



Bárcena Villa Nueva, 09 de diciembre de 2021

INFORME SEQ-16-12-2021

Este informe corresponde a la detección de Variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) y variantes de interés (VOI, por sus siglas en inglés *Variant of interest*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La tabla 1 corresponde a los resultados de 106 muestras ingresadas al LNS del 12 de octubre al 04 de noviembre del año en curso, para secuenciación y diagnóstico. De éstas muestras, 70 cumplían con los criterios de inclusión para secuenciación. Dichas muestras fueron secuenciadas por el Instituto Costarricense de Investigación y Enseñanza en Nutrición y Salud (INCIENSA), obteniendo 57 resultados descritos a continuación:

Tabla 1. Resultados de secuenciación del genoma de SARS-CoV-2

Clasificación OMS de las variantes SARS-CoV-2	Linaje	Denominación OMS	Frecuencia	Primera Detección
VOC (Variante de preocupación)	B.1.617.2	Delta	31	India
	AY.113	Delta	22	India
	AY.112	Delta	1	India
	AY.90	Delta	1	India
	AY.75	Delta	1	India
	AY.43	Delta	1	India
	TOTAL			57

Fuente: Instituto Costarricense de Investigación y Enseñanza en Nutrición y Salud –INCIENSA-

Se logró la secuenciación genómica completa de 57 muestras, todas corresponden a variantes de preocupación Delta (ver gráfica 1).

Las muestras son referidas de los departamentos de Guatemala, Chimaltenango, Zacapa, Escuintla, Alta Verapaz, Baja Verapaz, Quiché, Quetzaltenango, Sacatepéquez, San Marcos y Totonicapán (Ver imagen 1).

De las 57 VOC secuenciadas, 34 pertenecen al sexo femenino y 23 al sexo masculino, con edades comprendidas entre 9 meses a 97 años, con una media de 35 (ver gráfica 2).

Respecto a la sintomatología, ésta se distribuye de manera homogénea en ambos géneros. La mayoría no reporta síntomas (16/57) o informan síntomas leves (28/54).

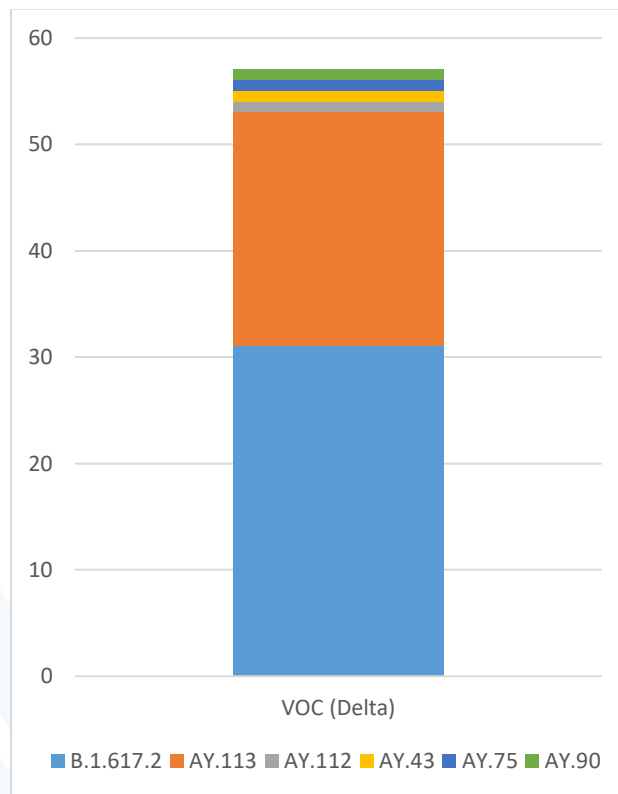
El 53% (30/57) de los casos refieren antecedentes de vacunación, el 47% (27/57) de ellos con esquema completo, la mayoría con síntomas leves (ver gráfica 3).



En este informe se encontró un índice bajo de casos de reinfección (2/57), con síntomas leves y antecedentes de vacunación.

En el 28% (16/57) de los casos se reporta antecedentes de viaje, procedentes de México y Estados Unidos, la mayoría no reporta síntomas.

