



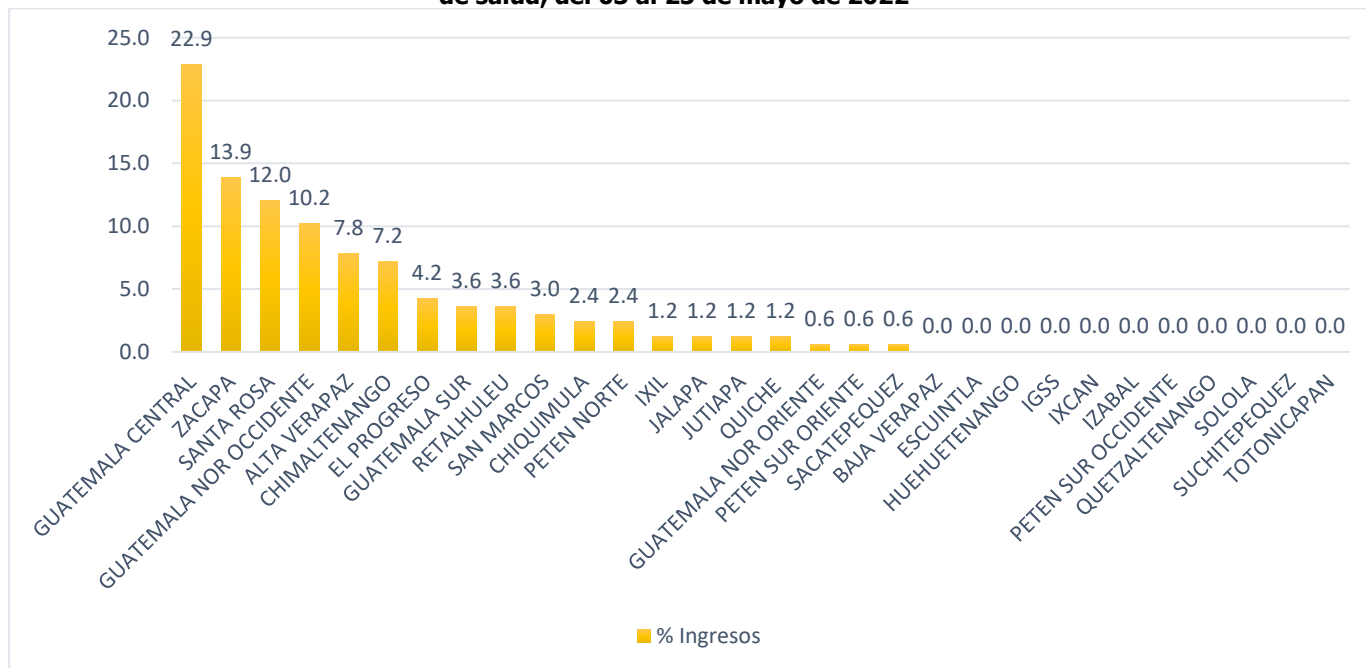
Bárcena Villa Nueva, 03 de junio de 2022

INFORME SEQ-24-06-2022

Este informe corresponde a la detección de Variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud (LNS) para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La Gráfica 1 corresponde al ingreso al LNS de 166 muestras del 03 al 25 de mayo del año en curso para el proceso de secuenciación provenientes de las diferentes Áreas de Salud del país.

Gráfica 1. Porcentaje de muestras ingresadas al LNS para el proceso de secuenciación, por área de salud, del 03 al 25 de mayo de 2022

