



Bárcena Villa Nueva, 21 de octubre de 2021

INFORME SEQ-14-10-2021

Este informe corresponde a la detección de Variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) y variantes de interés (VOI, por sus siglas en inglés *Variant of interest*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La tabla 1 corresponde a los resultados de 130 muestras recibidas en el LNS del 22 de agosto al 05 de octubre del año en curso, para secuenciación y diagnóstico. De éstas muestras, 80 cumplían con los criterios de inclusión para secuenciación. Dichas muestras fueron secuenciadas por la Asociación de Salud Integral-ASI- y la Clínica Familiar "Luis Ángel García"/Hospital General San Juan de Dios (HGSJDD) obteniendo 79 resultados descritos a continuación:

Tabla 1. Resultados de secuenciación del genoma de SARS-CoV-2

Clasificación OMS de las variantes SARS-CoV-2	Linaje	Denominación OMS	Frecuencia	Primera Detección
VOC (Variante de preocupación)	B.1.617.2	Delta	73	India
	AY.12	Delta	1	India
	AY.25	Delta	1	India
	AY.37	Delta	2	India
	P.1.12	Gamma	1	Brasil
Otros	B.1.628		1	
TOTAL			79	

Fuente: Datos obtenidos por ASI y Clínica Familiar "Luis Ángel García"/HGSJDD.

Se logró la secuenciación genómica completa de 79 muestras, encontrándose 78 variantes de preocupación (VOC) de las cuales 77 son Delta, que corresponden al 98.71% (77/78) de las muestras secuenciadas y una Gamma que corresponde al 1.28% (1/78) (Ver gráfica 1).

De las 78 VOC secuenciadas, 46 pertenecen al sexo femenino y 32 al sexo masculino (ver gráfica 2), con edades comprendidas entre 2 y 78 años, con una media de 31.38 (ver gráfica 3).

Las muestras son referidas de los departamentos de Guatemala, Chimaltenango, Alta Verapaz, Escuintla, El Progreso, Chiquimula, Petén, Quetzaltenango, Retalhuleu y Totonicapán (Ver imagen 1).

Laboratorio Nacional de Salud

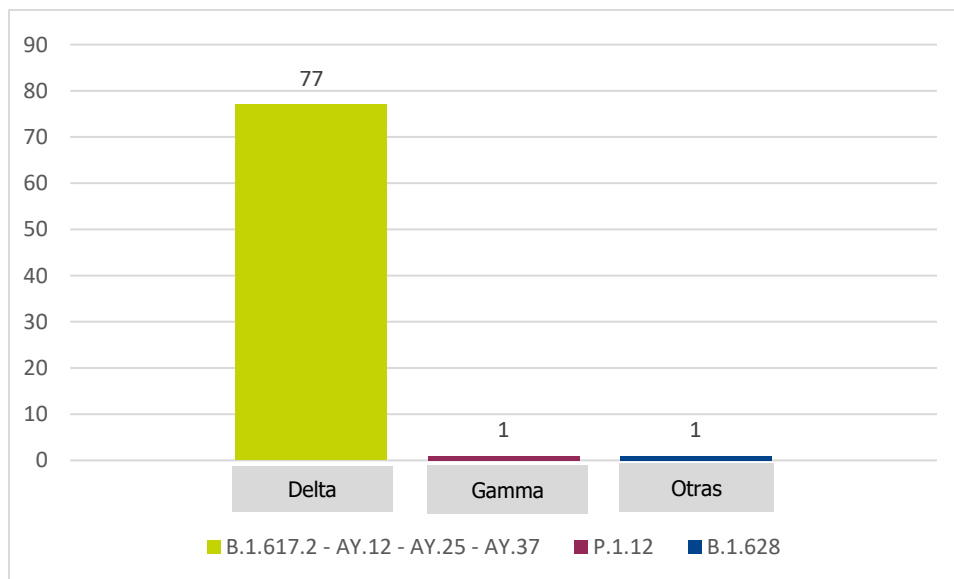


El 42.30% (33/78) de los casos refieren antecedentes de vacunación, el 33.33% (26/78) de ellos con esquema completo, la mayoría con síntomas leves y moderados (ver gráfica 4).

El 6.41% (5/78) son casos de reinfección, sin antecedentes de viaje, la mayoría con sintomatología leve, 3 de ellos reportan antecedentes de vacunación.

En el 21.79% (17/78) de los casos se reporta antecedentes de viaje, todos procedentes de Estados Unidos, sin presencia de síntomas y sin antecedentes de vacunación.

