



Bárcena Villa Nueva, 06 de octubre de 2021

INFORME SEQ-12-10-2021

Este informe corresponde a la detección de Variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) y variantes de interés (VOI, por sus siglas en inglés *Variant of interest*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La tabla 1 indica los resultados de 99 muestras recibidas para secuenciación y diagnóstico ingresadas al LNS, correspondientes a las fechas del 16 al 21 de septiembre del año en curso, de las cuales se seleccionaron 50 muestras para el envío, obteniéndose 42 muestras secuenciadas. Por otra parte, 19 muestras corresponden a muestras pendientes de procesar del envío pasado, que comprenden fecha de ingreso al LNS del 30 de agosto al 12 de septiembre del mismo año. Todas las muestras cumplían con los criterios de inclusión para tamizaje por VOC, las cuales fueron secuenciadas por la Asociación de Salud Integral-ASI- y la Clínica Familiar "Luis Ángel García"/Hospital General San Juan de Dios obteniendo:

Tabla 1. Resultados de secuenciación del genoma de SARS-CoV-2

Clasificación OMS de las variantes SARS-CoV-2	Linaje	Denominación OMS	Frecuencia	Primera Detección
VOC (Variante de preocupación)	B.1.617.2	Delta	61	India
TOTAL			61	

Fuente: Datos obtenidos por la Asociación de Salud Integral-ASI- y Clínica Familiar "Luis Ángel García"/Hospital General San Juan de Dios

Se logró la secuenciación genómica completa de 61 muestras, el 100% corresponde a la variante de preocupación Delta, linaje B.1.617.2. Se observa aumento de la variante Delta respecto a informes anteriores de secuenciación y alertas emitidas, se agruparon los informes SEQ-06, 07 y 08 ya que corresponden al mismo periodo de tiempo (ver gráfica 1).

De los 61 pacientes, 30 pertenecen al sexo femenino y 31 al sexo masculino, con edades comprendidas entre 1 mes a 91 años, con una media de 32 (ver gráfica 2). Se resaltan 3 casos de pacientes menores a 1 año y 3 pacientes entre 2 y 9 años de edad. Las muestras son referidas de los departamentos de Zacapa, Alta Verapaz, Baja Verapaz, Chimaltenango, Chiquimula, Guatemala, Escuintla, Huehuetenango, Petén, Quetzaltenango, Quiché, Sacatepéquez, Totonicapán (Ver imagen 1).