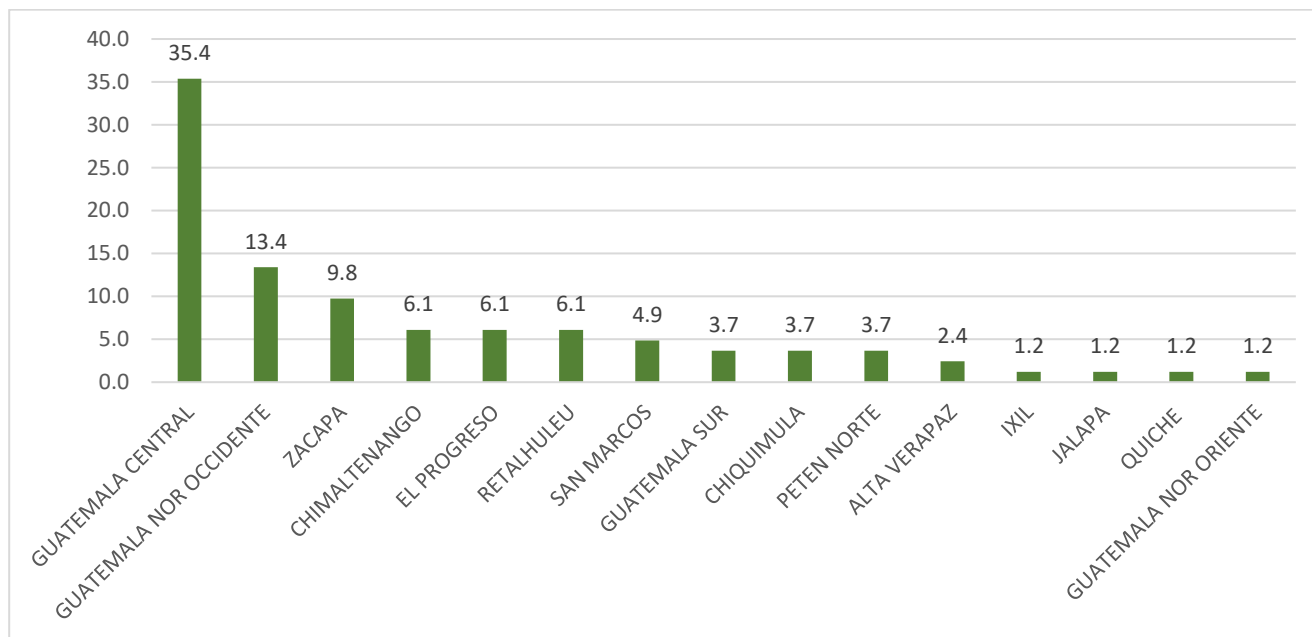


Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

De las muestras ingresadas, 101 cumplían con los criterios de aceptación de muestra para el proceso de secuenciación. De éstas muestras, 95 muestras fueron secuenciadas en el Laboratorio Nacional de Salud (LNS). De dichas muestras, se obtuvo la secuenciación genómica efectiva de 82 muestras. En la gráfica 2 se observa la procedencia de las muestras de las cuales se obtuvo una secuenciación.



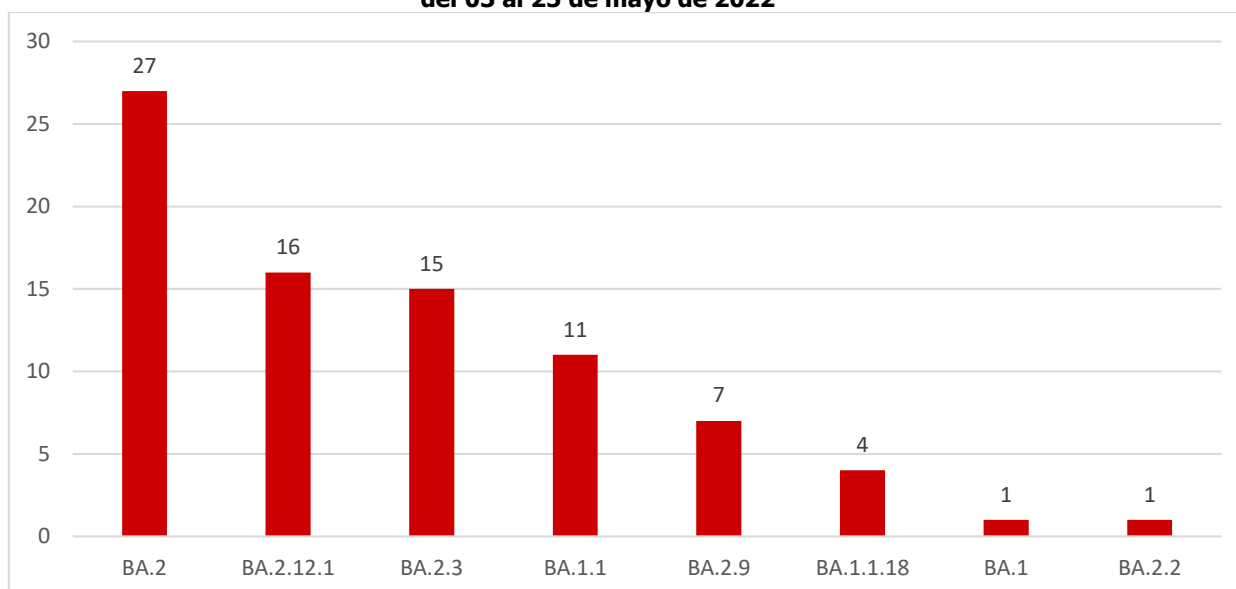
Gráfica 2. Porcentaje de muestras secuenciadas localmente, por área de salud, del 03 al 25 de mayo de 2022



Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.

Del total de las muestras que se logró la secuenciación y asignación de linaje, el 100% corresponde a la VOC Ómicron (Linajes BA.1, BA.1.1, BA.1.1.18, BA.1.15.1, BA.2, BA.2.12.1, BA.2.2, BA.2.3 y BA.2.9). Como se observa en la gráfica 3, el sublinaje BA.2 es el que se presenta con más frecuencia, seguido por el sublinaje BA.2.12.1

Gráfica 3. Variantes de Preocupación (VOC)* detectadas por el proceso de secuenciación local, del 03 al 25 de mayo de 2022



*Variante de preocupación, según la clasificación de la Organización Mundial de la Salud (OMS).

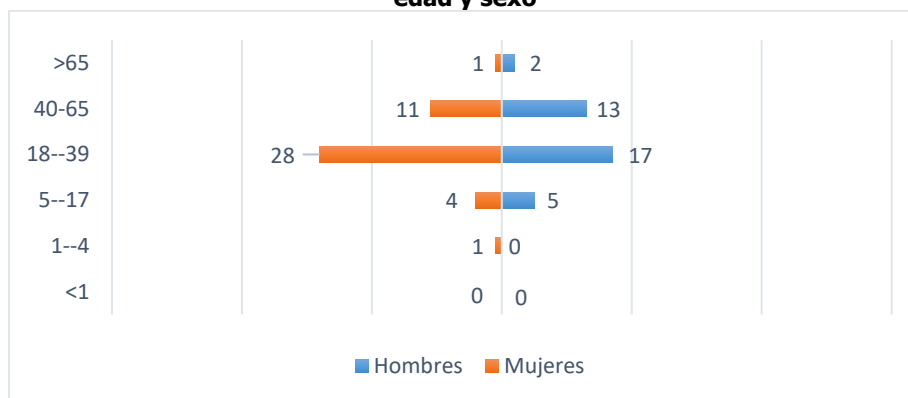
Fuente: Laboratorio Nacional de Salud –LNS–.



El sublinaje conocido como BA.2.12.1 es un sublinaje de reciente aparición, reportado por primera vez en Estados Unidos en el mes de abril de 2022. Este presenta mutaciones adicionales en la proteína espícula, las cuales no se encuentran presentes en su predecesora, BA.2. Estas mutaciones, se cree que podría estar asociadas al aumento de contagio (se reporta que este sublinaje es 23 al 27% más contagiosa que su predecesora), ya que se reporta que BA.2.12.1 representa hasta el 36% de los casos reportados en Estados Unidos. Asimismo, estas mutaciones podrían estar involucradas en la fuerte evasión de neutralización contra anticuerpos de personas vacunadas. Sin embargo, a pesar del aumento de los casos de BA.2.12.1, no se espera un aumento en la cantidad de pacientes hospitalizados por la aparición de BA.2.12.1. De acuerdo a los Centros para el Control y Prevención de Enfermedades de Estados Unidos, se requiere de más evidencia y estudios para caracterizar este nuevo sublinaje.

