



Bárcena Villa Nueva, 27 de agosto de 2021

## INFORME SEQ-07-08-2021

Este informe corresponde a la detección de Variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variants of Concern*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La tabla 1 corresponde a los resultados de secuenciación de las muestras ingresadas al LNS del 22 de junio al 6 de agosto (ver informe SEQ-06-08-2021). En dicho informe, de las 2563 muestras tamizadas para VOC, se seleccionaron 90 para su envío a la Asociación de Salud Integral (ASI), obteniendo 57 resultados descritos a continuación:

Tabla 1. Resultados de secuenciación muestras enviadas a la Asociación de Salud Integral-ASI-

|       | Linaje       | Denominación<br>OMS | Frecuencia | Primera Detección |
|-------|--------------|---------------------|------------|-------------------|
| VOC   | B.1.617.2    | Delta               | 11         | India             |
|       | P.1          | Gamma               | 4          | Brasil            |
| VOI   | C.37         | Lambda              | 1          | Perú              |
| Otras | A.2.5        |                     | 32         |                   |
|       | A.2.5.3      |                     | 1          |                   |
|       | B.1          |                     | 1          |                   |
|       | B.1.1.519    |                     | 1          |                   |
|       | B.1.627      |                     | 2          |                   |
|       | B.1.628      |                     | 4          |                   |
|       | <b>TOTAL</b> |                     | <b>57</b>  |                   |

Fuente: Datos obtenidos por la Asociación de Salud Integral-ASI-, 2021.

VOC: variante de preocupación, VOI: variante de interés.

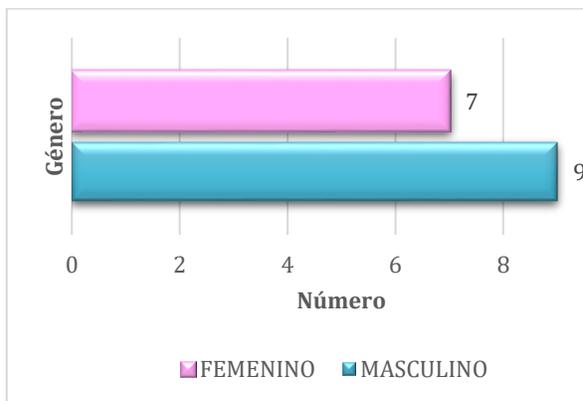
De los 57 resultados reportados por ASI, se detectaron 15 muestras con VOC: Delta B.1.617.2 (11), Gamma P.1 (4) y 1 VOI: Lambda C.37, ésta última corresponde a un paciente femenino de 36 años de edad, asintomático, con antecedentes de viaje, sin datos de vacunación, referida por la Dirección del Área de Salud de Guatemala Central.

Las 15 muestras VOC corresponden a 6 pacientes de sexo femenino y 9 de sexo masculino (gráfica 1), con edades entre 17 a 86 años de edad con una media de 43 años (gráfica 2).



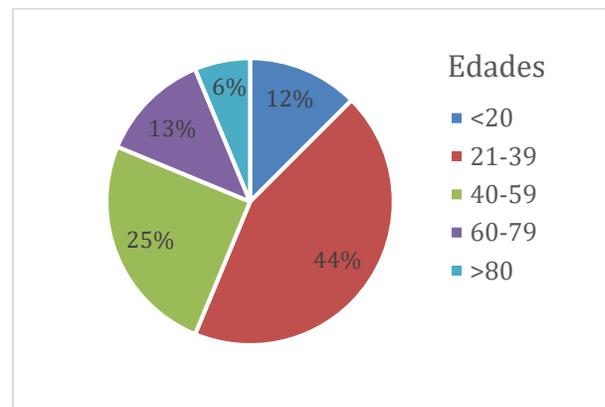
Estas muestras fueron referidas de los departamentos de Alta Verapaz, Guatemala, Sacatepéquez, San Marcos y dos pacientes enviados por Guatemala Central con antecedente de viaje deportados que indican como residencia Huehuetenango y Jutiapa. Algunas muestras ingresaron del Instituto Guatemalteco de Seguridad Social (IGSS) y Hospitales Privados. Es importante mencionar la circulación de la variante Delta en los departamentos de Guatemala (7), Alta Verapaz (1) y se añade a la lista los departamentos de Sacatepéquez (2) y San Marcos (1) (gráfica 3 e imagen 1).

**Gráfica 1. Clasificación por género**



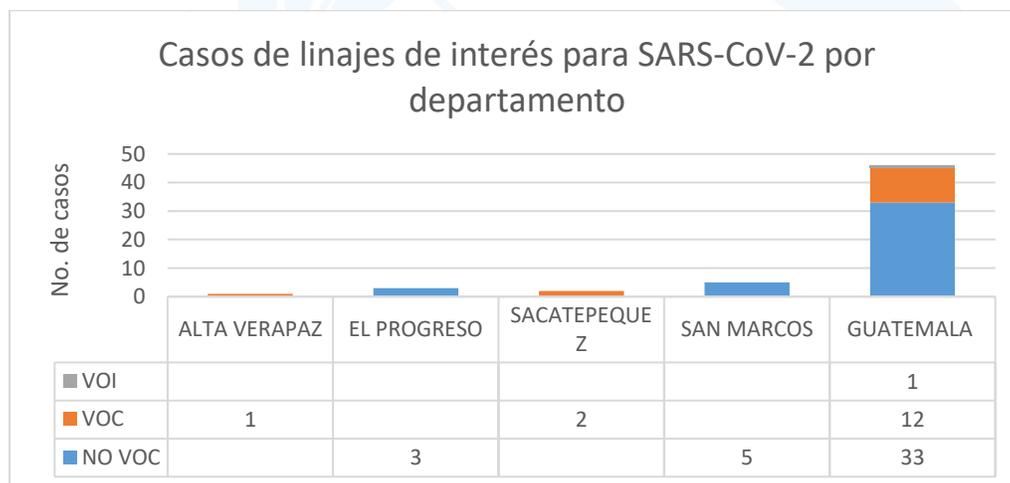
Fuente: Datos obtenidos por la Asociación de Salud Integral-ASI-, 2021.

**Gráfica 2. Clasificación por edad**



Fuente: Datos obtenidos por la Asociación de Salud Integral-ASI-, 2021.

**Gráfica 3. Distribución por departamento.**



Fuente: Datos obtenidos por la Asociación de Salud Integral-ASI-, 2021.



**Imagen 1. Distribución de las variantes a nivel nacional.**