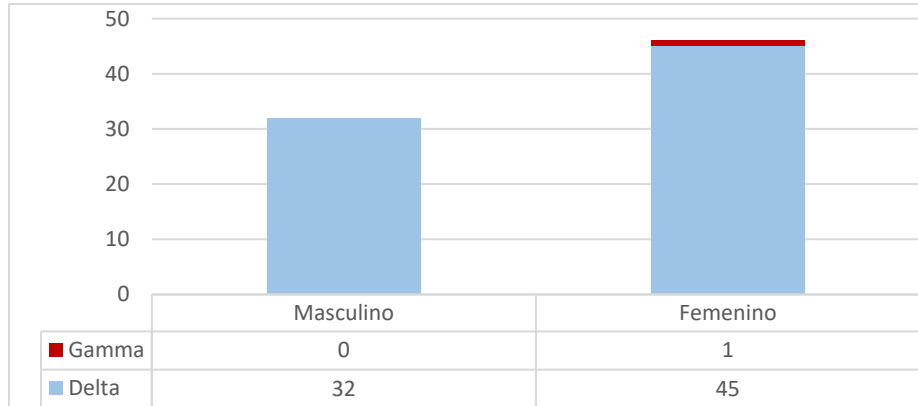
Gráfica 1. Variantes circulantes en el país



Fuente: Datos obtenidos por ASI, Clínica Familiar "Luis Ángel García"/HGSJDD.

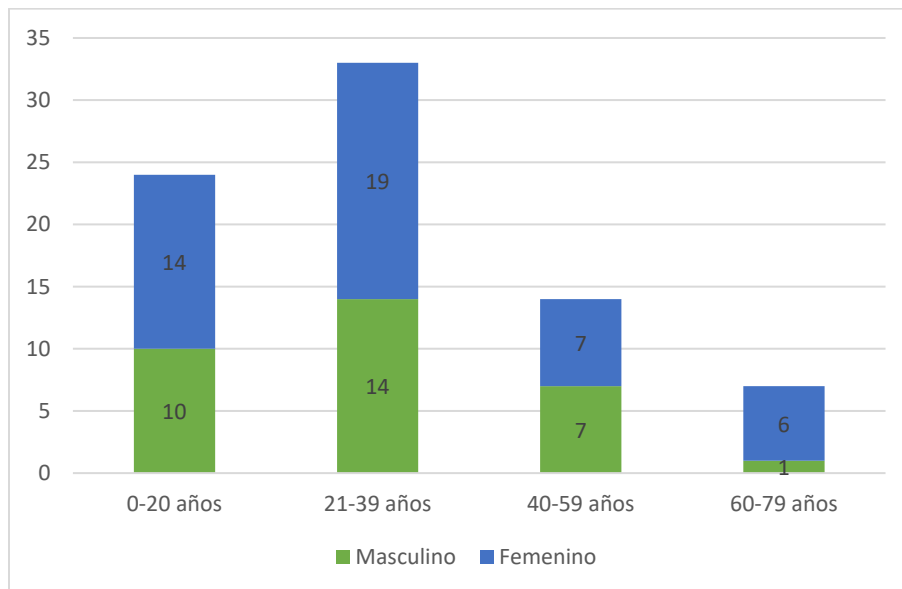


Gráfica 2. Clasificación de variantes VOC por género



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

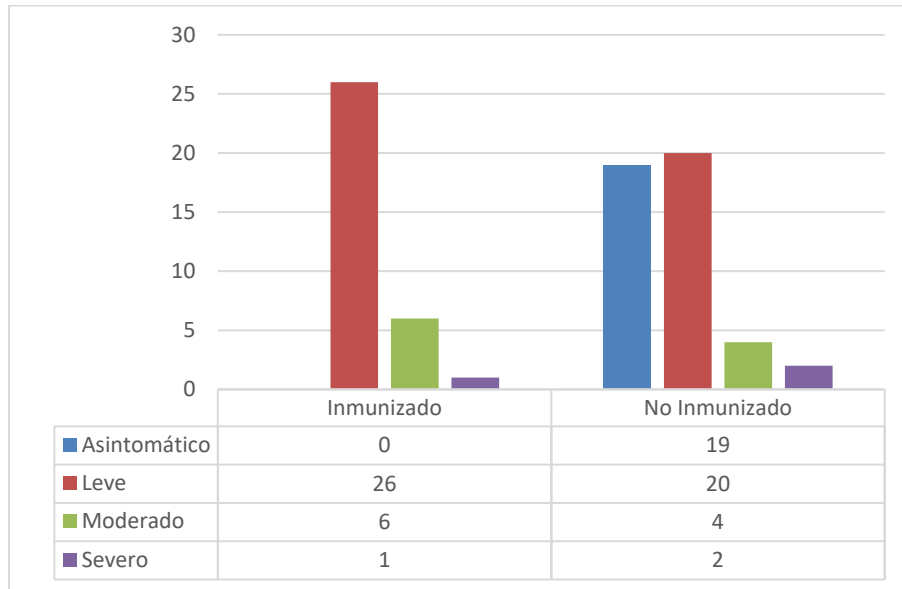
Gráfica 3. Clasificación de variantes VOC por género y edad