De las 95 muestras secuenciadas, la mayoría pertenecen al sexo femenino con predominio en los rangos de edad de 18 a 39 años (gráfica 4).

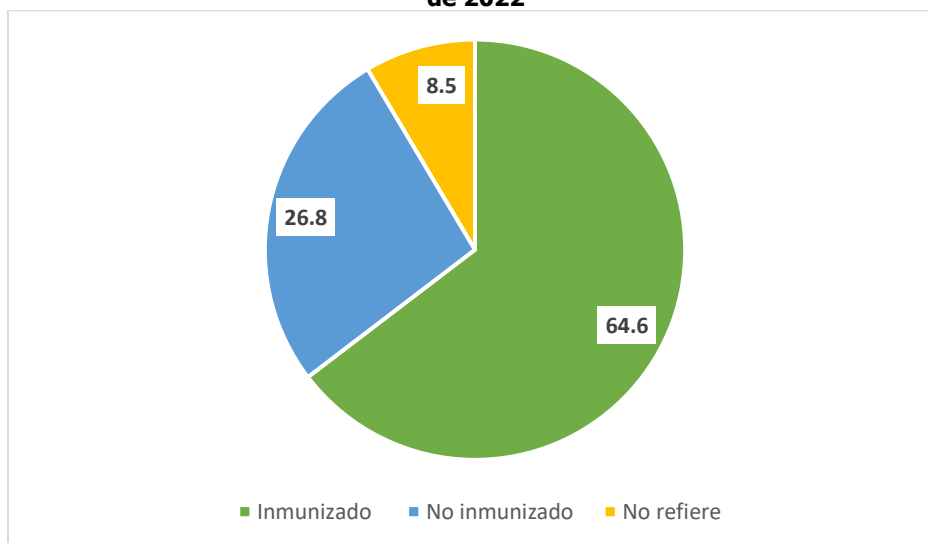
Gráfica 4. Casos de VOC de muestras secuenciadas localmente, del 03 al 25 de mayo de 2022, por edad y sexo



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

De los casos secuenciados la mayoría refirió antecedentes de vacunación, según ficha epidemiológica.

Gráfica 5. Casos inmunizados de VOC de muestras secuenciadas localmente, del 03 al 25 de mayo de 2022



