



Bárcena Villa Nueva, 23 de diciembre de 2021

INFORME SEQ-17-12-2021

Este informe corresponde a la detección de Variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) y variantes de interés (VOI, por sus siglas en inglés *Variant of interest*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La tabla 1 corresponde a los resultados de 95 muestras ingresadas al LNS del 08 de noviembre al 02 de diciembre del año en curso para secuenciación y diagnóstico. De estas muestras, 54 cumplían con los criterios de inclusión para secuenciación. Dichas muestras fueron secuenciadas por el Instituto Costarricense de Investigación y Enseñanza en Nutrición y Salud (INCIENSA), obteniendo 40 resultados descritos a continuación:

Tabla 1. Resultados de secuenciación del genoma de SARS-CoV-2

Clasificación OMS de las variantes SARS-CoV-2	Linaje	Denominación OMS	Frecuencia	Primera Detección
VOC (Variante de preocupación)	AY.113	Delta	23	India
	B.1.617.2	Delta	8	India
	AY.119.1	Delta	3	India
	AY.126	Delta	2	India
	AY.100	Delta	1	India
	AY.122	Delta	1	India
	AY.20	Delta	1	India
	AY.43	Delta	1	India
	TOTAL			40

Fuente: Instituto Costarricense de Investigación y Enseñanza en Nutrición y Salud –INCIENSA-

Se logró la secuenciación genómica completa de 40 muestras, todas corresponden a variantes de preocupación Delta (ver gráfica 1).

Las muestras son referidas de los departamentos de Guatemala, Quiché, El Progreso, Huehuetenango, Alta Verapaz, Chimaltenango, Escuintla, San Marcos y Totonicapán (Ver imagen 1).

De las 40 VOC secuenciadas, 25 pertenecen al sexo femenino y 15 al sexo masculino, con edades comprendidas entre 3 meses a 72 años, con una media de 33 (ver gráfica 2).

Respecto a la sintomatología, la mayoría no reporta síntomas (18/40) o informan síntomas leves (13/40).

Laboratorio Nacional de Salud

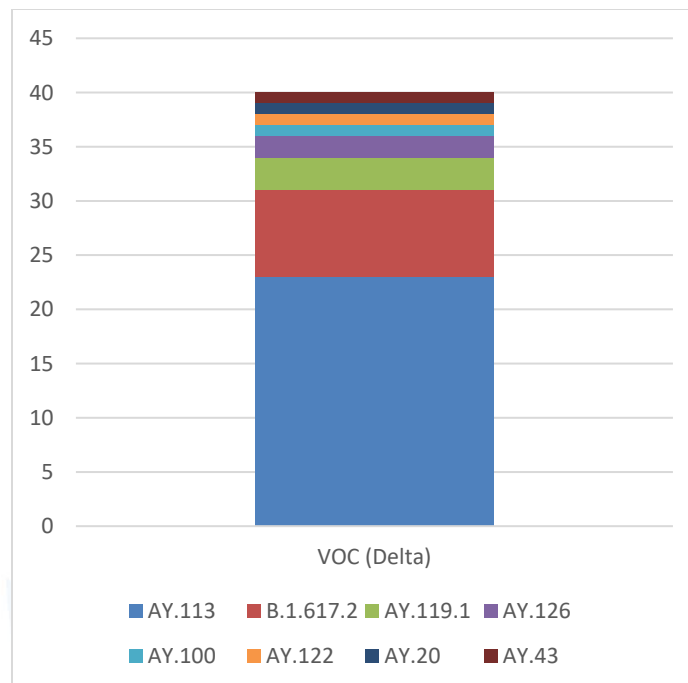


El 42% (17/40) de los casos refieren antecedentes de vacunación, el 35% (14/40) de ellos con esquema completo, la mayoría con síntomas leves (ver gráfica 3).

En este informe se encontró un índice bajo de casos de reinfección (2/40), con síntomas leves y antecedentes de vacunación.

En el 42% (17/40) de los casos se reporta antecedentes de viaje, procedentes de México y Estados Unidos, la mayoría no reporta síntomas.

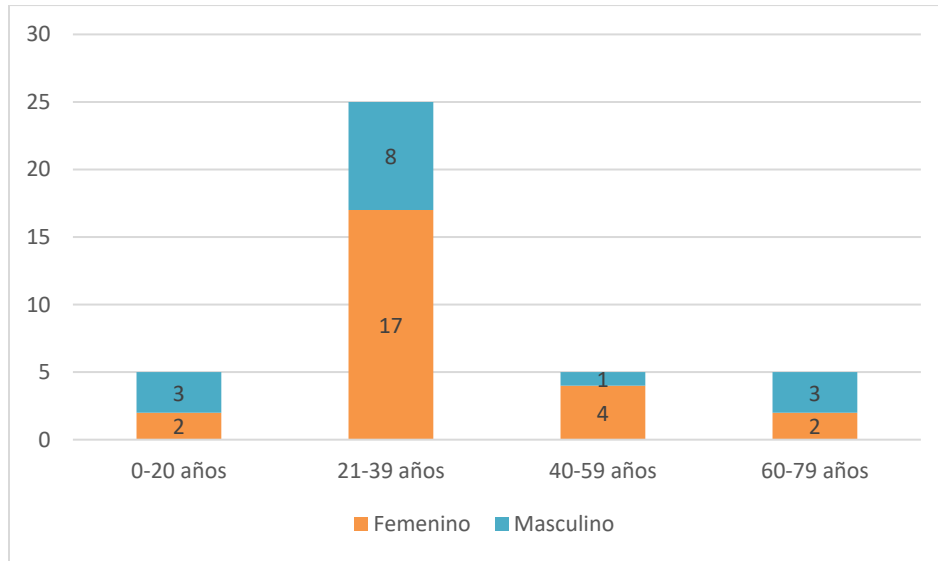
Gráfica 1. Variantes circulantes en el país



