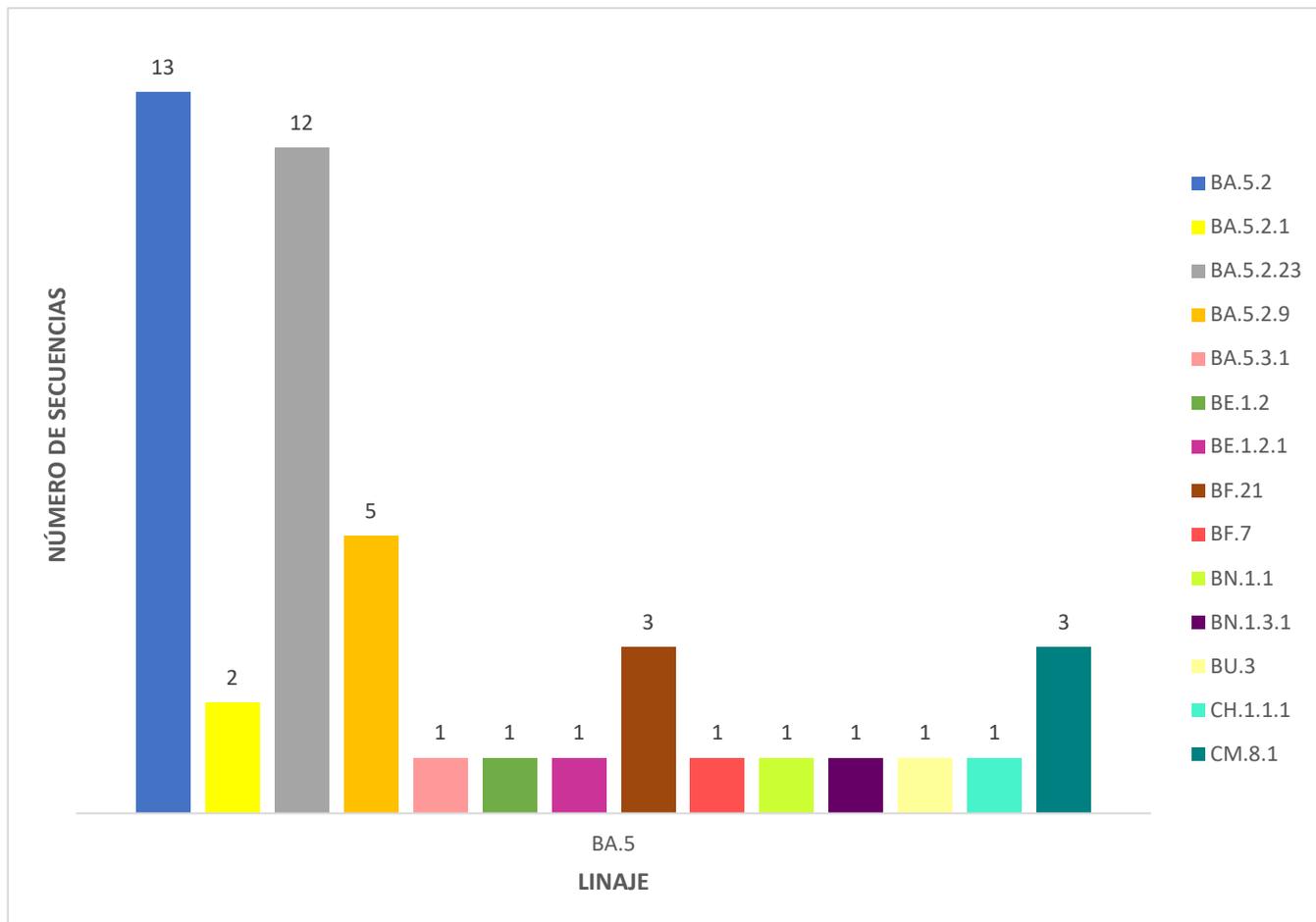
**Gráfica 3. Variantes de Preocupación BA.2, BA.2.75 y recombinante, detectadas por el proceso de secuenciación local, del 28 de noviembre al 19 de diciembre de 2022**



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.