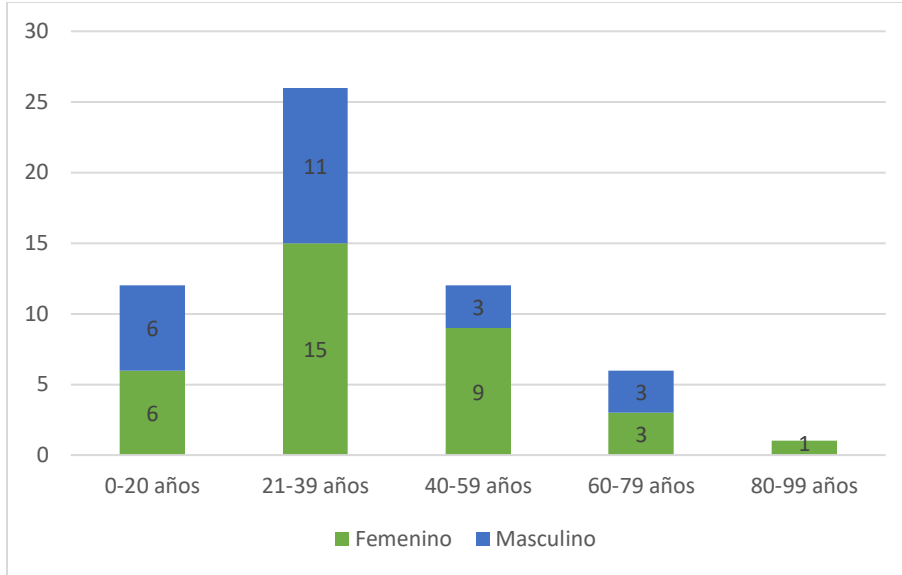
Gráfica 1. Variantes circulantes en el país



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

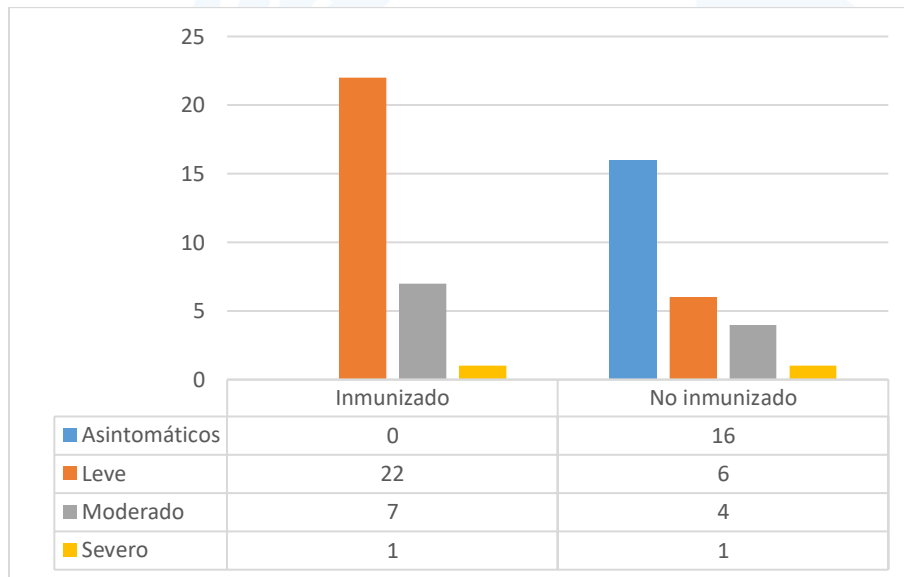


Gráfica 2. Clasificación de variantes VOC por género y edad



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

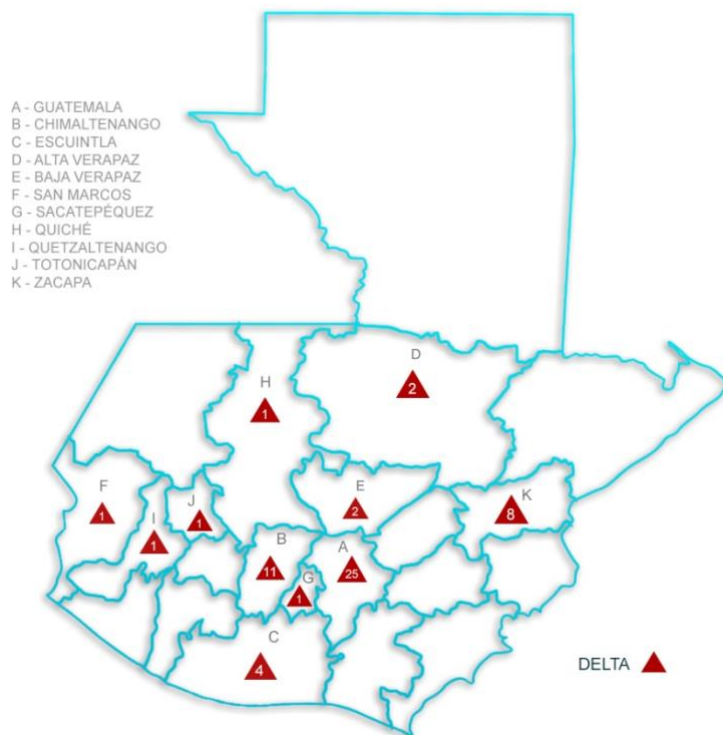
Gráfica 3. Inmunización y sintomatología en pacientes con VOC



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.



Imagen 1. Distribución de las variantes VOC a nivel nacional



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