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

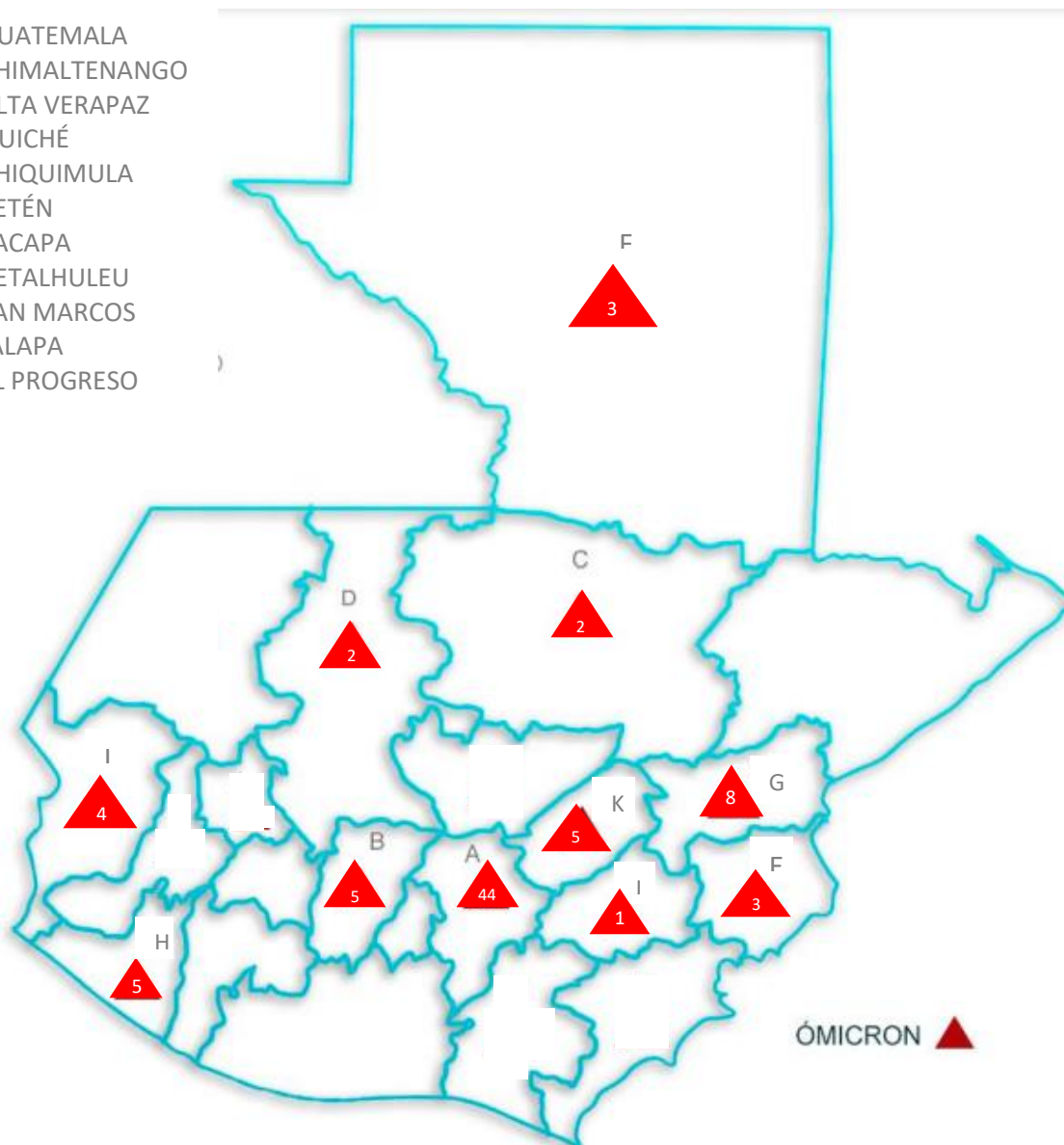




A continuación se presentan los casos de VOC detectados en Guatemala distribuidos por departamento.

Imagen 1. Distribución de casos VOC detectados por departamento del 03 al 25 de mayo de 2022

- A. GUATEMALA
- B. CHIMALTENANGO
- C. ALTA VERAPAZ
- D. QUICHÉ
- E. CHIQUIMULA
- F. PETÉN
- G. ZACAPA
- H. RETALHULEU
- I. SAN MARCOS
- J. JALAPA
- K. EL PROGRESO



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.



Por último, se presenta el comportamiento de las variantes de preocupación detectadas en muestras que ingresaron al Laboratorio Nacional de Salud a partir del 2 de enero de 2022 a la fecha, presentadas como semanas epidemiológicas (SE). En dicha gráfica, se puede observar que en las primeras semanas del año, las variantes BA.1 y BA.1.1 fueron las variantes que más se detectaron en las muestras secuenciadas. A partir de la semana del 06/03/2022, se comienza a detectar otro tipo de variantes; demostrando la importancia de mantener una vigilancia epidemiológica del SARS-CoV-2, para determinar qué variantes circulan en el país en el transcurso del tiempo y su asociación con el comportamiento de la enfermedad en la población guatemalteca. Como se mencionó en párrafos anteriores, la aparición del linaje BA.2 y sus sublinajes, puede representar un aumento en la cantidad de casos reportados en las próximas semanas.

Gráfica 6. VOC detectados por semana epidemiológica (SE) del 02 de enero al 25 de mayo de 2022