Gráfica 4. Variantes de Preocupación BA.5 detectadas por el proceso de secuenciación local, del 28 de noviembre al 19 de diciembre de 2022

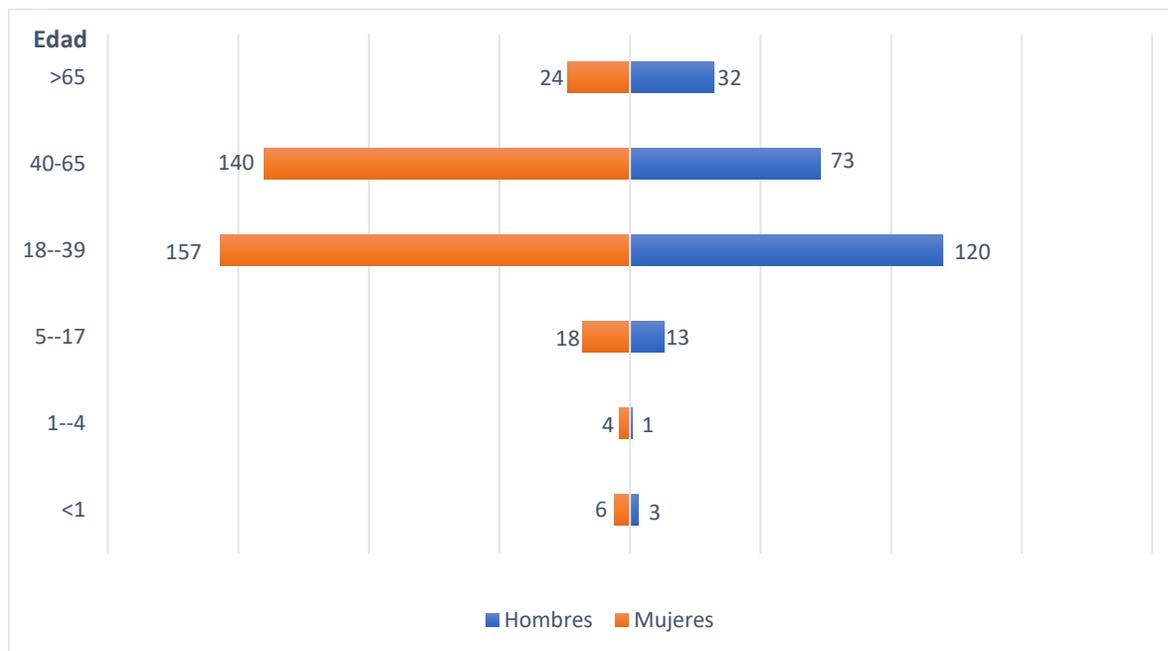


Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.



De las muestras secuenciadas, la mayoría pertenecen al rango de edad de 18 a 39 para el sexo femenino (gráfica 5).

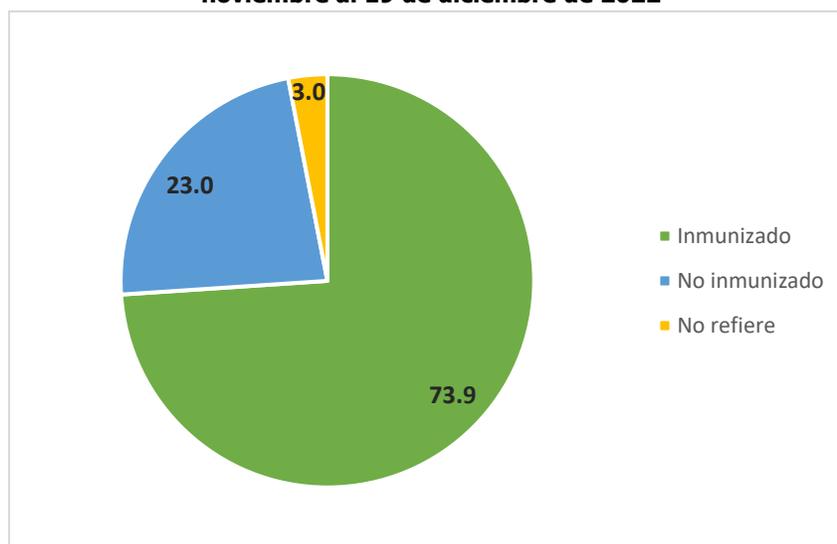
**Gráfica 5. Casos por edad y sexo de muestras secuenciadas localmente, del 28 de noviembre al 19 de diciembre de 2022**



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

De los casos secuenciados la mayoría refirió antecedentes de vacunación, según ficha epidemiológica (gráfica 6).