Laboratorio Nacional de Salud

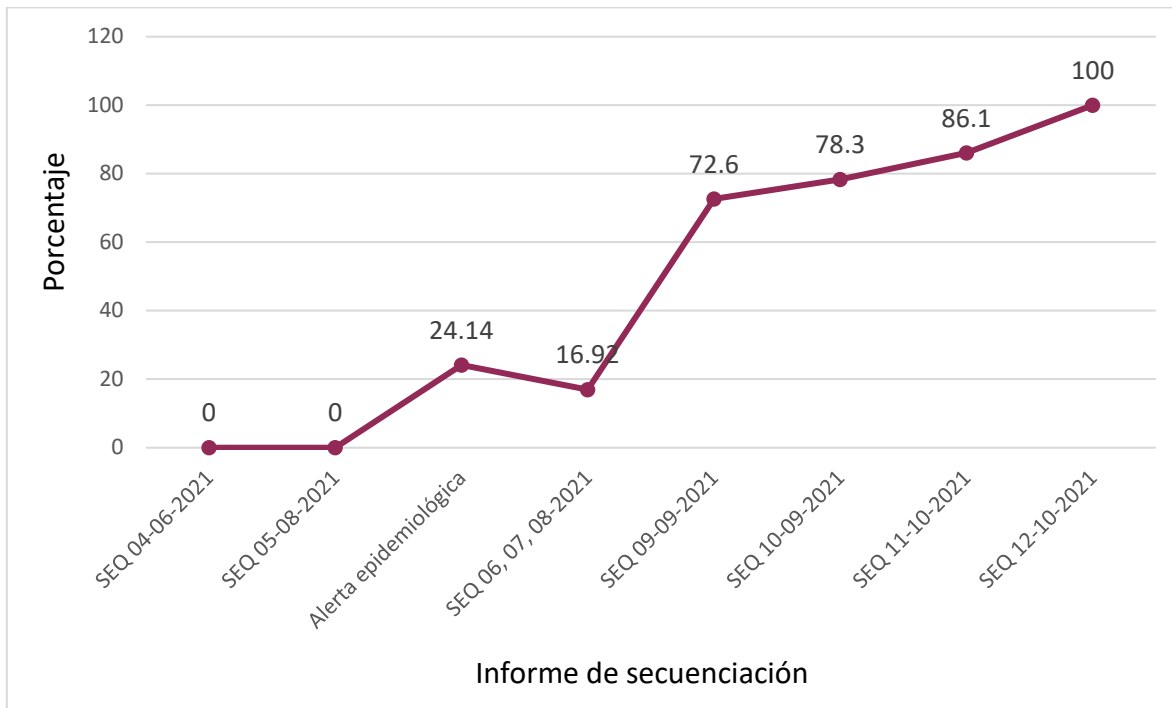


El 34% (21/61) de los casos refieren antecedentes de vacunación, 18 de ellos con esquema completo, la mayoría con sintomatología leve y moderado (ver gráfica 3).

El 10% (6/61) son casos de reinfección, sin antecedentes de viaje, con sintomatología leve, 4 de ellos reportan antecedentes de vacunación.

En el 10% (6/61) se informa antecedentes de viaje, todos procedentes de Estados Unidos, ninguno refiere síntomas ni antecedentes de vacunación.

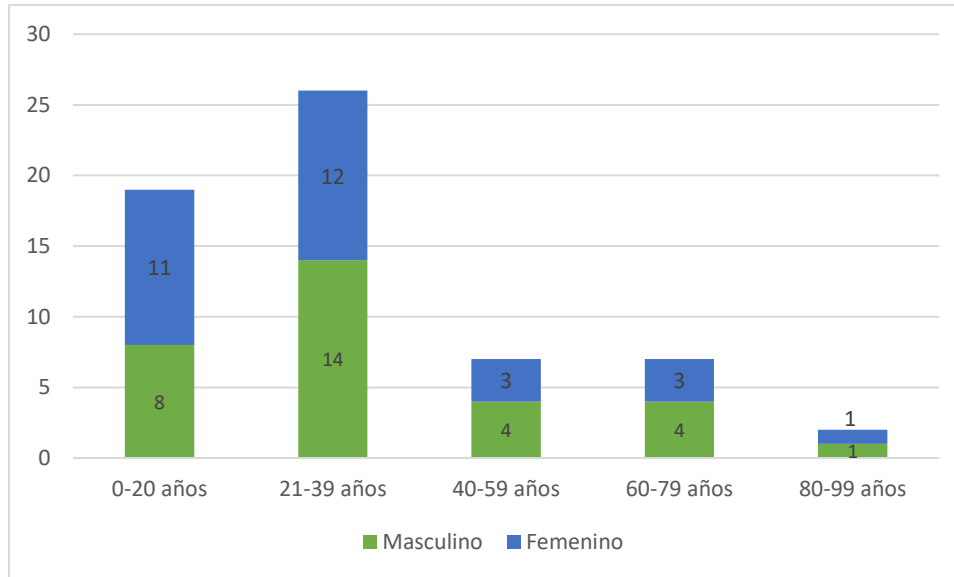
Gráfica 1. Porcentaje de variante Delta circulante en el país



Fuente: Información obtenida de Informes-SEQ-2021, Laboratorio Nacional de Salud.