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.



Gráfica 2. Clasificación de variantes VOC por género y edad

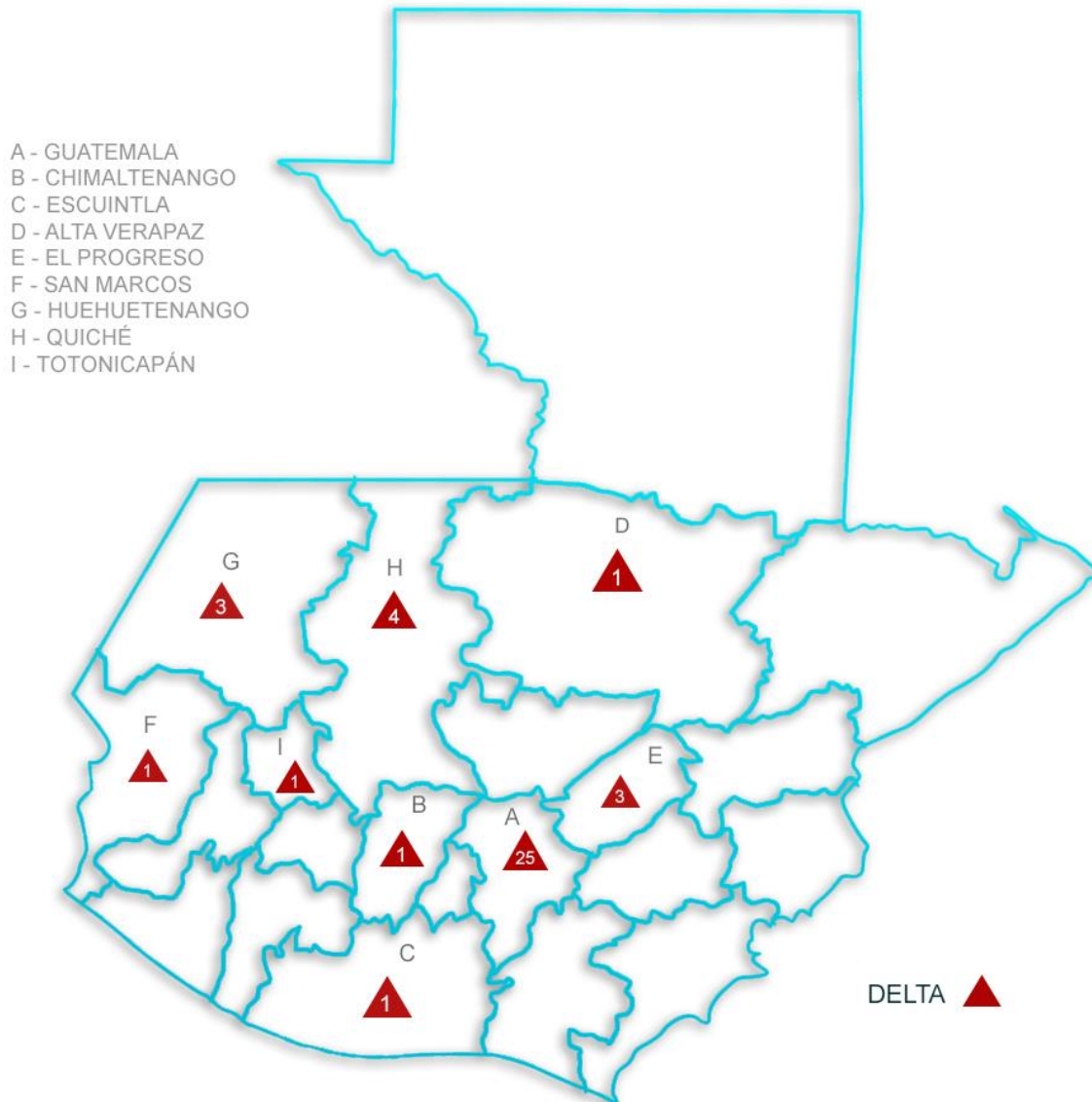


Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

Laboratorio Nacional de Salud



Imagen 1. Distribución de las variantes VOC a nivel nacional



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.