**Gráfica 6. Porcentaje de casos inmunizados de muestras secuenciadas localmente, del 28 de noviembre al 19 de diciembre de 2022**

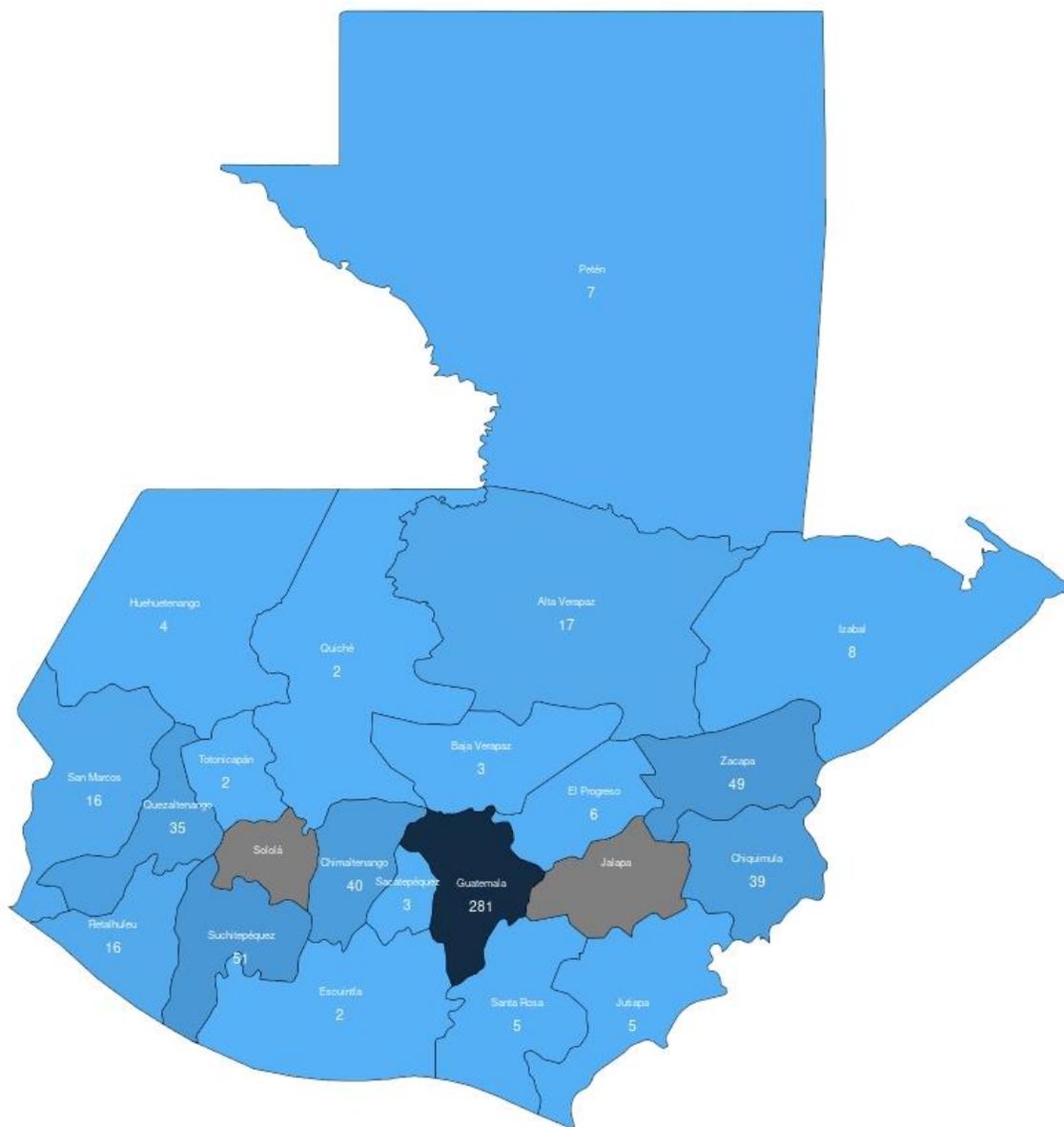


Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.



A continuación, se presentan los casos de VOC detectados en Guatemala distribuidos por departamento.