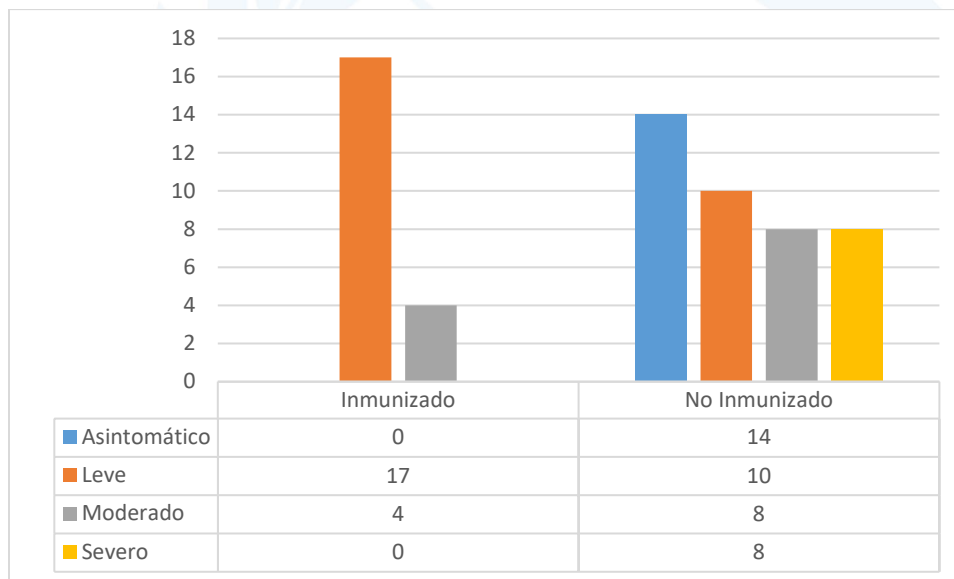


Gráfica 2. Clasificación de variantes VOC por género y edad



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

Gráfica 3. Inmunización y sintomatología en pacientes con VOC

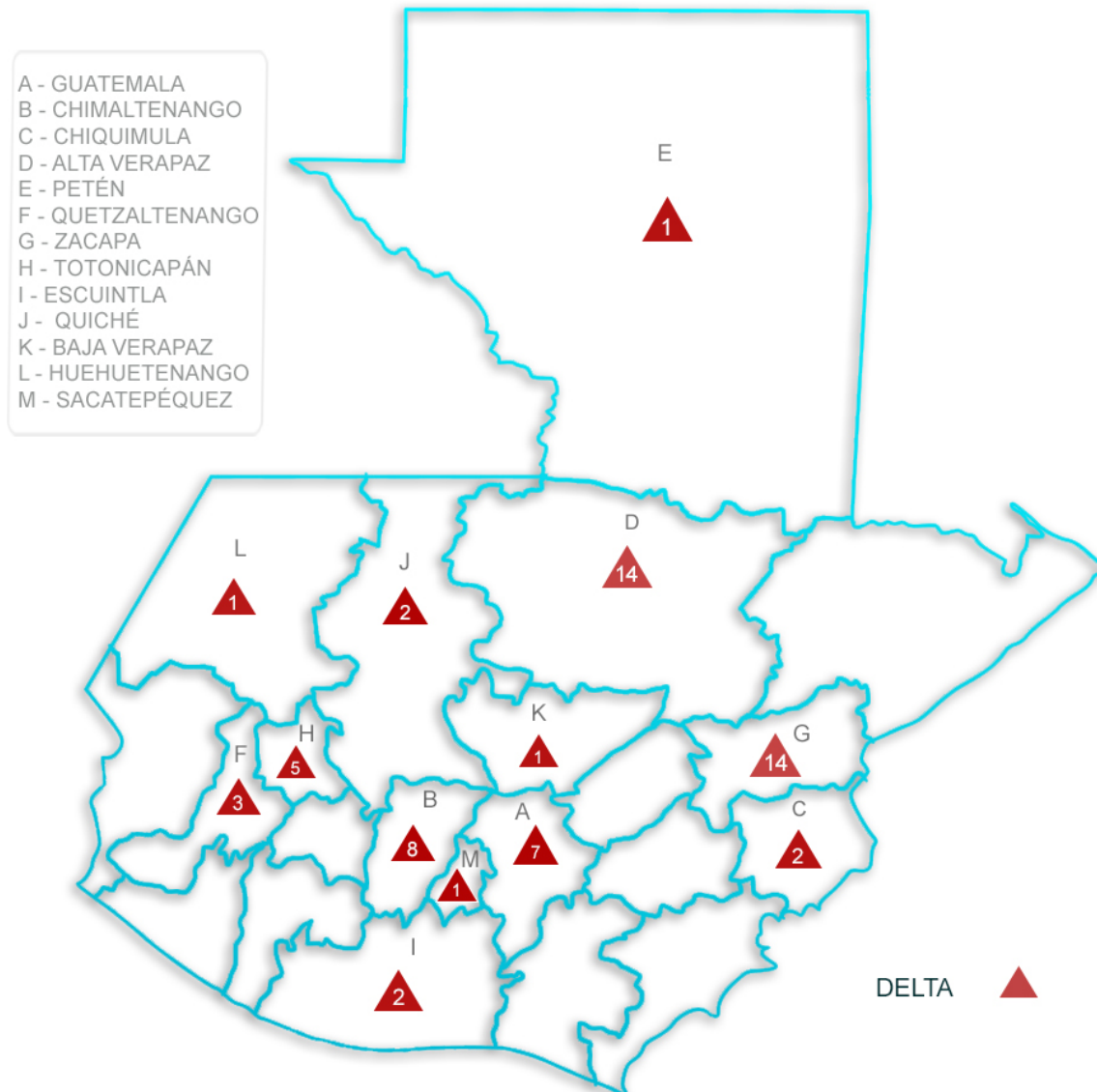


Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

Laboratorio Nacional de Salud



Imagen 1. Distribución de las variantes VOC a nivel nacional



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.