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

Gráfica 4. Inmunización y sintomatología en pacientes con VOC

Laboratorio Nacional de Salud



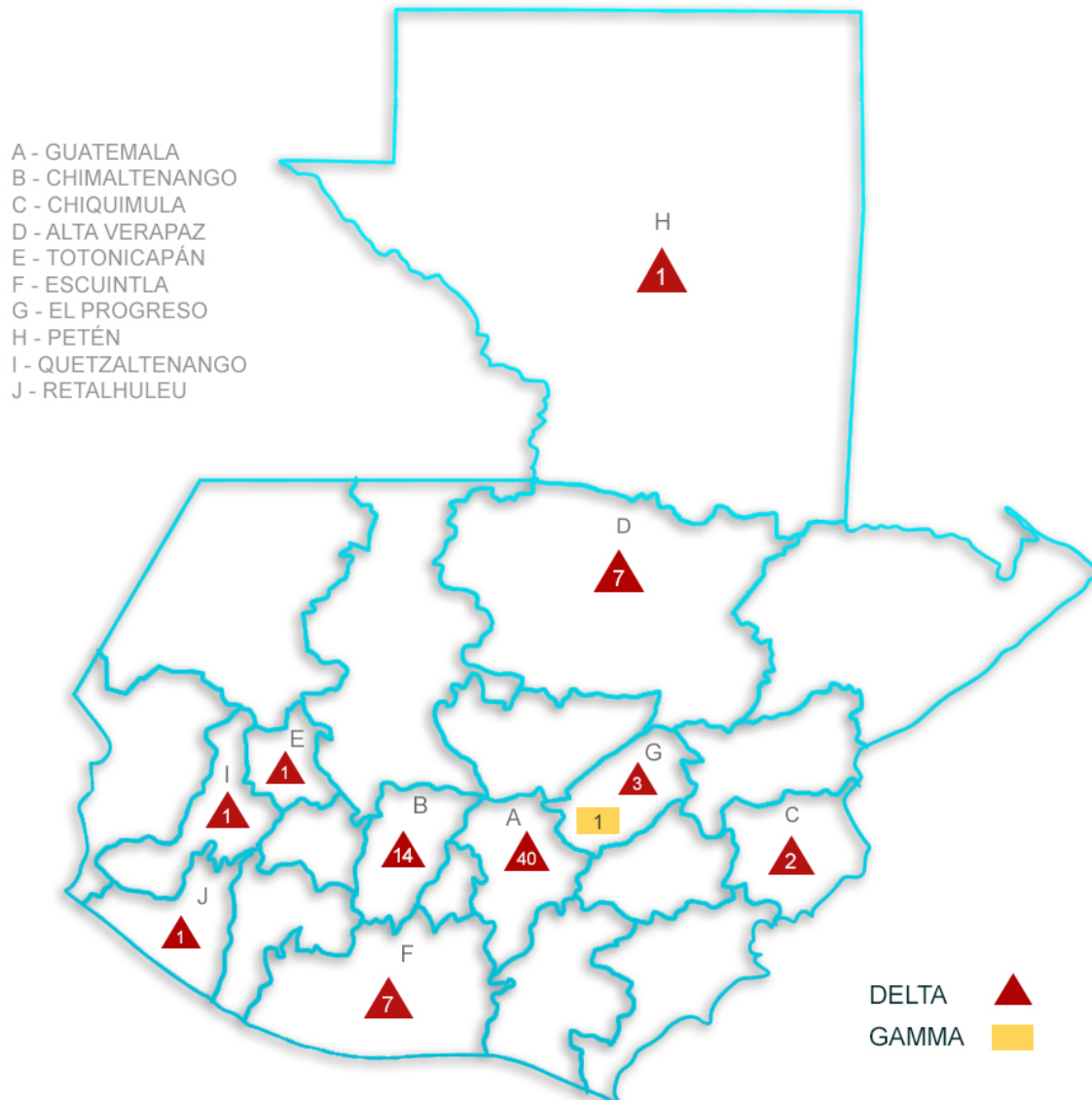
Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.



Laboratorio Nacional de Salud



Imagen 1. Distribución de las variantes VOC a nivel nacional



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.