**Imagen 1. Distribución de casos VOC detectados por departamento del 28 de noviembre al 19 de diciembre de 2022**

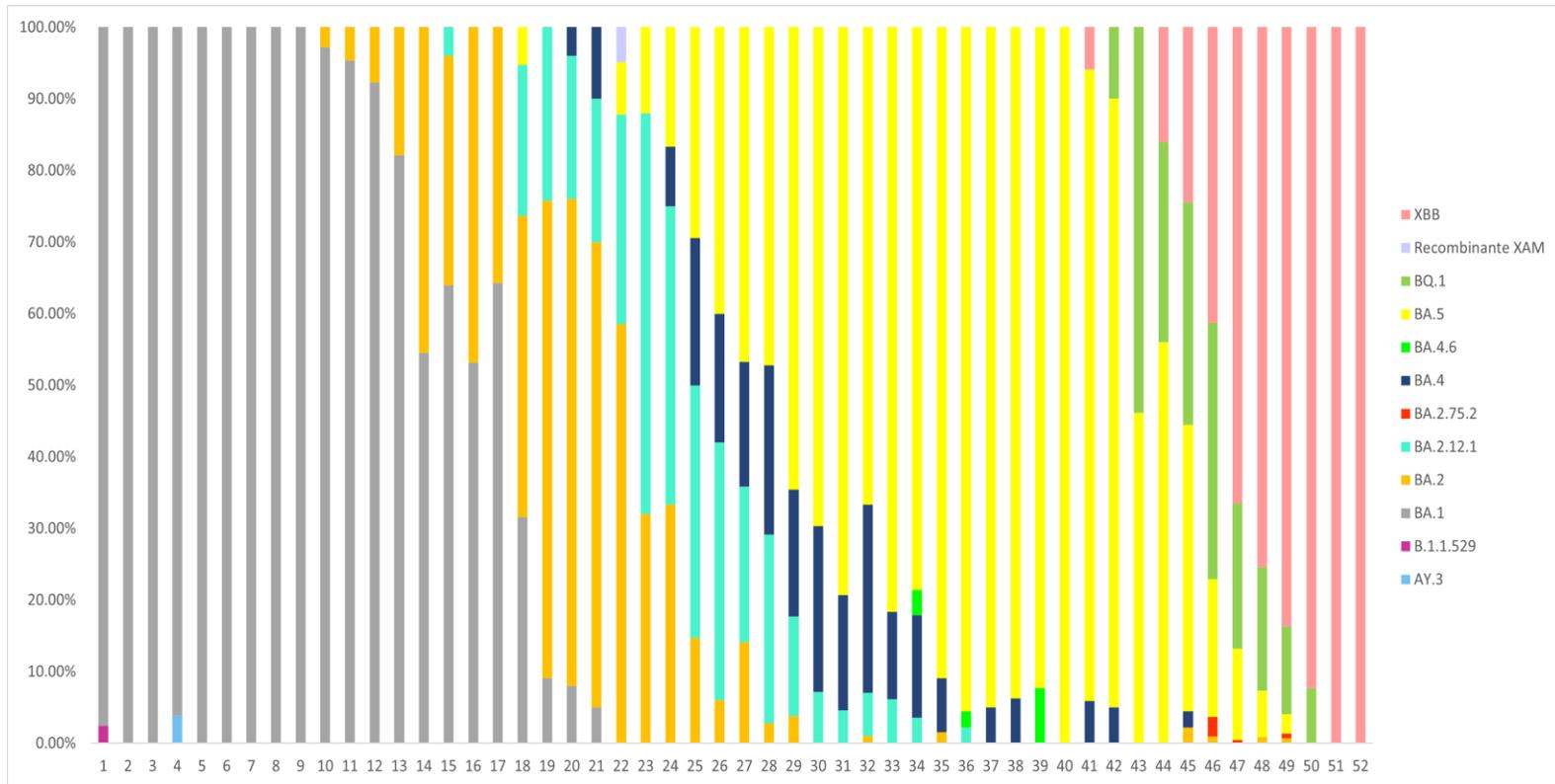


Fuente: Información obtenida del Laboratorio Nacional de Salud.



En la siguiente gráfica se puede observar el comportamiento de los diferentes sublinajes, de las semanas epidemiológicas 1 a la 52, observándose la aparición del linaje BQ.1 desde la semana epidemiológica 42 y la recombinante XBB desde la semana epidemiológica 44, esta recombinante ha desplazado a los otros linajes desde la semana epidemiológica 47, ocupando más del 50% de los casos.

**Gráfica 7. Proporción de casos de VOC de muestras secuenciadas localmente, de las semanas epidemiológicas de la 1 a la 52 de 2022.**



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

